

Estudio Nacional de Diagnóstico Institucional y Prevalencia de Infecciones Asociadas al Cuidado de la Salud de Hospitales de Argentina

Edición 2017

Informe de Resultados

(Consolidado – 159 instituciones)

Este informe presenta los resultados del 19° Estudio Nacional de Prevalencia de IACS en Hospitales de Argentina, en el marco del Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA).

Mar del Plata, 29 de Diciembre de 2017

CONTENIDOS

| | | |
|---|--|-----|
| ✓ | Autoridades..... | 1 |
| ✓ | Comisión ejecutiva del Programa VIHDA..... | 2 |
| ✓ | Universo de Trabajo | 3 |
| ✓ | Instituciones participantes | 4 |
| | o Distribución de instituciones por región geográfica..... | 9 |
| ✓ | Resultados..... | 12 |
| | o Áreas críticas..... | 13 |
| | ▪ Unidades de cuidados intensivos de adultos..... | 14 |
| | ▪ Unidades de cuidados intensivos pediátricas..... | 19 |
| | ▪ Unidades de cuidados intensivos neonatales..... | 23 |
| | ▪ Datos microbiológicos..... | 27 |
| | o Consolidado nacional..... | 28 |
| | o Consolidado regional AMBA..... | 38 |
| | o Consolidado regional CENTRO..... | 45 |
| | o Consolidado regional NORTE GRANDE..... | 51 |
| | o Consolidado regional NUEVO CUYO..... | 57 |
| | o Consolidado regional BUENOS AIRES..... | 63 |
| | o Consolidado regional PATAGONIA..... | 69 |
| | o Áreas no críticas..... | 74 |
| | ▪ Pacientes adultos..... | 75 |
| | ▪ Pacientes pediátricos..... | 80 |
| | ▪ Datos microbiológicos..... | 85 |
| | o Consolidado nacional..... | 86 |
| | o Consolidado regional AMBA..... | 100 |
| | o Consolidado regional CENTRO..... | 108 |

-
- Consolidado regional NORTE GRANDE.....116
 - Consolidado regional NUEVO CUYO.....123
 - Consolidado regional BUENOS AIRES.....129
 - Consolidado regional PATAGONIA.....135

AUTORIDADES

PRESIDENTE DE LA NACIÓN

Ing. Mauricio MACRI

MINISTRO DE SALUD

Dr. Adolfo RUBENSTEIN

SECRETARIO DE POLITICAS, REGULACION E INSTITUTOS

Dr. Luis Alberto GIMÉNEZ

DIRECTOR A CARGO DE LA ADMINISTRACION NACIONAL DE LABORATORIOS E INSTITUTOS DE SALUD "DR. CARLOS G. MALBRÁN"

Dr. Carlos Alberto UBEIRA

DIRECTOR DEL INSTITUTO NACIONAL DE EPIDEMIOLOGIA "DR. JUAN H. JARA"

Dra. Leticia MILLER

DIRECTOR DEL PROGRAMA NACIONAL DE PREVENCION Y CONTROL DE INFECCIONES HOSPITALARIAS

Lic. Norma PERALTA

DIRECTOR DEL PROGRAMA NACIONAL DE VIGILANCIA DE INFECCIONES HOSPITALARIAS DE ARGENTINA (VIHDA)

Lic. Norma PERALTA

COMISIÓN EJECUTIVA DEL PROGRAMA VIHDA

Lic. Norma Peralta (Directora)

Ing. Roberto Giordano Lerena

Dr. Gonzalo Corral

PU. Diego Arcidiácono

Dra. Leonor Guerriero

Ing. Laura Fernández

Ing. Carolina Díaz

Tec. Fernando Hinojal

Estudio Nacional de Prevalencia de IACS en Hospitales de Argentina

Edición 2017

En el marco Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) se realizó el 19° Estudio Nacional de Prevalencia de IACS en Hospitales de Argentina.

Este estudio consiste en un relevamiento de la situación en lo que hace a infecciones asociadas al cuidado de la salud en las áreas críticas (unidades de cuidados intensivos) y no críticas de las instituciones participantes. Participaron instituciones públicas y privadas de nuestro país, sin necesariamente formar parte del Programa Nacional como institución adherida.

En el estudio, participaron instituciones del extranjero pero a efectos de describir la situación de la Argentina exclusivamente, no forman parte de este informe.

Participaron **159 hospitales** correspondientes a **24 provincias** del país. Estos centros, que adhirieron voluntariamente al estudio, realizaron el relevamiento en las unidades en el mes de septiembre del corriente año, afectando a más de **1434 profesionales** en este proceso.

En este estudio se contemplaron datos de **850 unidades de internación**, con un total de **15498 camas relevadas** y **7725 pacientes** encuestados en el Estudio de Prevalencia, los cuales fueron cargados en SisWEP, software desarrollado ad-hoc para la gestión y análisis de la información recolectada.

INSTITUCIONES PARTICIPANTES

| Institución | Localidad | Provincia |
|--|------------------|--------------|
| HOSPITAL ZONAL GENERAL DE AGUDOS "JULIO DE VEDIA" | 9 DE JULIO | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL LUCIO MELÉNDEZ | ADROGUE | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL MUNICIPAL DR. PEDRO SOLANET | AYACUCHO | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL MUNICIPAL DR ANGEL PINTOS | AZUL | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL MATERNO INFANTIL "ARGENTINA DIEGO" | AZUL | BUENOS AIRES |
| H.I.G.A. "DR. JOSÉ PENNA" | BAHÍA BLANCA | BUENOS AIRES |
| SANATORIO BERNAL S.R.L. | BERNAL | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL MUNICIPAL SAN LUIS | BRAGADO | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL JULIO F. RAMOS | CARLOS CASARES | BUENOS AIRES |
| SANATORIO MODELO DE CASEROS | CASEROS | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL MUNICIPAL DEL CARMEN | CHACABUCO | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL MUNICIPAL JUAN C. SANGUINETTI | DEL VISO-PILAR | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL NACIONAL PROFESOR ALEJANDRO POSADAS | EL PALOMAR | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL DE AGUDOS DE EZEIZA "DR A. EURNEKIAN" | EZEIZA | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL EL CRUCE NÉSTOR CARLOS KIRCHNER | FLORENCIO VARELA | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL ZONAL GENERAL DE AGUDOS SIMPLEMENTE EVITA | GONZALEZ CATÁN | BUENOS AIRES |
| HIGA VICENTE LÓPEZ Y PLANES | GRAL RODRIGUEZ | BUENOS AIRES |
| HTAL MERCANTE | JOSE C. PAZ | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL DR ALBERTO BALESTRINI CIUDAD EVITA | LA MATANZA | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL DR. RICARDO GUTIERREZ | LA PLATA | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL SAN ROQUE | LA PLATA | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL ITALIANO | LA PLATA | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL DR. RODOLFO ROSSI | LA PLATA | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL SOR MARIA LUDOVICA | LA PLATA | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL INTERZONAL DE AGUDOS EVITA | LANÚS | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL MUNICIPAL NUESTRA SEÑORA DE LUJAN | LUJÁN | BUENOS AIRES |
| CLÍNICA GUEMES | LUJÁN | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL DE TRAUMA Y EMERGENCIA DR. ABETE | MALVINAS | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL FRANCISCO MACÍA | MAR DE AJO | BUENOS AIRES |
| HIGA ALENDE | MAR DEL PLATA | BUENOS AIRES |
| CLINICA DEL NIÑO Y LA MADRE | MAR DEL PLATA | BUENOS AIRES |
| CLINICA PRIVADA PUEYRREDON | MAR DEL PLATA | BUENOS AIRES |
| CLÍNICA 25 DE MAYO | MAR DEL PLATA | BUENOS AIRES |
| CLÍNICA COLÓN | MAR DEL PLATA | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL ALEJANDRO KORN | MELCHOR ROMERO | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL ZONAL GENERAL HÉROES DE MALVINAS | MERLO | BUENOS AIRES |
| CLÍNICA PRIVADA PROVINCIAL S. A. | MERLO | BUENOS AIRES |

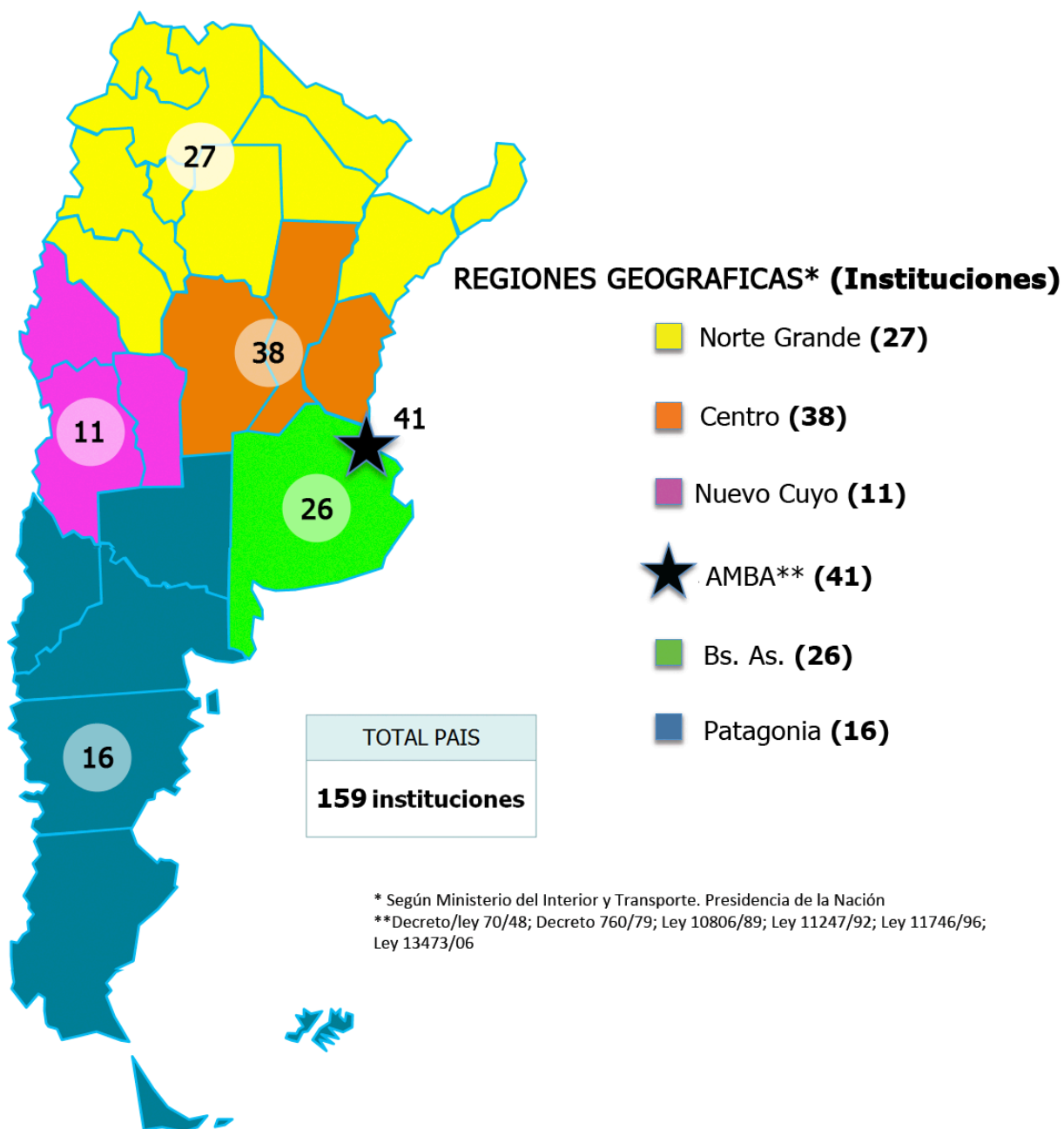
| Institución | Localidad | Provincia |
|---|--------------------|--------------|
| CLÍNICA CONSTITUYENTES | MORÓN | BUENOS AIRES |
| CLÍNICA PERGAMINO SA | PERGAMINO | BUENOS AIRES |
| CLÍNICA DEL NIÑO DE QUILMES | QUILMES | BUENOS AIRES |
| HZGA DR ARTURO OÑATIVIA | RAFAEL CALZADA | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL ZONAL GENERAL DR. POSADAS | SALADILLO | BUENOS AIRES |
| SANATORIO SAN LUCAS | SAN ISIDRO | BUENOS AIRES |
| HIGA EVA PERÓN | SAN MARTÍN | BUENOS AIRES |
| SANATORIO GENERAL SARMIENTO | SAN MIGUEL | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL MUNICIPAL DE TIGRE | TIGRE | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL DE TÓRAX DR. CETRANGOLO | VICENTE LÓPEZ | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL MUNICIPAL DE VICENTE LÒPEZ PROFESOR DR. BERNARDO HOUSSAY | VICENTE LÓPEZ | BUENOS AIRES |
| HOSPITAL INTERZONAL DE NIÑOS "EVA PERÓN" | CATAMARCA | CATAMARCA |
| HOSPITAL SAN JUAN BAUTISTA DE CATAMARCA | CATAMARCA | CATAMARCA |
| HOSPITAL PERRANDO | RESISTENCIA | CHACO |
| HOSPITAL PEDIÁTRICO DR. A. L. CASTELÁN | RESISTENCIA | CHACO |
| HOSPITAL ZONAL PRESIDENTE ALVEAR | COMODORO RIVADAVIA | CHUBUT |
| HOSPITAL REGIONAL COMODORO RIVADAVIA SANGUINETI | COMODORO RIVADAVIA | CHUBUT |
| CLINICA DEL VALLE | COMODORO RIVADAVIA | CHUBUT |
| HOSPITAL ANDRÉS ISOLA | PUERTO MADRYN | CHUBUT |
| HOSPITAL ZONAL DE TRELLEW | TRELLEW | CHUBUT |
| CLÍNICA ADVENTISTA BELGRANO | CABA | CABA |
| HOSPITAL ALEMÁN | CABA | CABA |
| INSTITUTO DE REAHABILITACION PISOFISICA (IREP) | CABA | CABA |
| SANATORIO DE LA PROVIDENCIA | CABA | CABA |
| HOSPITAL DR. COSME ARGERICH | CABA | CABA |
| HOSPITAL AERONAUTICO CENTRAL | CABA | CABA |
| UNIDAD ASISTENCIAL "POR MÁS SALUD" DR. CESAR MILSTEIN | CABA | CABA |
| HOSPITAL GENERAL DE AGUDOS CARLOS G. DURAND | CABA | CABA |
| INSTITUTO DE INVESTIGACIONES MÉDICAS ALFREDO LANARI | CABA | CABA |
| SANATORIO FINOCHIETTO | CABA | CABA |
| AMEBPBA | CABA | CABA |
| INSTITUTO CARDIOVASCULAR DE BUENOS AIRES ICBA | CABA | CABA |
| SANATORIO GÜEMES | CABA | CABA |
| CLÍNICA ZABALA | CABA | CABA |
| SANATORIO SAGRADO CORAZÓN (OSECAC) | CABA | CABA |
| SANATORIO ANCHORENA | CABA | CABA |
| SANATORIO DE LA TRINIDAD MITRE | CABA | CABA |

| Institución | Localidad | Provincia |
|---|-----------------------|------------|
| CEMIC | CABA | CABA |
| CLÍNICA DE LA ESPERANZA | CABA | CABA |
| HOSPITAL MUNICIPAL DE URGENCIAS | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| SANATORIO DEL SALVADOR | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| SANATORIO FRANCÉS | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| SANATORIO ALLENDE DEL CERRO DE LAS ROSAS | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| SANATORIO ALLENDE NVA. CBA. | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| NUEVO HOSPITAL SAN ROQUE | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| CLÍNICA SANAGEC- OSECAC | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| HOSPITAL PROVINCIAL FLORENCIO DIAZ | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| HOSPITAL MUNICIPAL PRÍNCIPE DE ASTURIAS | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| CLINICA PRIVADA VELEZ SARASFIELD | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| HOSPITAL VICENTE AGUERO | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| HOGAR PADRE LA MÓNACA | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| HOSPITAL RAWSON | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| HOSPITAL DE NIÑOS SANTÍSIMA TRINIDAD | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| CLÍNICA REINA FABIOLA | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| HOSPITAL ITALIANO | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| HOSPITAL NACIONAL DE CLINICAS | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| SANATORIO PARQUE DE CÓRDOBA | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| HOSPITAL AERONÁUTICO DE CÓRDOBA | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| HOSPITAL INFANTIL MUNICIPAL | CÓRDOBA | CÓRDOBA |
| CLÍNICA REGIONAL DEL SUD | RÍO CUATRO | CÓRDOBA |
| INSTITUTO MEDICO DE RIO CUARTO | RÍO CUATRO | CÓRDOBA |
| HOSPITAL J.B. ITURRASPE | SAN FRANCISCO | CÓRDOBA |
| HOSPITAL DOMINGO FUNES | VILLA CAEIRO | CÓRDOBA |
| HOSPITAL REGIONAL PASTEUR | VILLA MARÍA | CÓRDOBA |
| CLINICA DEL SOL DE CORRIENTES | CORRIENTES | CORRIENTES |
| HOSPITAL ANGELA IGLESIAS DE LLANO | CORRIENTES | CORRIENTES |
| CENTRO MEDICO S. A | CORRIENTES | CORRIENTES |
| HOSPITAL ESCUELA JOSÉ FRANCISCO DE SAN MARTÍN | CORRIENTES | CORRIENTES |
| INSTITUTO DE CARDIOLOGIA DE CORRIENTES JUANA F CABRAL | CORRIENTES | CORRIENTES |
| HOSPITAL PROVINCIA DR. FERNANDO IRASTORZA | CURUZU CUATIA | CORRIENTES |
| HOSPITAL SAN JUAN BAUTISTA DE CORRIENTES | SANTO TOMÉ | CORRIENTES |
| HOSPITAL CENTENARIO | GUALEGUAYCHU | ENTRE RÍOS |
| SANATORIO ADVENTISTA DEL PLATA | LIBERTADOR SAN MARTÍN | ENTRE RÍOS |
| HOSPITAL SAN BLAS | NOGOYA | ENTRE RÍOS |

| Institución | Localidad | Provincia |
|---|--------------------|------------|
| HOSPITAL MATERNO INFANTIL SAN ROQUE | PARANÁ | ENTRE RÍOS |
| HOSPITAL SAN MARTIN | PARANÁ | ENTRE RÍOS |
| HOSPITAL CENTRAL DE FORMOSA | FORMOSA | FORMOSA |
| HOSPITAL SAN ROQUE | SAN SALVADOR | JUJUY |
| ESTABLECIMIENTO ASISTENCIAL DR. LUCIO MOLAS | SANTA ROSA | LA PAMPA |
| HOSPITAL DR. ENRIQUE VERA BARROS | LA RIOJA | LA RIOJA |
| HOSPITAL REGIONAL DE LA MADRE Y EL NIÑO INMACULADA CONCEPCIÓN DE MARÍA | LA RIOJA | LA RIOJA |
| HOSPITAL ALFREDO ITALO PERRUPATO | GENERAL SAN MARTÍN | MENDOZA |
| HOSPITAL RAMÓN CARRILLO | LAS HERAS | MENDOZA |
| CLÍNICA DE CUYO | MENDOZA | MENDOZA |
| HOSPITAL LUIS LAGOMAGGIORE | MENDOZA | MENDOZA |
| SAMIC OBERA NIVEL III | OBERÁ | MISIONES |
| HOSPITAL MATERNO NEONATAL | POSADAS | MISIONES |
| HOSPITAL EDUARDO CASTRO RENDÓN | NEUQUEN | NEUQUÉN |
| CLINICA PASTEUR | NEUQUEN | NEUQUÉN |
| HOSPITAL HELLER | NEUQUEN | NEUQUÉN |
| POLICLÍNICO NEUQUÉN | NEUQUEN | NEUQUÉN |
| CLINICA DE IMAGENES | NEUQUEN | NEUQUÉN |
| SANATORIO RÍO NEGRO | CIPOLLETTI | RÍO NEGRO |
| HOSPITAL ARISTIDES ZATTI | VIDEAMA | RÍO NEGRO |
| HOSPITAL SEÑOR DEL MILAGRO | SALTA | SALTA |
| SANATORIO EL CARMEN SA | SALTA | SALTA |
| HOSPITAL JUAN DOMINGO PERON | TARTAGAL | SALTA |
| SANATORIO ARGENTINO MATERNIDAD PRIVADA | SAN JUAN | SAN JUAN |
| CLÍNICA EL CASTAÑO | SAN JUAN | SAN JUAN |
| HOSPITAL GUILLERMO RAWSON | SAN JUAN | SAN JUAN |
| HOSPITAL MARCIAL QUIROGA | SAN JUAN | SAN JUAN |
| MATERNIDAD TERESITA BAIGORRIA | SAN LUIS | SAN LUIS |
| COMPLEJO SANITARIO SAN LUIS | SAN LUIS | SAN LUIS |
| POLÍCLINICO REGIONAL PRESIDENTE PERÓN | VILLA MERCEDES | SAN LUIS |
| HOSPITAL ZONAL PEDRO TARDIVO | CALETA OLIVIA | SANTA CRUZ |
| HOSPITAL REGIONAL RÍO GALLEGOS | RÍO GALLEGOS | SANTA CRUZ |
| MATERNIDAD MARTIN | ROSARIO | SANTA FE |
| SANATORIO PARQUE DE ROSARIO | ROSARIO | SANTA FE |
| INSSJP POLICLÍNICO PAMI II | ROSARIO | SANTA FE |
| SANATORIO DE NIÑOS. GRUPO OROÑO | ROSARIO | SANTA FE |
| SANATORIO MAYO | SANTA FE | SANTA FE |
| HOSPITAL MATERNO INFANTIL SAN ROQUE | PARANÁ | ENTRE RÍOS |
| HOSPITAL SAN MARTIN | PARANÁ | ENTRE RÍOS |
| HOSPITAL CENTRAL DE FORMOSA | FORMOSA | FORMOSA |

| Institución | Localidad | Provincia |
|---|-----------------------|---------------------|
| HOSPITAL ITURRASPE | SANTA FE | SANTA FE |
| HOSPITAL CENTRAL RECONQUISTA | SANTA FE | SANTA FE |
| SAMCO SASTRE | SASTRE | SANTA FE |
| HOSPITAL INDEPENDENCIA | SANTIAGO DEL ESTERO | SANTIAGO DEL ESTERO |
| CENTRO PROVINCIAL DE SALUD INFANTIL (CEPSI) EVA PERON | SANTIAGO DEL ESTERO | SANTIAGO DEL ESTERO |
| HOSPITAL REGIONAL DE USHUAIA | USHUAIA | TIERRA DEL FUEGO |
| HOSPITAL REGIONAL DE CONCEPCIÓN DR. MIGUEL BELASCUAIN | CONCEPCIÓN | TUCUMÁN |
| SANATORIO PARQUE SA | SAN MIGUEL DE TUCUMÁN | TUCUMÁN |
| HOSPITAL NÉSTOR KIRCHNER | SAN MIGUEL DE TUCUMÁN | TUCUMÁN |
| HOSPITAL ANGEL PADILLA | SAN MIGUEL DE TUCUMÁN | TUCUMÁN |
| SANATORIO REGIONAL | SAN MIGUEL DE TUCUMÁN | TUCUMÁN |

Distribución de instituciones por región geográfica



REGIONES GEOGRÁFICAS

A fin de simplificar el análisis de los datos poblacionales y microbiológicos del estudio, hemos optado por utilizar el criterio propuesto por el Ministerio del Interior y Transporte, que agrupa al país en 6 regiones.

A continuación se detalla la composición de cada una:

- NORTE GRANDE: Catamarca, Chaco, Corrientes, Formosa, Jujuy, La Rioja, Misiones, Salta , Santiago del Estero, Tucumán
- CENTRO: Córdoba, Entre Ríos, Santa Fe
- NUEVO CUYO: Mendoza, San Juan, San Luis
- AMBA: Ciudad Autónoma de Buenos Aires y Gran Buenos Aires *Decreto/Ley 70/48; Decreto 760/79; Ley 10806/89; Ley 11247/92; Ley 11749/96; Ley 12473/06.
- BUENOS AIRES: Buenos Aires
- PATAGONIA: Chubut, La Pampa, Neuquén, Río Negro, Santa Cruz, Tierra del Fuego

Unidades relevadas

Consolidado Argentina | Áreas críticas y no críticas

| Unidad | N | Camas | Camas promedio | Pacientes | Promedio de edad |
|---------------------------------|------------|--------------|----------------|-------------|------------------|
| UCI Adultos | 125 | 1341 | 11 | 818 | 57 años |
| UCI Pediátrica | 28 | 268 | 10 | 155 | 34 meses |
| UCI Neonatal | 71 | 1239 | 17 | 632 | 24 días |
| Sala de Internación Polivalente | 136 | 3133 | 23 | 1726 | 61 años |
| Clínica Médica | 132 | 2977 | 23 | 1641 | 56 años |
| Clínica Quirúrgica | 78 | 1662 | 21 | 735 | 47 años |
| Pediatría | 56 | 1196 | 21 | 499 | 3 años |
| Obstetricia | 47 | 1228 | 26 | 308 | 26 años |
| Cuidados Intermedios | 36 | 524 | 15 | 304 | 40 años |
| Unidad Coronaria | 31 | 315 | 10 | 170 | 68 años |
| Ortopedia y Traumatología | 27 | 472 | 17 | 224 | 45 años |
| Ginecología | 20 | 341 | 17 | 83 | 31 años |
| Emergencia | 14 | 133 | 10 | 22 | 45 años |
| Cuidados Mínimos | 10 | 275 | 28 | 147 | 23 años |
| Oncología | 10 | 97 | 10 | 51 | 22 años |
| Neurocirugía | 8 | 89 | 11 | 70 | 45 años |
| Quemados | 5 | 52 | 10 | 21 | 27 años |
| Cuidados Moderados | 4 | 54 | 14 | 31 | 53 años |
| Cirugía Cardíaca | 4 | 26 | 7 | 17 | 42 años |
| Infectología | 3 | 36 | 12 | 25 | 26 años |
| Urología | 3 | 21 | 7 | 10 | 61 años |
| Dermatología | 1 | 9 | 9 | 3 | 45 años |
| Oftalmología | 1 | 10 | 10 | 3 | 44 años |
| Otras Salas | - | - | - | 30 | 42 años |
| TOTAL | 850 | 15498 | 18 | 7725 | - |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

RESULTADOS

Áreas Críticas

(129 instituciones – 224 unidades)

Unidades de Cuidados Intensivos de Adultos *(125 unidades)*

Tabla 1: **Tasa de prevalencia de IACS**
Consolidado Argentina | Áreas críticas | 125 UCIA

| N de pacientes | N de pacientes con IACS | Tasa de IACS |
|----------------|-------------------------|--------------|
| 818 | 248 | 30,32 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

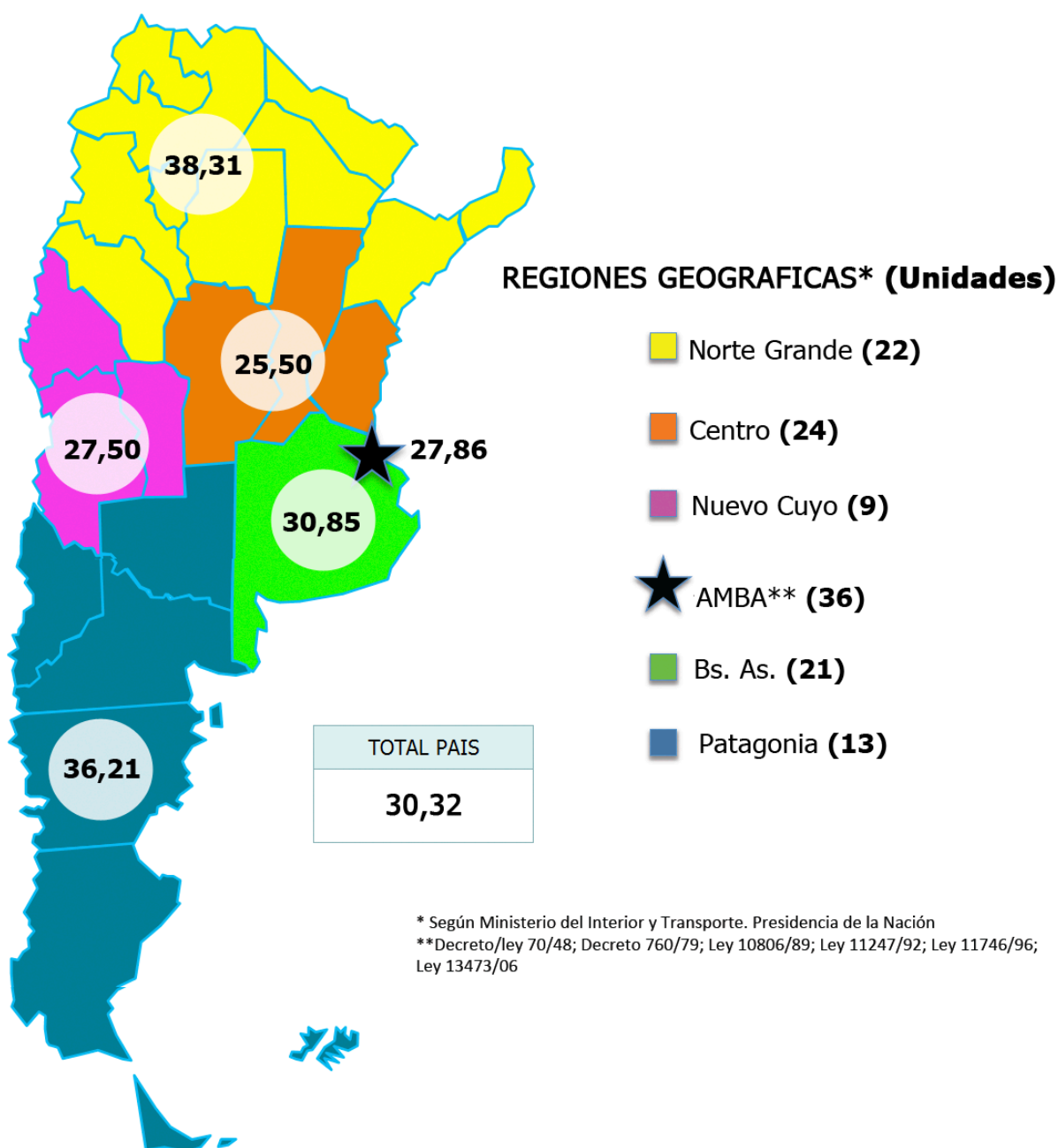


Tabla 2: **Distribución de episodios de IACS según sitio primario**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 125 UCIA

| Sitio primario | N | % |
|--|------------|---------------|
| Neumonía | 106 | 42,74 |
| Infección del Tracto Urinario | 41 | 16,53 |
| Infección Primaria de la Sangre | 34 | 13,71 |
| Infección del Sitio Quirúrgico | 28 | 11,29 |
| Infección del Tracto Respiratorio Inferior | 12 | 4,84 |
| Infección Gastrointestinal | 10 | 4,03 |
| Infección de Piel y Partes Blandas | 6 | 2,42 |
| Infección Sistémica | 5 | 2,02 |
| Sistema Nervioso Central | 4 | 1,61 |
| Infección Osteoarticular | 2 | 0,81 |
| TOTAL | 248 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 3: **Número de pacientes y tasa de prevalencia de IACS asociada a factor de riesgo exógeno**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 125 UCIA

| Factor de riesgo exógeno | N de Pacientes | % | N de pacientes con IACS | Tasa de IACS |
|----------------------------------|----------------|--------------|-------------------------|--------------|
| Catéter Urinario | 652 | 79,71 | 36 | 5,52 |
| Catéter Venoso Central | 542 | 66,26 | 33 | 6,09 |
| Asistencia Respiratoria Mecánica | 425 | 51,96 | 92 | 21,65 |
| Exposición a Fármacos | 336 | 41,08 | 4 | 1,19 |
| Catéter Venoso Periférico | 307 | 37,53 | 3 | 0,98 |
| Catéter de PIC | 21 | 2,57 | 0 | 0,00 |
| Derivación Ventricular | 15 | 1,83 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 4: **Distribución de los pacientes según factor de riesgo endógeno**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 125 UCIA

| Factor de riesgo endógeno | N de pacientes | % |
|---------------------------|----------------|--------------|
| Tabaquismo | 207 | 25,31 |
| Diabetes | 190 | 23,23 |
| ACV | 140 | 17,11 |
| Obesidad | 129 | 15,77 |
| Insuficiencia renal | 121 | 14,79 |
| EPOC | 117 | 14,30 |
| Colonización por MMR | 95 | 11,61 |
| Úlcera por decúbito | 90 | 11,00 |
| Neoplasia | 84 | 10,27 |
| Coma | 77 | 9,41 |
| Alcoholismo | 64 | 7,82 |
| Desnutrición | 51 | 6,23 |
| Inmunodeficiencia | 51 | 6,23 |
| Insuficiencia hepática | 25 | 3,06 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Unidades de Cuidados Intensivos Pediátricas *(28 unidades)*

Tabla 1: **Tasa de prevalencia de IACS**
Consolidado Argentina | Áreas críticas | 28 UCIP

| N de pacientes | N de pacientes con IACS | Tasa de IACS |
|----------------|-------------------------|--------------|
| 155 | 25 | 16,13 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

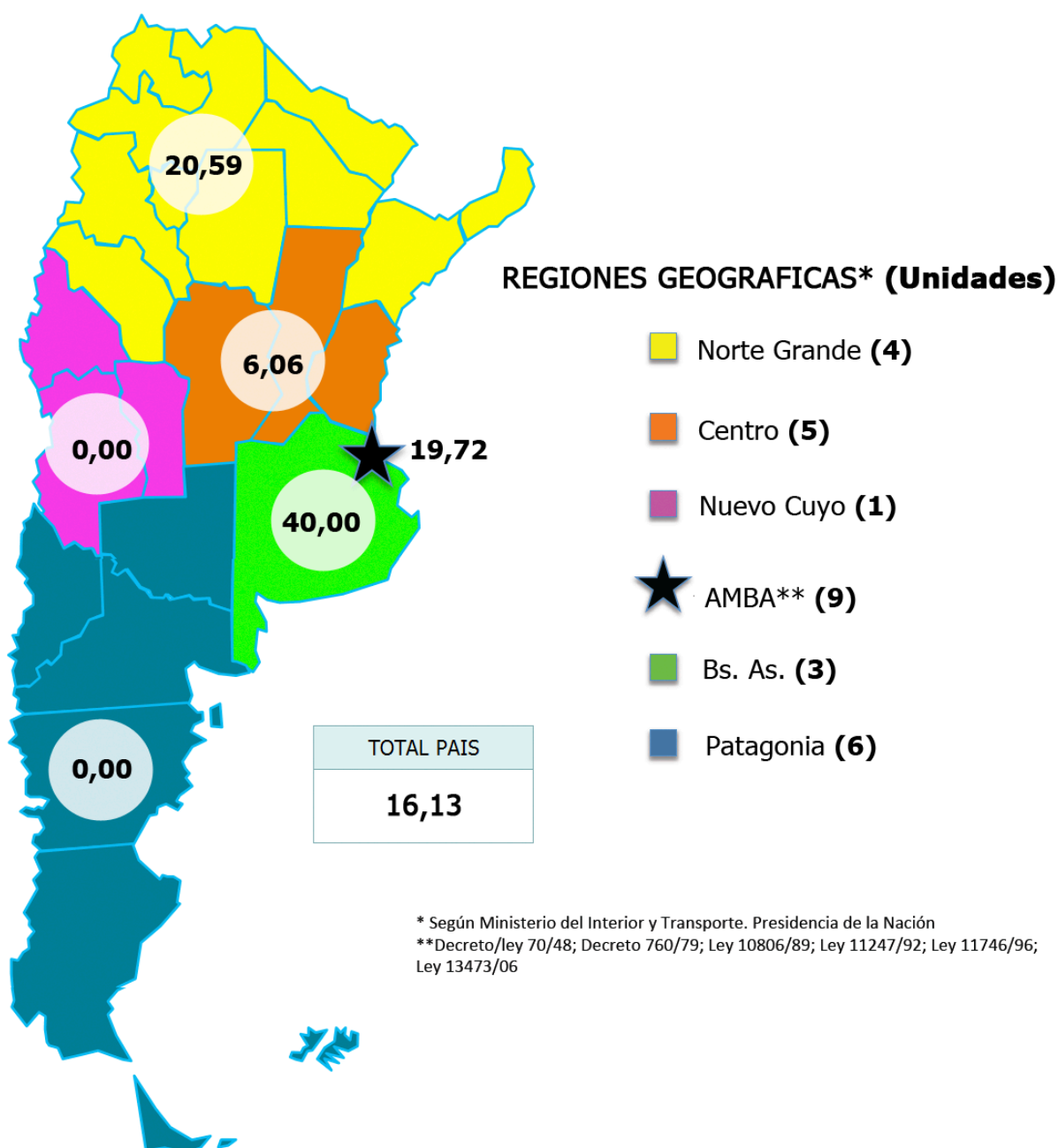


Tabla 2: **Distribución de episodios de IACS según sitio primario**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 28 UCIP

| Sitio primario | N | % |
|--|-----------|---------------|
| Infección Primaria de la Sangre | 9 | 36,00 |
| Infección del Tracto Urinario | 6 | 24,00 |
| Neumonía | 6 | 24,00 |
| Infección del Tracto Respiratorio Inferior | 2 | 8,00 |
| Infección del Sitio Quirúrgico | 1 | 4,00 |
| Infección Sistémica | 1 | 4,00 |
| TOTAL | 25 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 3: **Número de procedimientos y tasa de prevalencia de IACS asociada a factor de riesgo exógeno**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 28 UCIP

| Factor de riesgo exógeno | N de Pacientes | % | N de pacientes con IACS | Tasa de IACS |
|----------------------------------|----------------|-------|-------------------------|--------------|
| Asistencia Respiratoria Mecánica | 101 | 65,16 | 5 | 4,95 |
| Catéter Venoso Central | 96 | 61,94 | 9 | 9,38 |
| Catéter Urinario | 71 | 45,81 | 5 | 7,04 |
| Catéter Venoso Periférico | 66 | 42,58 | 0 | 0,00 |
| Exposición a Fármacos | 50 | 32,26 | 0 | 0,00 |
| Derivación Ventricular | 5 | 3,23 | 0 | 0,00 |
| Catéter de PIC | 2 | 1,29 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 4: **Distribución de los pacientes según factor de riesgo endógeno**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 28 UCIP

| Factor de riesgo endógeno | N de pacientes | % |
|------------------------------|----------------|--------------|
| Prematurez | 29 | 18,71 |
| Coma | 12 | 7,74 |
| Desnutrición | 12 | 7,74 |
| Bajo peso / edad Gestacional | 10 | 6,45 |
| Inmunodeficiencia | 10 | 6,45 |
| EPOC | 8 | 5,16 |
| Colonización por MMR | 4 | 2,58 |
| Úlcera por decúbito | 3 | 1,94 |
| Neoplasia | 2 | 1,29 |
| Obesidad | 1 | 0,65 |
| Diabetes | 1 | 0,65 |
| ACV | 1 | 0,65 |
| Insuficiencia hepática | 1 | 0,65 |
| Insuficiencia renal | 1 | 0,65 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Unidades de Cuidados Intensivos Neonatales *(71 unidades)*



Tabla 1: **Tasa de Prevalencia de IACS**
Consolidado Argentina | Áreas críticas | 71 UCN

| N de pacientes | N de pacientes con IACS | Tasa de IACS |
|----------------|-------------------------|--------------|
| 632 | 54 | 8,54 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

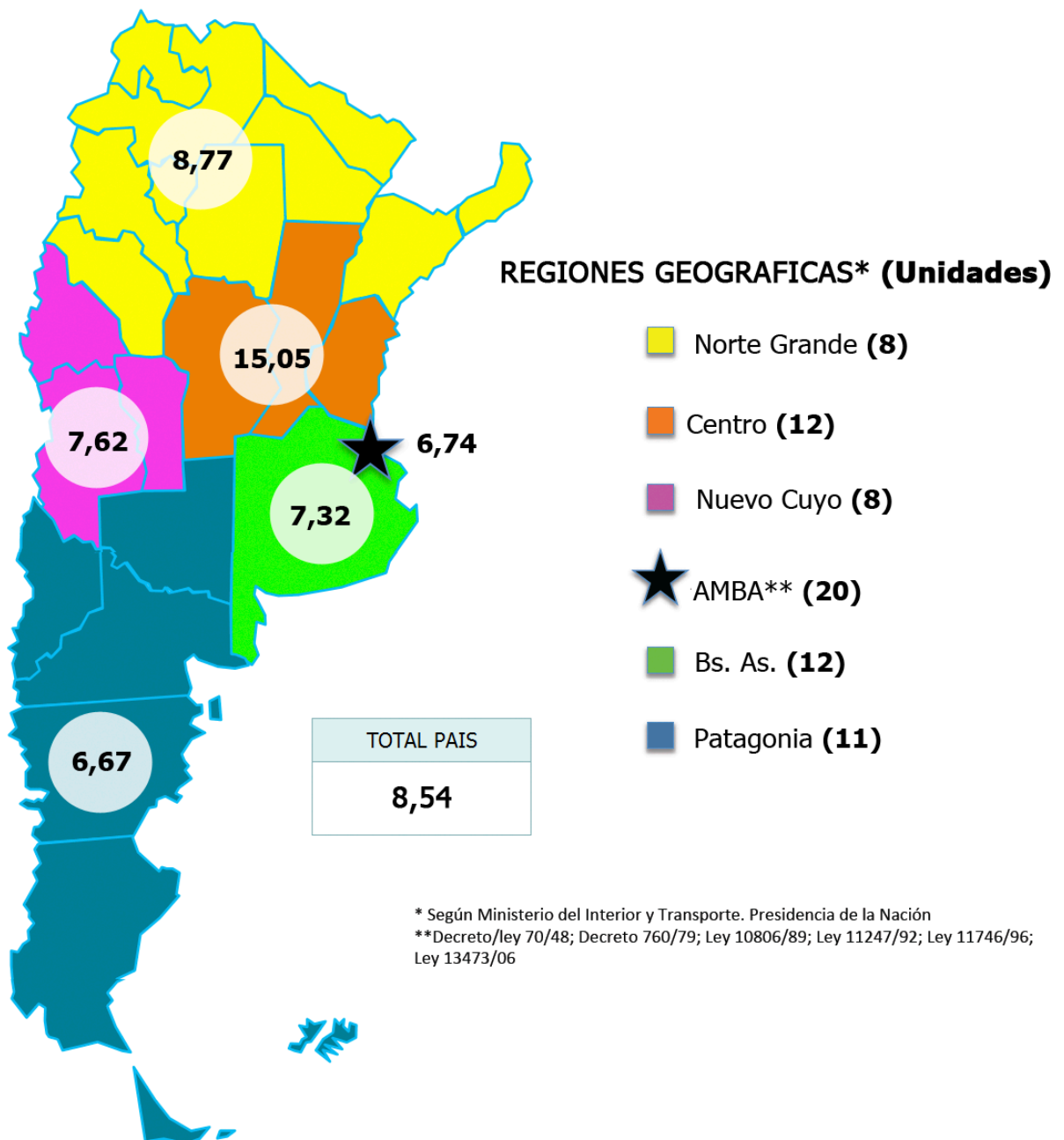




Tabla 2: **Distribución de episodios de IACS según sitio primario**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 71 UCN

| Sitio primario | N | % |
|--------------------------------------|-----------|---------------|
| Infección Sistémica | 19 | 35,19 |
| Infección Primaria de la Sangre | 18 | 33,33 |
| Infección del Tracto Urinario | 7 | 12,96 |
| Neumonía | 5 | 9,26 |
| Sistema Nervioso Central | 1 | 1,85 |
| Infección Gastrointestinal | 1 | 1,85 |
| Infección Osteoarticular | 1 | 1,85 |
| Infección de Piel y Partes Blandas | 1 | 1,85 |
| Infección del Sistema Cardiovascular | 1 | 1,85 |
| TOTAL | 54 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 3: **Número de Procedimientos y Tasa de Prevalencia de IACS asociada a Factor de Riesgo Exógeno**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 71 UCN

| Factor de riesgo exógeno | N de Pacientes | % | N de pacientes con IACS | Tasa de IACS |
|----------------------------------|----------------|--------------|-------------------------|--------------|
| Catéter Venoso Periférico | 247 | 39,08 | 10 | 4,05 |
| Catéter Venoso Central | 144 | 22,78 | 14 | 9,72 |
| Exposición a fármacos | 119 | 18,83 | 0 | 0,00 |
| Asistencia Respiratoria Mecánica | 105 | 16,61 | 3 | 2,86 |
| Catéter Umbilical | 60 | 9,49 | 1 | 1,67 |
| Catéter Urinario | 29 | 4,59 | 1 | 3,45 |
| Catéter de PIC | 24 | 3,80 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP



Tabla 4: **Distribución de los pacientes según factor de riesgo endógeno**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 71 UCN

| Factor de riesgo endógeno | N de pacientes | % |
|----------------------------------|-----------------------|--------------|
| Prematurez | 417 | 65,98 |
| Bajo peso / edad Gestacional | 151 | 23,89 |
| Desnutrición | 28 | 4,43 |
| Colonización por MMR | 23 | 3,64 |
| Inmunodeficiencia | 12 | 1,90 |
| Diabetes | 3 | 0,47 |
| Insuficiencia hepática | 2 | 0,32 |
| Insuficiencia renal | 2 | 0,32 |
| Neoplasia | 1 | 0,16 |
| Coma | 1 | 0,16 |
| Úlcera por decúbito | 1 | 0,16 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Datos Microbiológicos

Áreas Críticas

Consolidado Nacional

Áreas Críticas

(129 instituciones – 224 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 129 instituciones | 224 unidades

| Microorganismo | N | % |
|---|------------|------------|
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 53 | 18,93 |
| PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 36 | 12,86 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 35 | 12,50 |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 29 | 10,36 |
| AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 26 | 9,29 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa</i> negativo | 23 | 8,21 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 13 | 4,64 |
| CAL - <i>Candida albicans</i> | 7 | 2,50 |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 7 | 2,50 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 6 | 2,14 |
| CAN - <i>Candida</i> sp. | 5 | 1,79 |
| CDF - <i>Clostridium difficile</i> | 5 | 1,79 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 4 | 1,43 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 3 | 1,07 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 3 | 1,07 |
| EN- - <i>Enterobacter</i> sp. | 2 | 0,71 |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 2 | 0,71 |
| HXT - <i>Haemophilus influenzae</i> (not typable) | 2 | 0,71 |
| KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 2 | 0,71 |
| SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 2 | 0,71 |
| SPY - <i>Streptococcus pyogenes</i> | 2 | 0,71 |
| ASP - <i>Aspergillus</i> sp. | 1 | 0,36 |
| BS - Streptococo Beta hemolítico | 1 | 0,36 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 1 | 0,36 |
| CI- - <i>Citrobacter</i> sp. | 1 | 0,36 |
| ECA - <i>Enterococcus casseliflavus</i> | 1 | 0,36 |
| PS- - <i>Pseudomonas</i> sp. | 1 | 0,36 |
| POR - <i>Oribaculum</i> sp. | 1 | 0,36 |
| PMA - <i>Stenotrophomonas maltophilia</i> | 1 | 0,36 |
| PVU - <i>Proteus vulgaris</i> | 1 | 0,36 |
| PR- - <i>Proteus</i> sp. | 1 | 0,36 |
| SGC - <i>Streptococcus agalactiae</i> | 1 | 0,36 |
| SPN - <i>Streptococcus pneumoniae</i> | 1 | 0,36 |
| PAN - <i>Pantoea</i> sp. | 1 | 0,36 |
| TOTAL | 280 | 100 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. (9) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (16) + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus baumannii* complex (1)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* (4) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (18) + SHO - *Staphylococcus hominis* (1)
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. (2) + CPA - *Candida parapsilosis* (2) + CTR - *Candida glabrata* (1)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 129 instituciones | 224 unidades

| Sitio primario | Microorganismo | N | % |
|---|--|------|--------|
| IGI - Infección Gastrointestinal | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 2 | 40,00 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 20,00 |
| | EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 1 | 20,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 20,00 |
| IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 2 | 33,33 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 16,67 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 1 | 16,67 |
| | SCN – <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 1 | 16,67 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 16,67 |
| IPS - Infección Primaria de la Sangre | SCN – <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 18 | 27,27 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 15 | 22,73 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 8 | 12,12 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 5 | 7,58 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 4 | 6,06 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 3 | 4,55 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 2 | 3,03 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 1,52 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 1,52 |
| | EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 1 | 1,52 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 1,52 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 1,52 |
| | CAL - <i>Candida albicans</i> | 1 | 1,52 |
| | EN- - <i>Enterobacter</i> sp. | 1 | 1,52 |
| | BCA - <i>Moraxella catarrhalis</i> | 1 | 1,52 |
| | PRV - <i>Providencia</i> sp. | 1 | 1,52 |
| RHD - <i>Rhodococcus</i> sp. | 1 | 1,52 | |
| SGC – <i>Streptococcus agalactiae</i> | 1 | 1,52 | |
| ISCV - Infección del Sistema Cardiovascular | SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 1 | 100,00 |
| ISNC - Sistema Nervioso Central | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 50,00 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 25,00 |

| | | | |
|---|--|---|--------------|
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 25,00 |
| ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico | SCN - <i>Staphylococcus coagulasa</i> negativo | 2 | 9,52 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 2 | 9,52 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 2 | 9,52 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 2 | 9,52 |
| | ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 2 | 9,52 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 9,52 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 4,76 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 4,76 |
| | PS- - <i>Pseudomonas</i> sp. | 1 | 4,76 |
| | PCE - Complejo <i>Burkholderia cepacia</i> | 1 | 4,76 |
| | EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 1 | 4,76 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 4,76 |
| | MMO - <i>Morganella morganii</i> | 1 | 4,76 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 4,76 |
| | SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 1 | 4,76 |
| ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 3 | 25,00 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 2 | 16,67 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 2 | 16,67 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 2 | 16,67 |
| | KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 1 | 8,33 |
| | PS- - <i>Pseudomonas</i> sp. | 1 | 8,33 |
| | BCA - <i>Moraxella catarrhalis</i> | 1 | 8,33 |
| ISIS - Infección Sistémica | SCN - <i>Staphylococcus coagulasa</i> negativo | 3 | 30,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 20,00 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 10,00 |
| | CAL - <i>Candida albicans</i> | 1 | 10,00 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 10,00 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 10,00 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 10,00 |
| ITU - Infección del Tracto Urinario | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 9 | 21,43 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 8 | 19,05 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 8 | 19,05 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 3 | 7,14 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 3 | 7,14 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 2 | 4,76 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 2 | 4,76 |
| | CAL - <i>Candida albicans</i> | 2 | 4,76 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 2,38 |
| | ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 1 | 2,38 |
| | KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 1 | 2,38 |
| | PRV - <i>Providencia</i> sp. | 1 | 2,38 |

| | | | |
|------------------------------|--|-------------|--------------|
| | PVU - <i>Proteus vulgaris</i> | 1 | 2,38 |
| NEU - Neumonía | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 20 | 20,41 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 18 | 18,37 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 16 | 16,33 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 16 | 16,33 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 5 | 5,10 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 5 | 5,10 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 3 | 3,06 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 3 | 3,06 |
| | EN- - <i>Enterobacter</i> sp. | 2 | 2,04 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 2 | 2,04 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 1 | 1,02 |
| | CI- - <i>Citrobacter</i> sp. | 1 | 1,02 |
| | SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 1 | 1,02 |
| | HXT - <i>Haemophilus influenzae</i> no tipable | 1 | 1,02 |
| | KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 1 | 1,02 |
| | PRV - <i>Providencia</i> sp. | 1 | 1,02 |
| PR- - <i>Proteus</i> sp. | 1 | 1,02 | |
| PS- - <i>Pseudomonas</i> sp. | 1 | 1,02 | |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus-baumannii* complejo (1)
- **SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo** = SCN – *Staphylococcus* coagulasa negativo + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHO - *Staphylococcus hominis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 129 instituciones | 224 unidades

| Microorganismo | Meticilino resistente | | | Meticilino sensible | |
|--|-----------------------|----|--------------|---------------------|--------------|
| | N | N | % | N | % |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 77 | 33 | 42,86 | 44 | 57,14 |
| SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 30 | 19 | 63,33 | 11 | 36,67 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo** = SCN – *Staphylococcus* coagulasa negativo + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHO - *Staphylococcus hominis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus* sp**
Consolidado Argentina | Áreas críticas | 129 instituciones | 224 unidades

| Microorganismo | Resistente a vancomicina | | | Sensible a vancomicina | |
|------------------------------------|--------------------------|---|-------|------------------------|-------|
| | N | N | % | N | % |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 17 | 2 | 11,76 | 15 | 88,34 |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 9 | 8 | 88,89 | 1 | 11,11 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**
Consolidado Argentina | Áreas críticas | 129 instituciones | 224 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|-----------|--------------|
| | N | N | % |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 53 | 22 | 41,51 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 35 | 2 | 5,71 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 13 | 5 | 38,46 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 6 | 0 | 0,00 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 4 | 1 | 25,00 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 3 | 0 | 0,00 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 3 | 0 | 0,00 |
| EN- - <i>Enterobacter</i> sp. | 2 | 0 | 0,00 |
| KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 2 | 1 | 50,00 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| CI- - <i>Citrobacter</i> sp. | 1 | 0 | 0,00 |
| PVU - <i>Proteus vulgaris</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| PR- - <i>Proteus</i> sp. | 1 | 1 | 100,00 |
| PAN - <i>Pantoea</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| | 126 | 32 | 25,40 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 129 instituciones | 224 unidades

| Microorganismo | BLEE | | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|------------|-----------|--------------|---------------------|--------------|----------|-------------|
| | N | N | % | N | % | N | % |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 53 | 25 | 41,51 | 22 | 41,51 | 2 | 3,77 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 35 | 10 | 5,71 | 1 | 2,86 | 0 | 0,00 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 13 | 3 | 38,46 | 4 | 30,77 | 0 | 0,00 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 6 | 3 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 4 | 3 | 25,00 | 1 | 25,00 | 0 | 0,00 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 3 | 1 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 3 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| EN- - <i>Enterobacter sp.</i> | 2 | 1 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| KL- - <i>Klebsiella sp.</i> | 2 | 1 | 50,00 | 1 | 50,00 | 0 | 0,00 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| CI- - <i>Citrobacter sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| PVU - <i>Proteus vulgaris</i> | 1 | 1 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| PR- - <i>Proteus sp.</i> | 1 | 1 | 100,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| PAN - <i>Pantoea</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 126 | 32 | 25,40 | 29 | 23,02 | 2 | 1,59 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 129 instituciones | 224 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|-----------|---------------|
| | N | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 36 | 13 | 36,11 |
| PS- – <i>Pseudomonas sp.</i> | 1 | 1 | 100,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter sp.</i> | 26 | 21 | 80,77 |
| TOTAL | 63 | 35 | 55,56 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii* + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus- baumannii* complejo

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 129 instituciones | 224 unidades

| Microorganismo | BLEE | | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|-----------|-----------|--------------|------------------------|--------------|----------|--------------|
| | N | N | % | N | % | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 36 | 2 | 5,56 | 7 | 19,44 | 6 | 16,67 |
| PS- – <i>Pseudomonas sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 1 | 100,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter sp.</i> | 26 | 11 | 42,31 | 1 | 3,85 | 1 | 3,85 |
| TOTAL | 63 | 13 | 20,63 | 8 | 12,70 | 8 | 12,70 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii* + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus- baumannii* complejo

Tabla 9: **Antimicrobianos más utilizados en tratamientos empíricos**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 129 instituciones | 224 unidades

| Antibiótico | N | % |
|-----------------------------|------------|---------------|
| Vancomicina | 101 | 25,00 |
| Piperacilina/Tazobactam | 60 | 14,85 |
| Meropenem | 59 | 14,60 |
| Ampicilina | 19 | 4,70 |
| Colistín | 19 | 4,70 |
| Gentamicina | 19 | 4,70 |
| Amicacina | 18 | 4,46 |
| Imipenem | 18 | 4,46 |
| Ceftazidima | 10 | 2,48 |
| Metronidazol | 10 | 2,48 |
| Ampicilina/Sulbactam | 8 | 1,98 |
| Ceftriaxona | 8 | 1,98 |
| Claritromicina | 7 | 1,73 |
| Fluconazol | 7 | 1,73 |
| Anfotericina Desoxicolato | 5 | 1,24 |
| Ciprofloxacina | 5 | 1,24 |
| Cefotaxima | 4 | 0,99 |
| Trimetoprima/Sulfametoxazol | 4 | 0,99 |
| Clindamicina | 3 | 0,74 |
| Linezolid | 3 | 0,74 |
| Amoxicilina/Sulbactam | 2 | 0,50 |
| Anfotericina liposomal | 2 | 0,50 |
| Cefepime | 2 | 0,50 |
| Levofloxacina | 2 | 0,50 |
| Penicilina G | 2 | 0,50 |
| Acido fusídico | 1 | 0,25 |
| Etambutol | 1 | 0,25 |
| Isoniazid | 1 | 0,25 |
| Oseltamivir | 1 | 0,25 |
| Pirazinamida | 1 | 0,25 |
| Rifampicina | 1 | 0,25 |
| Tigeciclina | 1 | 0,25 |
| TOTAL | 404 | 100,00 |

Tabla 10: **Antimicrobianos más utilizados en tratamientos dirigidos**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 129 instituciones | 224 unidades

| Antibiótico | N | % |
|-----------------------------------|------------|---------------|
| Vancomicina | 79 | 18,46 |
| Meropenem | 62 | 14,49 |
| Colistín | 55 | 12,85 |
| Piperacilina/Tazobactam | 40 | 9,35 |
| Imipenem | 32 | 7,48 |
| Amicacina | 24 | 5,61 |
| Ciprofloxacina | 15 | 3,50 |
| Fluconazol | 15 | 3,50 |
| Ampicilina/Sulbactam | 10 | 2,34 |
| Anfotericina Desoxicolato | 9 | 2,10 |
| Tigeciclina | 8 | 1,87 |
| Trimetoprima/Sulfametoxazol | 7 | 1,64 |
| Amoxicilina/Sulbactam | 6 | 1,40 |
| Clindamicina | 6 | 1,40 |
| Metronidazol | 6 | 1,40 |
| Rifampicina | 6 | 1,40 |
| Ceftazidima | 5 | 1,17 |
| Linezolid | 5 | 1,17 |
| Ampicilina | 4 | 0,93 |
| Anfotericina liposomal | 4 | 0,93 |
| Levofloxacina | 4 | 0,93 |
| Cefalotina | 3 | 0,70 |
| Ceftriaxona | 3 | 0,70 |
| Claritromicina | 3 | 0,70 |
| Cefepime | 2 | 0,47 |
| Fosfomicina | 2 | 0,47 |
| Teicoplanina | 2 | 0,47 |
| Voriconazol | 2 | 0,47 |
| Anfotericina formulación lipídica | 1 | 0,23 |
| Anidulafungina | 1 | 0,23 |
| Cefalexina | 1 | 0,23 |
| Cefazolina | 1 | 0,23 |
| Cefotaxima | 1 | 0,23 |
| Gentamicina | 1 | 0,23 |
| Mupirocina | 1 | 0,23 |
| Penicilina G | 1 | 0,23 |
| Tobramicina | 1 | 0,23 |
| TOTAL | 428 | 100,00 |

Consolidado Regional
AMBA
Áreas Críticas
(33 instituciones – 65 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Región AMBA | Áreas críticas | 33 instituciones | 65 unidades

| Microorganismo | N | % |
|--|------------|------------|
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 23 | 21,50 |
| PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 14 | 13,08 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 11 | 10,28 |
| AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 10 | 9,35 |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 9 | 8,41 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa</i> negativo | 6 | 5,61 |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 5 | 4,67 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 3 | 2,80 |
| CAL - <i>Candida albicans</i> | 3 | 2,80 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 2 | 1,87 |
| CAN - <i>Candida</i> sp. | 2 | 1,87 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 2 | 1,87 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 2 | 1,87 |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 2 | 1,87 |
| HXT - <i>Haemophilus influenzae</i> | 2 | 1,87 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 1 | 0,93 |
| EN- - <i>Enterobacter</i> sp. | 1 | 0,93 |
| SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 1 | 0,93 |
| ASP - <i>Aspergillus</i> sp. | 1 | 0,93 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 1 | 0,93 |
| CI- - <i>Citrobacter</i> sp. | 1 | 0,93 |
| PS- - <i>Pseudomonas</i> sp. | 1 | 0,93 |
| POR - <i>Oribaculum</i> sp. | 1 | 0,93 |
| PVU - <i>Proteus vulgaris</i> | 1 | 0,93 |
| PR- - <i>Proteus</i> sp. | 1 | 0,93 |
| SGC - <i>Streptococcus agalactiae</i> | 1 | 0,93 |
| TOTAL | 107 | 100 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. (5) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (4) + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus-baumannii* complejo (1)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa* negativo** = SCN - *Staphylococcus coagulasa* negativo (1) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (5) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0)
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. (0) + CPA - *Candida parapsilosis* (1) + CGL - *Candida glabrata* (1)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región AMBA | Áreas críticas | 33 instituciones | 65 unidades

| Sitio primario | Microorganismo | N | % |
|---|--|------|--------|
| IGI - Infección Gastrointestinal | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 33,33 |
| | EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 1 | 33,33 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 33,33 |
| IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 2 | 50,00 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 1 | 25,00 |
| | SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 1 | 25,00 |
| IPS - Infección Primaria de la Sangre | SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 6 | 24,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 6 | 24,00 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 4 | 16,00 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 2 | 8,00 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 4,00 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 4,00 |
| | EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 1 | 4,00 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 4,00 |
| | CAL - <i>Candida albicans</i> | 1 | 4,00 |
| | EN- - <i>Enterobacter</i> sp. | 1 | 4,00 |
| | PRV - <i>Providencia</i> sp. | 1 | 4,00 |
| RHD - <i>Rhodococcus</i> sp. | 1 | 4,00 | |
| ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 16,67 |
| | ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 1 | 16,67 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 16,67 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 16,67 |
| | MMO - <i>Morganella morganii</i> | 1 | 16,67 |
| | SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 1 | 16,67 |
| ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 3 | 42,86 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 2 | 28,57 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 14,29 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 14,29 |
| ISIS - Infección Sistémica | SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 1 | 100,00 |
| ITU - Infección del Tracto Urinario | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 7 | 31,81 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 4 | 18,18 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 3 | 13,64 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 2 | 9,09 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 4,55 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 4,55 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 4,55 |
| | ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 1 | 4,55 |
| PRV - <i>Providencia</i> sp. | 1 | 4,55 | |

| | | | |
|----------------|-------------------------------------|---|-------|
| | PVU - <i>Proteus vulgaris</i> | 1 | 4,55 |
| NEU - Neumonía | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 6 | 22,22 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 6 | 22,22 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 4 | 14,81 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 4 | 14,81 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 2 | 7,40 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 2 | 7,40 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 3,70 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 1 | 3,70 |
| | PRV - <i>Providencia</i> sp. | 1 | 3,70 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del Comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*
- **SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHO - *Staphylococcus hominis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región AMBA | Áreas críticas | 33 instituciones | 65 unidades

| Microorganismo | Meticilino resistente | | | Meticilino sensible | |
|--|-----------------------|---|-------|---------------------|-------|
| | N | N | % | N | % |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 9 | 3 | 33,33 | 6 | 66,67 |
| 67SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 6 | 3 | 50,00 | 3 | 50,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHO - *Staphylococcus hominis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus* sp**

Región AMBA | Áreas críticas | 33 instituciones | 65 unidades

| Microorganismo | Resistente a vancomicina | | | Sensible a vancomicina | |
|------------------------------------|--------------------------|---|--------|------------------------|-------|
| | N | N | % | N | % |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 5 | 1 | 20,00 | 4 | 80,00 |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 2 | 2 | 100,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**

Región AMBA | Áreas críticas | 33 instituciones | 65 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|-----------|--------------|
| | N | N | % |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 23 | 9 | 39,13 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 11 | 1 | 9,09 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 3 | 0 | 0,00 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 2 | 0 | 0,00 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 2 | 0 | 0,00 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 2 | 0 | 0,00 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| EN- - <i>Enterobacter</i> sp. | 1 | 0 | 0,00 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| CI- - <i>Citrobacter</i> sp. | 1 | 0 | 0,00 |
| PVU - <i>Proteus vulgaris</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| PR- - <i>Proteus</i> sp. | 1 | 1 | 100,00 |
| TOTAL | 49 | 11 | 22,45 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región AMBA | Áreas críticas | 33 instituciones | 65 unidades

| Microorganismo | N | BLEE | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|------------------------------------|-----------|-----------|--------------|---------------------|--------------|----------|-------------|
| | | N | % | N | % | N | % |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 11 | 47,83 | 9 | 39,13 | 1 | 4,35 | 11 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 9,09 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 1 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 33,33 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 1 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 2 | 100,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 2 |
| PRV - <i>Providencia sp.</i> | 1 | 50,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 1 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 |
| EN- - <i>Enterobacter sp.</i> | 1 | 100,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 1 |
| MMO - <i>Morganella morganii</i> | 1 | 100,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 1 |
| PVU - <i>Proteus vulgaris</i> | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 |
| TOTAL | 49 | 20 | 40,82 | 9 | 18,37 | 1 | 2,04 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región AMBA | Áreas críticas | 33 instituciones | 65 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|-----------|--------------|
| | N | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 14 | 7 | 50,00 |
| PS – <i>Pseudomonas sp.</i> | 1 | 1 | 100,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter sp.</i> | 10 | 6 | 60,00 |
| TOTAL | 25 | 14 | 56,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii* ABX - *Acinetobacter calcoaceticus- baumannii* complejo

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región AMBA | Áreas críticas | 37 instituciones | 70 unidades

| Microorganismo | BLEE | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|-----------|--------------|------------------------|--------------|----------|--------------|
| | N | % | N | % | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 14 | 0,00 | 4 | 28,57 | 2 | 14,29 |
| PS – <i>Pseudomonas</i> sp. | 1 | 0,00 | 0 | 0,00 | 1 | 100,0 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 10 | 70,00 | 1 | 10,00 | 1 | 10,00 |
| TOTAL | 25 | 28,00 | 5 | 20,00 | 4 | 16,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* ABX - *Acinetobacter calcoaceticus- baumannii* complejo

Consolidado Regional

CENTRO

Áreas Críticas

(28 instituciones – 41 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Región CENTRO | Áreas críticas | 28 instituciones | 41 unidades

| Microorganismo | N | % |
|--|-----------|---------------|
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 11 | 24,44 |
| PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 10 | 22,22 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 7 | 15,56 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 5 | 11,11 |
| AC- - <i>Acinetobacter sp.</i> | 4 | 8,89 |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 3 | 6,67 |
| CAL - <i>Candida albicans</i> | 1 | 2,22 |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 2,22 |
| CAN - <i>Candida sp.</i> | 1 | 2,22 |
| SPY - <i>Streptococcus pyogenes</i> | 1 | 2,22 |
| ECA - <i>Enterococcus casseliflavus</i> | 1 | 2,22 |
| TOTAL | 45 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* (0) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (4) + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus-baumannii* complejo (0)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* (2) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (5) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0)
- **CAN - *Candida sp.*** = CAN - *Candida sp.* (0) + CPA - *Candida parapsilosis* (1) + CTR - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región CENTRO | Áreas críticas | 28 instituciones | 41 unidades

| Sitio primario | Microorganismo | N | % |
|---|--|---|--------|
| IGI - Infección Gastrointestinal | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 50,00 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 50,00 |
| IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 100,00 |
| IPS - Infección Primaria de la Sangre | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 6 | 42,86 |
| | SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 2 | 14,29 |
| | AC- - <i>Acinetobacter sp.</i> | 2 | 14,29 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 7,14 |
| | CAN - <i>Candida sp.</i> | 1 | 7,14 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 7,14 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 7,14 |
| ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 50,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 50,00 |
| ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 100,00 |
| ISIS - Infección Sistémica | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 25,00 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 25,00 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 25,00 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 25,00 |
| ITU - Infección del Tracto Urinario | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 3 | 30,00 |
| | CAL - <i>Candida albicans</i> | 2 | 20,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 20,00 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 10,00 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 10,00 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 10,00 |
| NEU - Neumonía | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 4 | 33,33 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 3 | 25,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 16,67 |
| | AC- - <i>Acinetobacter sp.</i> | 1 | 8,33 |
| | EN- - <i>Enterobacter sp.</i> | 1 | 8,33 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 8,33 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii* ABX - *Acinetobacter calcoaceticus-baumannii* complejo
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHO - *Staphylococcus hominis*
- **CAN - *Candida sp.*** = CAN - *Candida sp.* + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región CENTRO | Áreas críticas | 28 instituciones | 41 unidades

| Microorganismo | Meticilino resistente | | | Meticilino sensible | |
|--|-----------------------|---|-------|---------------------|-------|
| | N | N | % | N | % |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 3 | 1 | 33,33 | 2 | 66,67 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 7 | 4 | 57,14 | 3 | 42,86 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHO - *Staphylococcus hominis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus sp.***

Región CENTRO | Áreas críticas | 28 instituciones | 49 unidades

| Microorganismo | Resistente a vancomicina | | | Sensible a vancomicina | |
|------------------------------------|--------------------------|---|------|------------------------|--------|
| | N | N | % | N | % |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 0 | 0,00 | 2 | 100,00 |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 0 | - | - | - | - |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**

Región CENTRO | Áreas críticas | 28 instituciones | 41 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|------------------------------------|--------------------|----------|--------------|
| | N | N | % |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 11 | 6 | 54,5 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 5 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 16 | 6 | 37,50 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región CENTRO | Áreas críticas | 28 instituciones | 41 unidades

| Microorganismo | N | BLEE | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|------------------------------------|-----------|----------|--------------|---------------------|--------------|----------|-------------|
| | | N | % | N | % | N | % |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 11 | 5 | 45,45 | 6 | 54,55 | 1 | 9,09 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 5 | 3 | 60,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 16 | 8 | 50,00 | 6 | 37,50 | 1 | 6,25 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región CENTRO | Áreas críticas | 28 instituciones | 41 unidades

| Microorganismo | N | No sensibles (R+I) | |
|-------------------------------------|-----------|--------------------|--------------|
| | | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 10 | 4 | 40,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 4 | 3 | 75,00 |
| TOTAL | 14 | 7 | 50,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus- baumannii* complejo

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región CENTRO | Áreas críticas | 28 instituciones | 41 unidades

| Microorganismo | N | BLEE | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|-----------|----------|--------------|---------------------|--------------|----------|--------------|
| | | N | % | N | % | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 10 | 2 | 20,00 | 3 | 30,00 | 2 | 20,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 4 | 1 | 25,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 14 | 3 | 21,43 | 3 | 21,43 | 2 | 14,29 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus- baumannii* complejo

Consolidado Regional
NORTE GRANDE
Áreas Críticas
(23 instituciones – 34 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**
Región NORTE GRANDE | Áreas críticas | 23 instituciones | 34 unidades

| Microorganismo | N | % |
|--|-----------|---------------|
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 11 | 18,03 |
| AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 9 | 14,75 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 8 | 13,11 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 7 | 11,48 |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 6 | 9,84 |
| PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 5 | 8,20 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 4 | 6,56 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 2 | 3,28 |
| CAN - <i>Candida</i> sp. | 2 | 3,28 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 2 | 3,28 |
| KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 2 | 3,28 |
| CAL - <i>Candida albicans</i> | 1 | 1,64 |
| BS – Streptococo Beta hemolítico | 1 | 1,64 |
| PAN | 1 | 1,64 |
| TOTAL | 61 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. (4) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (5) + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus-baumannii* complejo (0)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* (0) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (3) + SHO - *Staphylococcus hominis* (1)
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. (2) + CPA - *Candida parapsilosis* (0) + CTR - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región NORTE GRANDE | Áreas críticas | 23 instituciones | 34 unidades

| Sitio primario | Microorganismo | N | % |
|---|--|----|---------------|
| IPS - Infección Primaria de la Sangre | SCN - <i>Staphylococcus coagulasa</i> negativo | 6 | 42,86 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 3 | 21,43 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 2 | 14,29 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 7,14 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 1 | 7,14 |
| | SGC - <i>Streptococcus agalactiae</i> | 1 | 7,14 |
| ISCV - Infección del Sistema Cardiovascular | SCN - <i>Staphylococcus coagulasa</i> negativo | 1 | 100,00 |
| ISNC - Sistema Nervioso Central | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 100,00 |
| ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 20,00 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 1 | 20,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 20,00 |
| | EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 1 | 20,00 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 20,00 |
| ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior | KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 1 | 33,33 |
| | PS- - <i>Pseudomonas</i> sp. | 1 | 33,33 |
| | BCA - <i>Moraxella catarrhalis</i> | 1 | 33,33 |
| ISIS - Infección Sistémica | SCN - <i>Staphylococcus coagulasa</i> negativo | 1 | 100,00 |
| ITU - Infección del Tracto Urinario | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 40,00 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 1 | 20,00 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 20,00 |
| | KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 1 | 20,00 |
| NEU - Neumonía | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 10 | 27,03 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 5 | 13,51 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 5 | 13,51 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 4 | 10,81 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 3 | 8,11 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 2 | 5,41 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 2 | 5,41 |
| | CI- - <i>Citrobacter</i> sp. | 1 | 2,70 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 2,70 |
| | ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 1 | 2,70 |
| | HXT - <i>Haemophilus influenzae</i> no tipable | 1 | 2,70 |
| | KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 1 | 2,70 |
| | PR- - <i>Proteus</i> sp. | 1 | 2,70 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* ABX - *Acinetobacter calcoaceticus-baumannii* complejo
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHO - *Staphylococcus hominis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región NORTE GRANDE | Áreas críticas | 23 instituciones | 34 unidades

| Microorganismo | Meticilino resistente | | | Meticilino sensible | |
|--|-----------------------|---|-------|---------------------|-------|
| | N | N | % | N | % |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 6 | 4 | 66,67 | 2 | 33,33 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 4 | 2 | 50,00 | 2 | 50,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHO - *Staphylococcus hominis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus* sp.**

Región NORTE GRANDE | Áreas críticas | 23 instituciones | 34 unidades

| Microorganismo | Resistente a vancomicina | | | Sensible a vancomicina | |
|------------------------------------|--------------------------|---|---|------------------------|---|
| | N | N | % | N | % |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 0 | - | - | - | - |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 0 | - | - | - | - |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**
Región NORTE GRANDE | Áreas críticas | 23 instituciones | 34 unidades

| Microorganismo | | No sensibles (R+I) | |
|-------------------------------------|-----------|--------------------|--------------|
| | | | |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 11 | 5 | 45,45 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 8 | 5 | 62,50 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 7 | 1 | 14,29 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 2 | 0 | 0,00 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 2 | 1 | 50,00 |
| KL- - <i>Klebsiella sp.</i> | 2 | 1 | 50,00 |
| PAN - <i>Pantoea sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 33 | 13 | 39,39 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región NORTE GRANDE | Áreas críticas | 23 instituciones | 34 unidades

| Microorganismo | | BLEE | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|-----------|-----------|--------------|---------------------|--------------|----------|-------------|
| | | N | % | N | % | N | % |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 11 | 8 | 72,73 | 5 | 45,45 | 0 | 0,00 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 8 | 2 | 25,00 | 4 | 50,00 | 0 | 0,00 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 7 | 4 | 57,14 | 1 | 14,29 | 0 | 0,00 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 2 | 1 | 50,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 2 | 1 | 50,00 | 1 | 50,00 | 0 | 0,00 |
| KL- - <i>Klebsiella sp.</i> | 2 | 1 | 50,00 | 1 | 50,00 | 0 | 0,00 |
| PAN - <i>Pantoea sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 33 | 17 | 51,52 | 12 | 36,36 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región NORTE GRANDE | Áreas críticas | 17 instituciones | 34 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | |
|-------------------------------------|--------------------|--------------|
| | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 5 | 0,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 9 | 88,89 |
| TOTAL | 14 | 57,14 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus- baumannii* complejo

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región NORTE GRANDE | Áreas críticas | 23 instituciones | 34 unidades

| Microorganismo | N | BLEE | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|-----------|----------|--------------|---------------------|-------------|----------|-------------|
| | | N | % | N | % | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 5 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 9 | 2 | 22,22 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 14 | 2 | 14,29 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus- baumannii* complejo

Consolidado Regional
NUEVO CUYO
Áreas Críticas
(10 instituciones – 18 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Región NUEVO CUYO | Áreas críticas | 10 instituciones | 18 unidades

| Microorganismo | N | % |
|--|-----------|---------------|
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 3 | 30,00 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 2 | 20,00 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 10,00 |
| PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 10,00 |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 10,00 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 10,00 |
| PMA - <i>Stenotrophomonas maltophilia</i> | 1 | 10,00 |
| TOTAL | 10 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* (0) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (0) + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus- baumannii* complejo (0)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* (3) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (0) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0)
- **CAN - *Candida sp.*** = CAN - *Candida sp.* (0) + CPA - *Candida parapsilosis* (0) + CTR - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región NUEVO CUYO | Áreas críticas | 10 instituciones | 18 unidades

| Sitio primario | Microorganismo | N | % |
|---------------------------------------|--|---|--------------|
| IPS - Infección Primaria de la Sangre | SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 4 | 57,14 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 14,29 |
| | AC- - <i>Acinetobacter sp.</i> | 1 | 14,29 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 14,29 |
| ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico | SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 2 | 50,00 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 25,00 |
| | PCE - Complejo <i>Burkholderia cepacia</i> | 1 | 25,00 |
| ISIS - Infección Sistémica | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 33,33 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 33,33 |
| | CAL - <i>Candida albicans</i> | 1 | 33,33 |
| NEU - Neumonía | AC- - <i>Acinetobacter sp.</i> | 3 | 25,00 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 3 | 25,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 16,67 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 8,33 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 8,33 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 8,33 |
| | SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 1 | 8,33 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii* ABX - *Acinetobacter calcoaceticus-baumannii* complejo
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHO - *Staphylococcus hominis*
- **CAN - *Candida sp.*** = CAN - *Candida sp.* + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región NUEVO CUYO | Áreas críticas | 10 instituciones | 18 unidades

| Microorganismo | Meticilino resistente | | | Meticilino sensible | |
|--|-----------------------|---|--------|---------------------|--------|
| | N | N | % | N | % |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 0 | 0,00 | 1 | 100,00 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 3 | 3 | 100,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHO - *Staphylococcus hominis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus sp.***

Región NUEVO CUYO | Áreas críticas | 10 instituciones | 18 unidades

| Microorganismo | Resistente a vancomicina | | | Sensible a vancomicina | |
|------------------------------------|--------------------------|---|---|------------------------|---|
| | N | N | % | N | % |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 0 | 0 | - | 0 | - |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 0 | 0 | - | 0 | - |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**

Región NUEVO CUYO | Áreas críticas | 10 instituciones | 18 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|------------------------------------|--------------------|----------|-------------|
| | N | N | % |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 2 | 0 | 0,00 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 4 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región NUEVO CUYO | Áreas críticas | 10 instituciones | 18 unidades

| Microorganismo | N | BLEE | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|------------------------------------|----------|----------|-------------|---------------------|-------------|----------|-------------|
| | | N | % | N | % | N | % |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 2 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 4 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región NUEVO CUYO | Áreas críticas | 10 instituciones | 18 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|----------|-------------|
| | N | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 0 | 0 | - |
| TOTAL | 1 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus- baumannii* complejo

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región NUEVO CUYO | Áreas críticas | 10 instituciones | 18 unidades

| Microorganismo | BLEE | | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|----------|----------|-------------|------------------------|-------------|----------|-------------|
| | N | N | % | N | % | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 0 | 0 | - | 0 | - | 0 | - |
| TOTAL | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus- baumannii* complejo

Consolidado Regional
BUENOS AIRES
Áreas Críticas
(21 instituciones – 36 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Región BUENOS AIRES | Áreas críticas | 21 instituciones | 36 unidades

| Microorganismo | N | % |
|--|-----------|---------------|
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 6 | 19,35 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 5 | 16,13 |
| PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 5 | 16,13 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 3 | 9,68 |
| AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 3 | 9,68 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 2 | 6,45 |
| CAL - <i>Candida albicans</i> | 2 | 6,45 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 2 | 6,45 |
| SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 1 | 3,23 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 1 | 3,23 |
| SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 1 | 3,23 |
| TOTAL | 31 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. (0) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (3) + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus-baumannii* complejo (0)
- **SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo** = SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo (0) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (1) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0)
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. (0) + CPA - *Candida parapsilosis* (0) + CTR - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región BUENOS AIRES | Áreas críticas | 21 instituciones | 36 unidades

| Sitio primario | Microorganismo | N | % |
|---|------------------------------------|----|--------|
| IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 100,00 |
| IPS - Infección Primaria de la Sangre | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 15 | 93,75 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 6,25 |
| ISNC - Sistema Nervioso Central | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 50,00 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 50,00 |
| ISQ – Infección del Sitio Quirúrgico | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 1 | 33,33 |
| | ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 1 | 33,33 |
| | PS- - <i>Pseudomonas</i> sp. | 1 | 33,33 |
| ITU - Infección del Tracto Urinario | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 100,00 |
| NEU - Neumonía | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 2 | 28,57 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 28,57 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 2 | 28,57 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 14,29 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* ABX - *Acinetobacter calcoaceticus-baumannii* complejo
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHO - *Staphylococcus hominis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región BUENOS AIRES | Áreas críticas | 21 instituciones | 36 unidades

| Microorganismo | Meticilino resistente | | | Meticilino sensible | |
|--|-----------------------|---|--------|---------------------|-------|
| | N | N | % | N | % |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 6 | 2 | 33,33 | 4 | 66,67 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 1 | 1 | 100,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHO - *Staphylococcus hominis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus* sp.**

Región BUENOS AIRES | Áreas críticas | 21 instituciones | 36 unidades

| Microorganismo | Resistente a vancomicina | | | Sensible a vancomicina | |
|------------------------------------|--------------------------|---|---|------------------------|---|
| | N | N | % | N | % |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 0 | 0 | - | 0 | - |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 0 | 0 | - | 0 | - |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**
Región BUENOS AIRES | Áreas críticas | 21 instituciones | 36 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|----------|--------------|
| | N | N | % |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 5 | 2 | 40,00 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 3 | 0 | 0,00 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 2 | 0 | 0,00 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 2 | 0 | 0,00 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 13 | 2 | 15,38 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**
Región BUENOS AIRES | Áreas críticas | 21 instituciones | 36 unidades

| Microorganismo | N | BLEE | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|-----------|----------|--------------|---------------------|-------------|----------|-------------|
| | | N | % | N | % | N | % |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 5 | 1 | 20,00 | 1 | 20,00 | 0 | 0,00 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 3 | 1 | 33,33 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 2 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 2 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 1 | 1 | 100,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 13 | 3 | 23,08 | 1 | 7,69 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región BUENOS AIRES | Áreas críticas | 21 instituciones | 36 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | |
|-------------------------------------|--------------------|--------------|
| | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 5 | 20,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 3 | 0,00 |
| TOTAL | 8 | 12,50 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus- baumannii* complejo

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región BUENOS AIRES | Áreas críticas | 21 instituciones | 36 unidades

| Microorganismo | BLEE | | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|----------|----------|--------------|---------------------|-------------|----------|-------------|
| | N | N | % | N | % | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 5 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 3 | 1 | 33,33 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 8 | 1 | 12,50 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus- baumannii* complejo

Consolidado Regional PATAGONIA *Áreas Críticas* *(14 instituciones – 30 unidades)*

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Región PATAGONIA | Áreas críticas | 14 instituciones | 30 unidades

| Microorganismo | N | % |
|--|-----------|---------------|
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 7 | 33,33 |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 4 | 19,05 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 2 | 9,52 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 9,52 |
| PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 4,76 |
| EN - <i>Enterobacter sp.</i> | 1 | 4,76 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 4,76 |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 4,76 |
| SPN - <i>Streptococcus pneumoniae</i> | 1 | 4,76 |
| SPY - <i>Streptococcus pyogenes</i> | 1 | 4,76 |
| TOTAL | 21 | 100,00 |

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* (0) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (0) + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus-baumannii* complejo (0)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* (1) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (1) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0)
- **CAN - *Candida sp.*** = CAN - *Candida sp.* (0) + CPA - *Candida parapsilosis* (0) + CTR - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región PATAGONIA | Áreas críticas | 14 instituciones | 30 unidades

| Sitio primario | Microorganismo | N | % |
|---|--|---|--------|
| IPS - Infección Primaria de la Sangre | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 25,00 |
| | PCE - Complejo <i>Burkholderia cepacia</i> | 1 | 25,00 |
| | AC- - <i>Acinetobacter sp.</i> | 1 | 25,00 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 25,00 |
| ISNC - Sistema Nervioso Central | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 100,00 |
| ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 100,00 |
| ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 100,00 |
| ISIS - Infección Sistémica | SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 1 | 100,00 |
| ITU - Infección del Tracto Urinario | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 50,00 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 25,00 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 25,00 |
| NEU - Neumonía | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 66,67 |
| | PS- - <i>Pseudomonas sp.</i> | 1 | 33,33 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región PATAGONIA | Áreas críticas | 14 instituciones | 30 unidades

| Microorganismo | Meticilino resistente | | | Meticilino sensible | |
|--|-----------------------|---|-------|---------------------|--------|
| | N | N | % | N | % |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 4 | 0 | 0,00 | 4 | 100,00 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 2 | 1 | 50,00 | 1 | 50,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHO - *Staphylococcus hominis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus* sp.**

Región PATAGONIA | Áreas críticas | 14 instituciones | 30 unidades

| Microorganismo | Resistente a vancomicina | | | Sensible a vancomicina | |
|------------------------------------|--------------------------|---|------|------------------------|--------|
| | N | N | % | N | % |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 0 | 0,00 | 1 | 100,00 |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 0 | 0 | - | 0 | - |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**

Región PATAGONIA | Áreas críticas | 14 instituciones | 30 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|------------------------------------|--------------------|----------|-------------|
| | N | N | % |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 7 | 0 | 0,00 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 0 | 0,00 |
| EN - - <i>Enterobacter</i> sp. | 1 | 0 | 0,00 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 11 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región PATAGONIA | Áreas críticas | 14 instituciones | 30 unidades

| Microorganismo | N | BLEE | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|------------------------------------|-----------|----------|-------------|---------------------|-------------|----------|-------------|
| | | N | % | N | % | N | % |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 7 | 1 | 14,29 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| EN - - <i>Enterobacter</i> sp. | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 11 | 1 | 9,09 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región PATAGONIA | Áreas críticas | 14 instituciones | 30 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|----------|---------------|
| | N | N | % |
| AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 0 | 0 | - |
| PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 1 | 100,00 |
| TOTAL | 1 | 1 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus-baumannii* complejo

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región PATAGONIA | Áreas críticas | 14 instituciones | 30 unidades

| Microorganismo | BLEE | | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|----------|----------|-------------|---------------------|-------------|----------|---------------|
| | N | N | % | N | % | N | % |
| AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 0 | 0 | - | 0 | 0,00 | 0 | - |
| PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 1 | 100,00 |
| TOTAL | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 1 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + ABX - *Acinetobacter calcoaceticus-baumannii* complejo

Áreas No Críticas

(155 instituciones – 626 unidades)

Pacientes Adultos

Áreas No Críticas

Tabla 1: **Tasa de prevalencia de IACS**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 496 unidades | Pacientes adultos

| N de pacientes | N de pacientes con IACS | Tasa de IACS |
|----------------|-------------------------|--------------|
| 5197 | 544 | 10,47 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

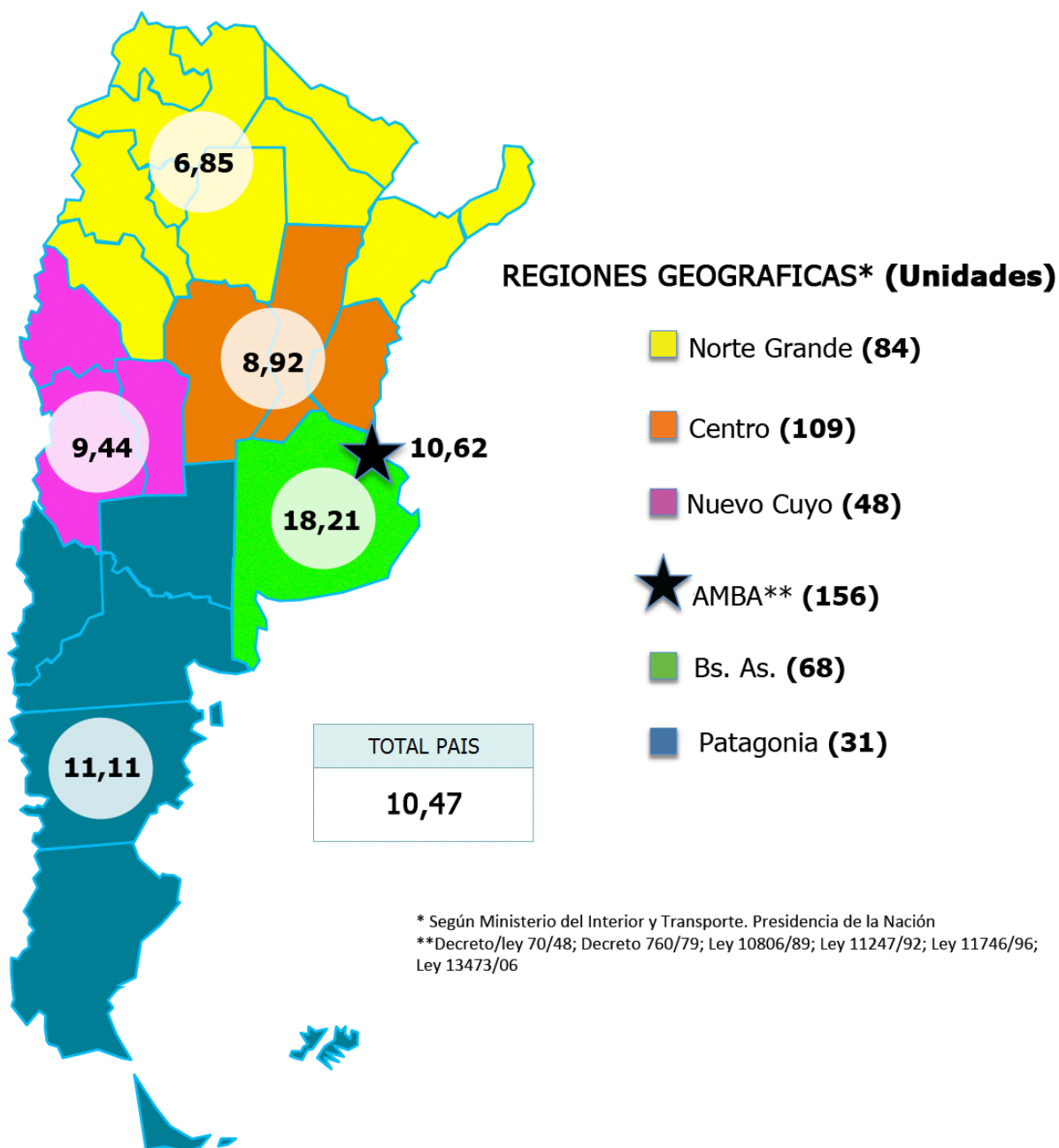


Tabla 2: **Distribución de episodios de IACS según sitio primario**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 496 unidades | Pacientes adultos

| Sitio primario | N | % |
|--|------------|---------------|
| Infección del Sitio Quirúrgico | 240 | 29,38 |
| Infección del Tracto Urinario | 173 | 21,18 |
| Neumonía | 125 | 15,30 |
| Infección Primaria de la Sangre | 88 | 10,77 |
| Infección de Piel y Partes Blandas | 70 | 8,57 |
| Infección del Tracto Respiratorio Inferior | 28 | 3,43 |
| Infección Gastrointestinal | 26 | 3,18 |
| Infección Sistémica | 26 | 3,18 |
| Infección Osteoarticular | 22 | 2,69 |
| Infección del Sistema Cardiovascular | 7 | 0,86 |
| Sistema Nervioso Central | 5 | 0,61 |
| Infección Ocular, Garganta, Naríz, Oído y Boca | 4 | 0,49 |
| Infección del Aparato Reproductor | 3 | 0,37 |
| TOTAL | 817 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 3: **Número de procedimientos y tasa de prevalencia de IACS asociada a factor de riesgo exógeno**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 496 unidades | Pacientes adultos

| Factor de riesgo exógeno | N de Pacientes | % | N de pacientes con IACS | Tasa de IACS |
|----------------------------------|----------------|--------------|-------------------------|--------------|
| Catéter Venoso Periférico | 3875 | 74,56 | 15 | 0,39 |
| Exposición a Fármacos | 1555 | 29,92 | 4 | 0,26 |
| Catéter Urinario | 1190 | 22,90 | 77 | 6,47 |
| Catéter Venoso Central | 597 | 11,49 | 34 | 5,70 |
| Asistencia Respiratoria Mecánica | 90 | 1,73 | 16 | 17,78 |
| Derivación Ventricular | 24 | 0,46 | 1 | 4,17 |
| Catéter de PIC | 9 | 0,17 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 4: **Distribución de los pacientes según factor de riesgo endógeno**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 496 unidades | Pacientes adultos

| Factor de riesgo endógeno | N de pacientes | % |
|---------------------------|----------------|--------------|
| Tabaquismo | 1341 | 25,80 |
| Diabetes | 1064 | 20,47 |
| Neoplasia | 705 | 13,57 |
| Obesidad | 601 | 11,56 |
| Insuficiencia renal | 567 | 10,91 |
| Inmunodeficiencia | 527 | 10,14 |
| ACV | 486 | 9,35 |
| Alcoholismo | 479 | 9,22 |
| EPOC | 426 | 8,20 |
| Desnutrición | 352 | 6,77 |
| Úlcera por decúbito | 340 | 6,54 |
| Colonización por MMR | 184 | 3,54 |
| Insuficiencia hepática | 164 | 3,16 |
| Coma | 39 | 0,75 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Pacientes Pediátricos

Áreas No Críticas

Tabla 1: **Tasa de prevalencia de IACS**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 118 unidades | Pacientes pediátricos

| N de pacientes | N de pacientes con IACS | Tasa de IACS |
|----------------|-------------------------|--------------|
| 893 | 54 | 6,05 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

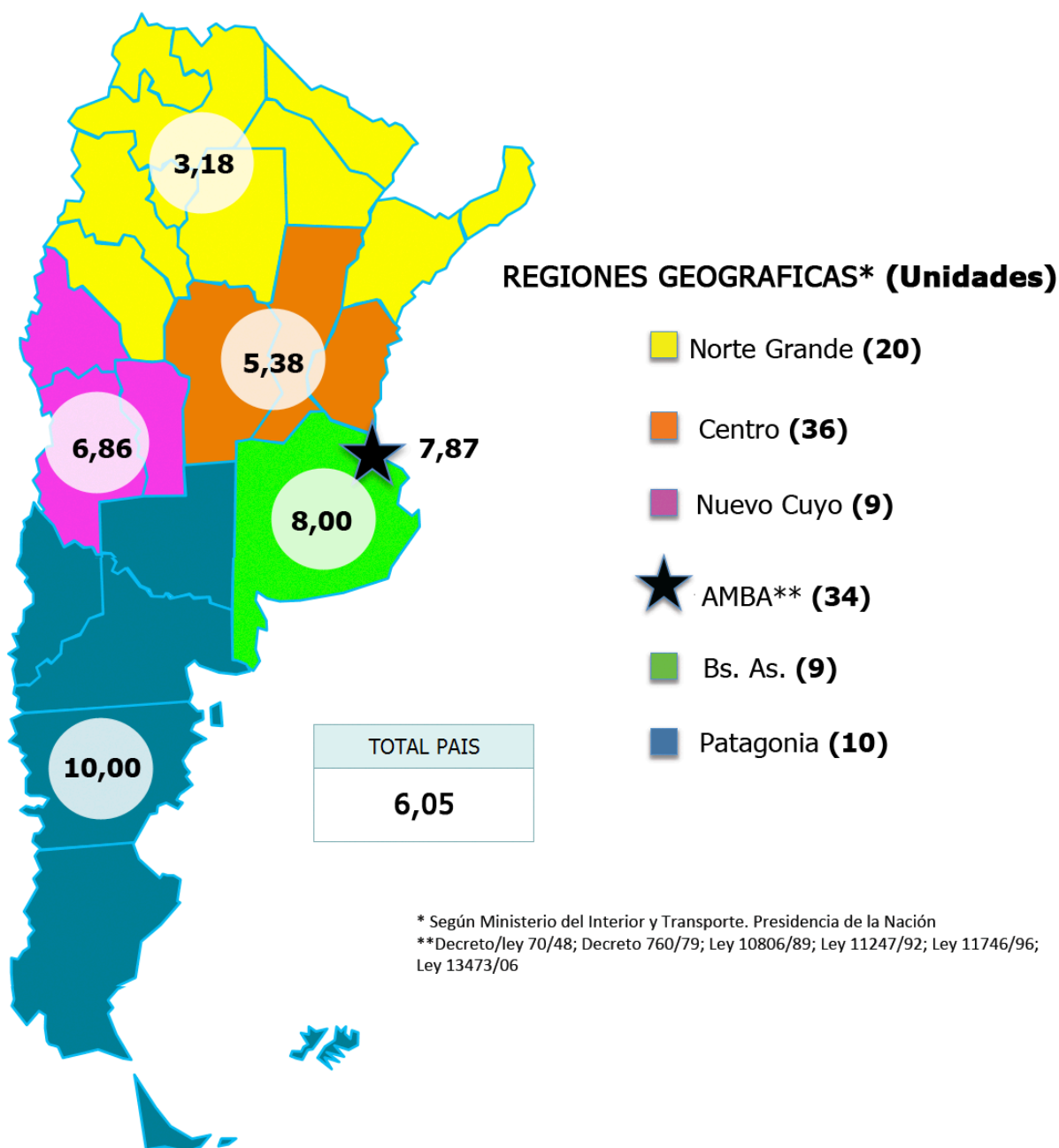


Tabla 2: **Distribución de episodios de IACS según sitio primario**
Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 118 unidades | Pacientes pediátricos

| Sitio primario | N | % |
|--|-----------|---------------|
| Infección Primaria de la Sangre | 28 | 32,18 |
| Neumonía | 26 | 29,89 |
| Infección del Sitio Quirúrgico | 14 | 16,09 |
| Infección del Tracto Respiratorio Inferior | 5 | 5,75 |
| Infección del Tracto Urinario | 3 | 3,45 |
| Infección de Piel y Partes Blandas | 2 | 2,30 |
| Infección Gastrointestinal | 2 | 2,30 |
| Sistema Nervioso Central | 2 | 2,30 |
| Infección Osteoarticular | 2 | 2,30 |
| Infección Ocular, Garganta, Naríz, Oído y Boca | 1 | 1,15 |
| Infección Sistémica | 1 | 1,15 |
| Infección del Aparato Reproductor | 1 | 1,15 |
| TOTAL | 70 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 3: **Número de procedimientos y tasa de prevalencia de IACS asociada a factor de riesgo exógeno**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 118 unidades | Pacientes pediátricos

| Factor de riesgo exógeno | N de Pacientes | % | N de pacientes con IACS | Tasa de IACS |
|----------------------------------|----------------|--------------|-------------------------|--------------|
| Catéter Venoso Periférico | 521 | 58,34 | 4 | 0,77 |
| Exposición a Fármacos | 188 | 21,05 | 0 | 0,00 |
| Catéter Venoso Central | 99 | 11,09 | 10 | 10,10 |
| Catéter Urinario | 32 | 3,58 | 0 | 0,00 |
| Asistencia Respiratoria Mecánica | 24 | 2,69 | 2 | 8,33 |
| Derivación Ventricular | 10 | 1,12 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 4: **Distribución de los pacientes según factor de riesgo endógeno**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 118 unidades | Pacientes pediátricos

| Factor de riesgo endógeno | N de pacientes | % |
|------------------------------|----------------|--------------|
| Prematurez | 92 | 10,30 |
| Desnutrición | 72 | 8,06 |
| Inmunodeficiencia | 63 | 7,05 |
| Neoplasia | 57 | 6,38 |
| Colonización por MMR | 38 | 4,26 |
| Bajo peso / edad Gestacional | 17 | 1,90 |
| EPOC | 16 | 1,79 |
| Insuficiencia renal | 14 | 1,57 |
| Obesidad | 13 | 1,46 |
| Diabetes | 13 | 1,46 |
| Úlcera por decúbito | 7 | 0,78 |
| ACV | 5 | 0,56 |
| Insuficiencia hepática | 4 | 0,45 |
| Alcoholismo | 3 | 0,34 |
| Coma | 3 | 0,34 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Datos Microbiológicos

Áreas No Críticas

Consolidado Nacional

Áreas No Críticas

(155 instituciones – 626 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 155 instituciones | 626 unidades

| Microorganismo | N | % |
|---|----|-------|
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 82 | 16,60 |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 77 | 15,59 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 72 | 14,57 |
| PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 41 | 8,30 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 30 | 6,07 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 21 | 4,25 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 21 | 4,25 |
| AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 19 | 3,85 |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 17 | 3,44 |
| CAN - <i>Candida</i> sp. | 11 | 2,23 |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 9 | 1,82 |
| CAL - <i>Candida albicans</i> | 8 | 1,62 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 8 | 1,62 |
| ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 8 | 1,62 |
| KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 7 | 1,42 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 7 | 1,42 |
| PRV - <i>Providencia</i> sp. | 6 | 1,21 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 5 | 1,01 |
| SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 5 | 1,01 |
| MMO - <i>Morganella morganii</i> | 4 | 0,81 |
| PS- - <i>Pseudomonas</i> sp. | 4 | 0,81 |
| CDF - <i>Clostridium difficile</i> | 3 | 0,61 |
| CI- - <i>Citrobacter</i> sp. | 3 | 0,61 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 3 | 0,61 |
| MOR - <i>Morganella</i> sp. | 3 | 0,61 |
| PR- - <i>Proteus</i> sp. | 3 | 0,61 |
| SPN - <i>Streptococcus pneumoniae</i> | 3 | 0,61 |
| AXY - <i>Achromobacter xylosoxidans</i> ss. <i>xylosoxidans</i> | 1 | 0,20 |
| AEH - <i>Aeromonas hydrophila</i> | 1 | 0,20 |
| BCA - <i>Moraxella catarrhalis</i> | 2 | 0,40 |
| EAV - <i>Enterococcus avium</i> | 1 | 0,20 |
| FU- - <i>Fusobacterium</i> sp. | 1 | 0,20 |
| KIN - <i>Kingella</i> sp. | 1 | 0,20 |
| LAC - <i>Lactobacillus</i> sp. | 1 | 0,20 |
| MIC - <i>Micrococcus</i> sp. | 1 | 0,20 |
| PVU - <i>Proteus vulgaris</i> | 1 | 0,20 |
| SAL - <i>Salmonella</i> sp. | 1 | 0,20 |

| | | |
|---------------------------------------|------------|---------------|
| SGC - <i>Streptococcus agalactiae</i> | 1 | 0,20 |
| SE- - <i>Serratia</i> sp. | 1 | 0,20 |
| PAN - <i>Pantoea</i> sp. | 1 | 0,20 |
| TOTAL | 494 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. (3) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (16)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* (10) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (16) + SLU - *Staphylococcus lugdunensis* (2) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (1) + SHO - *Staphylococcus hominis* (1) +
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. (5) + CPA - *Candida parapsilosis* (2) + CTR - *Candida tropicalis* (3) + CGL - *Candida glabrata* (1)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 155 instituciones | 626 unidades

| Sitio primario | Microorganismo | N | % |
|---|--|------|-------|
| IGI - Infección Gastrointestinal | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 7 | 26,92 |
| | CDF - <i>Clostridium difficile</i> | 5 | 19,23 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 4 | 15,38 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 2 | 7,69 |
| | CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 2 | 7,69 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 3,85 |
| | EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 1 | 3,85 |
| | ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 1 | 3,85 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 3,85 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 3,85 |
| | PMA - <i>Stenotrophomonas maltophilia</i> | 1 | 3,85 |
| IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 7 | 24,14 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 4 | 13,79 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 2 | 6,90 |
| | EFM- <i>Enterococcus faecium</i> | 2 | 6,90 |
| | EN- - <i>Enterobacter</i> sp. | 2 | 6,90 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 2 | 6,90 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 2 | 6,90 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 1 | 3,45 |
| | CAL - <i>Candida albicans</i> | 1 | 3,45 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 3,45 |
| | MOR - <i>Morganella</i> sp. | 1 | 3,45 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 3,45 |
| | PRV - <i>Providencia</i> sp. | 1 | 3,45 |
| | SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 1 | 3,45 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 3,45 | |
| IPS - Infección Primaria de la Sangre | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 23 | 33,33 |
| | SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 10 | 14,49 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 9 | 13,04 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 4 | 5,80 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 3 | 4,35 |

| | | | |
|---|--|----|--------------|
| | PCE - Complejo <i>Burkholderia cepacia</i> | 3 | 4,35 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 2 | 2,90 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 2 | 2,90 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 2 | 2,90 |
| | CAL - <i>Candida albicans</i> | 2 | 2,90 |
| | SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 2 | 2,90 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 1 | 1,45 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 1,45 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 1 | 1,45 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 1,45 |
| | ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 1 | 1,45 |
| | MMO - <i>Morganella morganii</i> | 1 | 1,45 |
| | PS- - <i>Pseudomonas</i> sp. | 1 | 1,45 |
| ISNC - Sistema Nervioso Central | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 50,00 |
| | SCN – <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 1 | 50,00 |
| ISCV - Infección del Sistema Cardiovascular | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 5 | 62,50 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 12,50 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 1 | 12,50 |
| | SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 1 | 12,50 |
| ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 17 | 18,09 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 13 | 13,83 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 12 | 12,77 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 11 | 11,70 |
| | SCN – <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 6 | 6,38 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 5 | 5,32 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 5 | 5,32 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 5 | 5,32 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 4 | 4,26 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 3 | 3,19 |
| | SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 3 | 3,19 |
| | EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 3 | 3,19 |
| | CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 2 | 2,13 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 1 | 1,06 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 1,06 |
| | KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 1 | 1,06 |
| | MMO - <i>Morganella morganii</i> | 1 | 1,06 |
| | EN- - <i>Enterobacter</i> sp. | 1 | 1,06 |
| ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 4 | 50,00 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 12,50 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 12,50 |
| | PS- - <i>Pseudomonas</i> sp. | 1 | 12,50 |
| | BCA - <i>Moraxella catarrhalis</i> | 1 | 12,50 |
| ISIS - Infección Sistémica | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 3 | 42,86 |

| | | | |
|---|--|-------------|---------------|
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 2 | 28,57 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 1 | 13,29 |
| | SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 1 | 13,29 |
| ITU - Infección del Tracto Urinario | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 54 | 37,24 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 34 | 23,45 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 11 | 7,59 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 9 | 6,21 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 6 | 4,14 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 4 | 2,76 |
| | CAL - <i>Candida albicans</i> | 3 | 2,07 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 3 | 2,07 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 2 | 1,38 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 2 | 1,38 |
| | EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 2 | 1,38 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 2 | 1,38 |
| | ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 2 | 1,38 |
| | KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 2 | 1,38 |
| | PVU - <i>Proteus vulgaris</i> | 2 | 1,38 |
| | SCN – <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 1 | 0,69 |
| | MOR - <i>Morganella</i> sp. | 1 | 0,69 |
| | CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 1 | 0,69 |
| | EN- - <i>Enterobacter</i> sp. | 1 | 0,69 |
| | PRV - <i>Providencia</i> sp. | 1 | 0,69 |
| PS- - <i>Pseudomonas</i> sp. | 1 | 0,69 | |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 0,69 | |
| NEU - Neumonía | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 9 | 26,47 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 9 | 26,47 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 7 | 20,59 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 3 | 8,82 |
| | SPN - <i>Streptococcus pneumoniae</i> | 2 | 5,88 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 2,94 |
| | ASP - <i>Aspergillus</i> sp. | 1 | 2,94 |
| | HXT - <i>Haemophilus influenzae</i> no tipable | 1 | 2,94 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 2,94 |
| IORL - Infección Ocular, Garganta, Naríz, Oído y Boca | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 50,00 |
| | CI- - <i>Citrobacter</i> sp. | 1 | 50,00 |
| IREPR - Infección del Aparato Reproductor | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 100,00 |
| IOST - Infección Osteoarticular | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 19 | 38,00 |
| | SCN – <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 8 | 16,00 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 5 | 10,00 |

| | | |
|------------------------------------|---|------|
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 4 | 8,00 |
| KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 4 | 8,00 |
| AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 2 | 4,00 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 2 | 4,00 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 2 | 4,00 |
| CAL - <i>Candida albicans</i> | 1 | 2,00 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 2,00 |
| ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 1 | 2,00 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 2,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 155 instituciones | 626 unidades

| Microorganismo | N | Meticilino resistente | | Meticilino sensible | |
|--|----|-----------------------|-------|---------------------|-------|
| | | N | % | N | % |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 77 | 33 | 42,86 | 44 | 57,14 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 30 | 19 | 63,33 | 11 | 36,67 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus* sp**
Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 155 instituciones | 626 unidades

| Microorganismo | Resistente a vancomicina | | | Sensible a vancomicina | |
|------------------------------------|--------------------------|---|-------|------------------------|-------|
| | N | N | % | N | % |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 17 | 2 | 11,76 | 15 | 88,24 |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 9 | 8 | 88,89 | 1 | 11,11 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**
Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 155 instituciones | 626 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|-----------|--------------|
| | N | N | % |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 82 | 1 | 1,22 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 72 | 24 | 33,33 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 21 | 2 | 9,52 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 21 | 2 | 9,52 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 8 | 0 | 0,00 |
| KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 7 | 2 | 28,57 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 7 | 1 | 14,29 |
| PRV - <i>Providencia</i> sp. | 6 | 1 | 16,67 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 5 | 0 | 0,00 |
| MMO - <i>Morganella morganii</i> | 4 | 0 | 0,00 |
| CI- - <i>Citrobacter</i> sp. | 3 | 0 | 0,00 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 3 | 1 | 33,33 |
| MOR - <i>Morganella</i> sp. | 3 | 0 | 0,00 |
| PR- - <i>Proteus</i> sp. | 3 | 0 | 0,00 |
| PVU - <i>Proteus vulgaris</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| SAL - <i>Salmonella</i> sp. | 1 | 0 | 0,00 |
| SE- - <i>Serratia</i> sp. | 1 | 0 | 0,00 |
| PAN - <i>Pantoea</i> sp. | 1 | 0 | 0,00 |
| | 249 | 34 | 13,65 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 155 instituciones | 626 unidades

| Microorganismo | BLEE | | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|------------|-----------|--------------|---------------------|--------------|----------|-------------|
| | N | N | % | N | % | N | % |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 82 | 25 | 30,49 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 72 | 36 | 50,00 | 20 | 27,78 | 5 | 6,94 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 21 | 11 | 52,38 | 0 | 0,00 | 1 | 4,76 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 21 | 6 | 28,57 | 2 | 9,52 | 1 | 4,76 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 8 | 5 | 62,50 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| KL- - <i>Klebsiella sp.</i> | 7 | 3 | 42,86 | 2 | 28,57 | 0 | 0,00 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 7 | 2 | 28,57 | 1 | 14,29 | 1 | 14,29 |
| PRV - <i>Providencia sp.</i> | 6 | 3 | 50,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 5 | 1 | 20,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| MMO - <i>Morganella morganii</i> | 4 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| CI- - <i>Citrobacter sp.</i> | 3 | 2 | 66,67 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 3 | 1 | 33,33 | 1 | 33,33 | 1 | 33,33 |
| MOR - <i>Morganella sp.</i> | 3 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| PR- - <i>Proteus sp.</i> | 3 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| PVU - <i>Proteus vulgaris</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| SAL - <i>Salmonella sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| SE- - <i>Serratia sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| PAN - <i>Pantoea sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 231 | 95 | 38,15 | 26 | 10,44 | 9 | 3,61 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 155 instituciones | 626 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|-----------|--------------|
| | N | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 41 | 10 | 24,39 |
| PS- – <i>Pseudomonas sp.</i> | 4 | 0 | 0,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter sp.</i> | 19 | 17 | 89,47 |
| TOTAL | 64 | 27 | 42,19 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 155 instituciones | 626 unidades

| Microorganismo | N | BLEE | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|-----------|----------|--------------|---------------------|-------------|----------|-------------|
| | | N | % | N | % | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 41 | 6 | 14,63 | 3 | 7,31 | 1 | 2,44 |
| PS- – <i>Pseudomonas</i> sp. | 4 | 1 | 25,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 19 | 1 | 5,260 | 1 | 5,26 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 64 | 8 | 12,50 | 4 | 6,25 | 1 | 1,56 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Tabla 9: **Antimicrobianos más utilizados en tratamientos empíricos**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 155 instituciones | 626 unidades

| Antibiótico | N | % |
|-----------------------------------|-----|--------------|
| Piperacilina/Tazobactam | 195 | 24,44 |
| Vancomicina | 133 | 16,67 |
| Ampicilina/Sulbactam | 41 | 5,14 |
| Ciprofloxacina | 41 | 5,14 |
| Meropenem | 41 | 5,14 |
| Ceftriaxona | 38 | 4,76 |
| Clindamicina | 35 | 4,39 |
| Metronidazol | 33 | 4,14 |
| Imipenem | 32 | 4,01 |
| Amicacina | 22 | 2,76 |
| Ceftazidima | 18 | 2,26 |
| Claritromicina | 17 | 2,13 |
| Fluconazol | 16 | 2,01 |
| Trimetoprima/Sulfametoxazol | 16 | 2,01 |
| Amoxicilina/Sulbactam | 12 | 1,50 |
| Cefalotina | 9 | 1,13 |
| Colistin | 9 | 1,13 |
| Levofloxacina | 9 | 1,13 |
| Cefepime | 7 | 0,88 |
| Amoxicilina/Ácido clavulánico | 6 | 0,75 |
| Gentamicina | 6 | 0,75 |
| Ampicilina | 5 | 0,63 |
| Anfotericina Desoxicolato | 5 | 0,63 |
| Anfotericina liposomal | 5 | 0,63 |
| Cefuroxima sódica | 5 | 0,63 |
| Linezolid | 5 | 0,63 |
| Cefalexina | 4 | 0,50 |
| Pirazinamida | 4 | 0,50 |
| Cefazolina | 3 | 0,38 |
| Isoniazid | 3 | 0,38 |
| Oseltamivir | 3 | 0,38 |
| Rifampicina | 3 | 0,38 |
| Amoxicilina | 2 | 0,25 |
| Tigeciclina | 2 | 0,25 |
| Voriconazol | 2 | 0,25 |
| Acyclovir | 1 | 0,13 |
| Anfotericina formulación lipídica | 1 | 0,13 |
| Azitromicina | 1 | 0,13 |

| | | |
|-----------------|------------|---------------|
| Cefotaxima | 1 | 0,13 |
| Daptomicina | 1 | 0,13 |
| Doxiciclina | 1 | 0,13 |
| Ertapenem | 1 | 0,13 |
| Nitrofurantoina | 1 | 0,13 |
| Penicilina G | 1 | 0,13 |
| Posaconazol | 1 | 0,13 |
| Teicoplanina | 1 | 0,13 |
| TOTAL | 798 | 100,00 |

Tabla 10: **Antimicrobianos más utilizados en tratamientos dirigidos**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 155 instituciones | 626 unidades

| Antibiótico | N | % |
|-------------------------------|----|--------------|
| Vancomicina | 96 | 12,58 |
| Imipenem | 87 | 11,40 |
| Piperacilina/Tazobactam | 68 | 8,91 |
| Colistín | 50 | 6,55 |
| Meropenem | 48 | 6,29 |
| Ciprofloxacina | 38 | 4,98 |
| Trimetoprima/Sulfametoxazol | 37 | 4,85 |
| Rifampicina | 30 | 3,93 |
| Amicacina | 26 | 3,41 |
| Ceftazidima | 24 | 3,15 |
| Ampicilina/Sulbactam | 23 | 3,01 |
| Fluconazol | 18 | 2,36 |
| Clindamicina | 17 | 2,23 |
| Metronidazol | 17 | 2,23 |
| Cefalotina | 15 | 1,97 |
| Ampicilina | 14 | 1,83 |
| Tigeciclina | 14 | 1,83 |
| Minociclina | 13 | 1,70 |
| Cefazolina | 12 | 1,57 |
| Ceftriaxona | 12 | 1,57 |
| Gentamicina | 12 | 1,57 |
| Linezolid | 10 | 1,31 |
| Amoxicilina/Ácido clavulánico | 9 | 1,18 |
| Cefepime | 8 | 1,05 |
| Fosfomicina | 8 | 1,05 |
| Amoxicilina/Sulbactam | 6 | 0,79 |
| Claritromicina | 6 | 0,79 |
| Levofloxacina | 6 | 0,79 |
| Cefalexina | 4 | 0,52 |
| Daptomicina | 4 | 0,52 |
| Nitrofurantoina | 4 | 0,52 |
| Amoxicilina | 3 | 0,39 |
| Ertapenem | 3 | 0,39 |
| Teicoplanina | 3 | 0,39 |
| Anfotericina Desoxicolato | 2 | 0,26 |
| Anfotericina liposomal | 2 | 0,26 |
| Anidulafungina | 2 | 0,26 |
| Caspofungina | 2 | 0,26 |

| | | |
|--------------|------------|---------------|
| Isoniazid | 2 | 0,26 |
| Cefixima | 1 | 0,13 |
| Cefotaxima | 1 | 0,13 |
| Doxiciclina | 1 | 0,13 |
| Eritromicina | 1 | 0,13 |
| Nistatina | 1 | 0,13 |
| Pirazinamida | 1 | 0,13 |
| Posaconazol | 1 | 0,13 |
| Tobramicina | 1 | 0,13 |
| TOTAL | 763 | 100,00 |

Consolidado Regional
AMBA
Áreas No Críticas
(39 instituciones – 187 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Región AMBA | Áreas no críticas | 39 instituciones | 187 unidades

| Microorganismo | N | % |
|--|------------|---------------|
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 34 | 17,09 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 30 | 15,08 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 28 | 14,07 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 17 | 8,54 |
| PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 14 | 7,04 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 9 | 4,52 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 8 | 4,02 |
| AC- - <i>Acinetobacter sp.</i> | 8 | 4,02 |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 6 | 3,02 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 5 | 2,51 |
| CAN - <i>Candida sp.</i> | 4 | 2,01 |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 4 | 2,01 |
| CAL - <i>Candida albicans</i> | 4 | 2,01 |
| ENT - <i>Enterococcus sp.</i> | 4 | 2,01 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 3 | 1,51 |
| MMO - <i>Morganella morganii</i> | 3 | 1,51 |
| PRV - <i>Providencia sp.</i> | 2 | 1,01 |
| SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 2 | 1,01 |
| CDF - <i>Clostridium difficile</i> | 2 | 1,01 |
| MOR - <i>Morganella sp.</i> | 2 | 1,01 |
| SPN - <i>Streptococcus pneumoniae</i> | 2 | 1,01 |
| KIN - <i>Kingella sp.</i> | 2 | 1,01 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 1 | 0,50 |
| EAV - <i>Enterococcus avium</i> | 1 | 0,50 |
| FU- - <i>Fusobacterium sp.</i> | 1 | 0,50 |
| LAC - <i>Lactobacillus sp.</i> | 1 | 0,50 |
| MIC - <i>Micrococcus sp.</i> | 1 | 0,50 |
| SGC - <i>Streptococcus agalactiae</i> | 1 | 0,50 |
| TOTAL | 199 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC-** - *Acinetobacter sp.* = AC- - *Acinetobacter sp.* (0) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (8)
- **SCN** - *Staphylococcus coagulasa negativo* = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* (6) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (7) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (1) + SHO - *Staphylococcus hominis* (1) + SLU - *Staphylococcus lugdunensis* (2)
- **CAN** - *Candida sp.* = CAN - *Candida sp.* (0) + CPA - *Candida parapsilosis* (1) + CTR - *Candida tropicalis* (3) + CGL - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región AMBA | Áreas no críticas | 39 instituciones | 187 unidades

| Sitio primario | Microorganismo | N | % |
|---|--|------|-------|
| IGI - Infección Gastrointestinal | CDF - <i>Clostridium difficile</i> | 5 | 55,56 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 11,10 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 1 | 11,10 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 11,10 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 11,10 |
| IPS - Infección Primaria de la Sangre | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 11 | 29,73 |
| | SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 6 | 16,21 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 6 | 16,21 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 2 | 5,40 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 2 | 5,40 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 2 | 5,40 |
| | SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 2 | 5,40 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 2,70 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 2,70 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 1 | 2,70 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 1 | 2,70 |
| | ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 1 | 2,70 |
| | PS- - <i>Pseudomonas</i> sp. | 1 | 2,70 |
| ISCV - Infección del Sistema Cardiovascular | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 3 | 75,00 |
| | SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 1 | 25,00 |
| ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 7 | 18,42 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 5 | 13,16 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 4 | 10,53 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 4 | 10,53 |
| | SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 3 | 7,89 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 3 | 7,89 |
| | EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 3 | 7,89 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 2,63 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 2,63 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 1 | 2,63 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 1 | 2,63 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 2,63 |
| | KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 1 | 2,63 |
| | MMO - <i>Morganella morganii</i> | 1 | 2,63 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 2,63 |
| SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 1 | 2,63 | |
| ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 50,00 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 50,00 |

| | | | |
|-------------------------------------|--|------|-------|
| ISIS - Infección Sistémica | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 2 | 40,00 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 2 | 40,00 |
| | SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 1 | 20,00 |
| ITU - Infección del Tracto Urinario | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 22 | 35,48 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 13 | 20,97 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 6 | 9,68 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 4 | 6,45 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 4 | 6,45 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 3 | 4,84 |
| | CAL - <i>Candida albicans</i> | 2 | 3,23 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 1,61 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 1,61 |
| | EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 1 | 1,61 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 1,61 |
| | ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 1 | 1,61 |
| | PVU - <i>Proteus vulgaris</i> | 1 | 1,61 |
| | SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 1 | 1,61 |
| | CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 1 | 1,61 |
| NEU - Neumonía | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 4 | 40,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 20,00 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 1 | 10,00 |
| | SPN - <i>Streptococcus pneumoniae</i> | 1 | 10,00 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 10,00 |
| | HXT - <i>Haemophilus influenzae</i> no tipable | 1 | 10,00 |
| IOST - Infección Osteoarticular | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 7 | 43,75 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 3 | 18,75 |
| | SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 1 | 6,25 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 6,25 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 6,25 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 1 | 6,25 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 6,25 |
| CAL - <i>Candida albicans</i> | 1 | 6,25 | |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*
- **SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo** = SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región AMBA | Áreas no críticas | 39 instituciones | 187 unidades

| Microorganismo | Meticilino resistente | | | Meticilino sensible | |
|--|-----------------------|----|-------|---------------------|-------|
| | N | N | % | N | % |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 34 | 13 | 38,24 | 21 | 61,76 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 17 | 11 | 64,71 | 6 | 35,29 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus sp***

Región AMBA | Áreas no críticas | 39 instituciones | 187 unidades

| Microorganismo | Resistente a vancomicina | | | Sensible a vancomicina | |
|------------------------------------|--------------------------|---|--------|------------------------|--------|
| | N | N | % | N | % |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 6 | 0 | 0,00 | 6 | 100,00 |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 4 | 4 | 100,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**

Región AMBA | Áreas no críticas | 39 instituciones | 187 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|-----------|--------------|
| | N | N | % |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 30 | 10 | 33,33 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 28 | 0 | 0,00 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 9 | 1 | 11,11 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 8 | 2 | 25,00 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 5 | 0 | 0,00 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 3 | 1 | 33,33 |
| MMO - <i>Morganella morganii</i> | 3 | 0 | 0,00 |
| KL - - <i>Klebsiella</i> sp. | 2 | 1 | 50,00 |
| PRV - <i>Providencia</i> sp. | 2 | 0 | 0,00 |
| MOR - <i>Morganella</i> sp. | 2 | 0 | 0,00 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 1 | 1 | 100,00 |
| TOTAL | 93 | 16 | 17,20 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región AMBA | Áreas no críticas | 39 instituciones | 187 unidades

| Microorganismo | BLEE | | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|-----------|-----------|--------------|---------------------|--------------|----------|-------------|
| | N | N | % | N | % | N | % |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 30 | 16 | 53,33 | 9 | 30,00 | 4 | 13,33 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 28 | 10 | 35,71 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 9 | 3 | 33,33 | 1 | 11,11 | 1 | 11,11 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 8 | 4 | 50,00 | 1 | 12,50 | 1 | 12,50 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 5 | 4 | 80,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 3 | 0 | 0,00 | 1 | 33,33 | 1 | 33,33 |
| MMO - <i>Morganella morganii</i> | 3 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| KL - - <i>Klebsiella</i> sp. | 2 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| PRV - <i>Providencia</i> sp. | 2 | 1 | 50,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| MOR - <i>Morganella</i> sp. | 2 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 1 | 0 | 0,00 | 1 | 100,00 | 1 | 100,00 |
| TOTAL | 93 | 38 | 40,86 | 13 | 13,98 | 8 | 8,60 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región AMBA | Áreas no críticas | 39 instituciones | 187 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|-----------|--------------|
| | N | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 14 | 5 | 35,71 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 8 | 7 | 87,50 |
| TOTAL | 22 | 12 | 54,54 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región AMBA | Áreas no críticas | 39 instituciones | 187 unidades

| Microorganismo | BLEE | | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|-----------|----------|--------------|---------------------|-------------|----------|-------------|
| | N | N | % | N | % | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 14 | 2 | 14,29 | 2 | 14,29 | 0 | 0,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 8 | 1 | 12,50 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 22 | 3 | 13,64 | 2 | 9,09 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Consolidado Regional
CENTRO
Áreas No Críticas
(37 instituciones – 148 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Región CENTRO | Áreas no críticas | 37 instituciones | 148 unidades

| Microorganismo | N | % |
|--|------------|------------|
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 26 | 24,30 |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 17 | 15,89 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 14 | 13,08 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 7 | 6,54 |
| PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 6 | 5,61 |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 6 | 5,61 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 5 | 4,67 |
| CAN - <i>Candida sp.</i> | 4 | 3,74 |
| AC- - <i>Acinetobacter sp.</i> | 3 | 2,80 |
| PS- - <i>Pseudomonas sp.</i> | 3 | 2,80 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 2 | 1,87 |
| CAL - <i>Candida albicans</i> | 2 | 1,87 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 2 | 1,87 |
| CI- - <i>Citrobacter sp.</i> | 2 | 1,87 |
| PR- - <i>Proteus sp.</i> | 2 | 1,87 |
| ENT - <i>Enterococcus sp.</i> | 1 | 0,93 |
| KL- - <i>Klebsiella sp.</i> | 1 | 0,93 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 0,93 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 0,93 |
| MMO - <i>Morganella morganii</i> | 1 | 0,93 |
| PAN - <i>Pantoea sp</i> | 1 | 0,93 |
| TOTAL | 107 | 100 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* (1) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (2)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* (1) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (4) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (0) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0) + SLU - *Staphylococcus lugdunensis* (0)
- **CAN - *Candida sp.*** = CAN - *Candida sp.* (4) + CPA - *Candida parapsilosis* (0) + CTR - *Candida tropicalis* (0) + CGL - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región CENTRO | Áreas no críticas | 37 instituciones | 148 unidades

| Sitio primario | Microorganismo | N | % |
|---|--|----|--------|
| IGI - Infección Gastrointestinal | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 4 | 40,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 3 | 30,00 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 10,00 |
| | EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 1 | 10,00 |
| | PMA - <i>Stenotrophomonas maltophilia</i> | 1 | 10,00 |
| IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 20,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 20,00 |
| | EFM- <i>Enterococcus faecium</i> | 1 | 20,00 |
| | EN- - <i>Enterobacter sp.</i> | 1 | 20,00 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 20,00 |
| IPS - Infección Primaria de la Sangre | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 4 | 36,36 |
| | SCN – <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 2 | 18,18 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 2 | 18,18 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 9,10 |
| | CAL - <i>Candida albicans</i> | 1 | 9,10 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 9,10 |
| ISNC - Sistema Nervioso Central | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 100,00 |
| ISCV - Infección del Sistema Cardiovascular | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 100,00 |
| ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 4 | 25,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 3 | 18,75 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 3 | 18,75 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 2 | 12,50 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 2 | 12,50 |
| | AC- - <i>Acinetobacter sp.</i> | 1 | 6,25 |
| | CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 1 | 6,25 |
| ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 33,33 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 33,33 |
| | BCA - <i>Moraxella catarrhalis</i> | 1 | 33,33 |
| ITU - Infección del Tracto Urinario | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 10 | 31,25 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 6 | 18,75 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 5 | 15,63 |
| | AC- - <i>Acinetobacter sp.</i> | 2 | 6,25 |
| | CAN - <i>Candida sp.</i> | 1 | 3,13 |
| | CAL - <i>Candida albicans</i> | 1 | 3,13 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 3,13 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 3,13 |

| | | | |
|---|--|---|--------------|
| | EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 1 | 3,13 |
| | PVU - <i>Proteus vulgaris</i> | 1 | 3,13 |
| | MOR - <i>Morganella</i> sp. | 1 | 3,13 |
| | PS- - <i>Pseudomonas</i> sp. | 1 | 3,13 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 3,13 |
| NEU - Neumonía | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 4 | 36,36 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 2 | 18,18 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 2 | 18,18 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 9,09 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 9,09 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 9,09 |
| IORL - Infección Ocular, Garganta, Naríz, Oído y Boca | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 50,00 |
| | CI- - <i>Citrobacter</i> sp. | 1 | 50,00 |
| IOST - Infección Osteoarticular | SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 5 | 33,33 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 4 | 26,67 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 2 | 13,33 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 2 | 13,33 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 6,67 |
| | ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 1 | 6,67 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región CENTRO | Áreas no críticas | 37 instituciones | 148 unidades

| Microorganismo | Meticilino resistente | | | Meticilino sensible | |
|--|-----------------------|---|-------|---------------------|--------|
| | N | N | % | N | % |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 17 | 4 | 23,53 | 13 | 76,47 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 3 | 0 | 0,00 | 3 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus sp***

Región CENTRO | Áreas no críticas | 37 instituciones | 148 unidades

| Microorganismo | Resistente a vancomicina | | | Sensible a vancomicina | |
|------------------------------------|--------------------------|---|-------|------------------------|-------|
| | N | N | % | N | % |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 6 | 1 | 16,67 | 5 | 83,33 |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 0 | 0 | - | 0 | - |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**
Región CENTRO | Áreas no críticas | 37 instituciones | 148 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|------------------------------------|--------------------|----------|--------------|
| | N | N | % |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 26 | 0 | 0,00 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 14 | 6 | 42,86 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 7 | 0 | 0,00 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 2 | 0 | 0,00 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 2 | 0 | 0,00 |
| CI- - <i>Citrobacter</i> sp. | 2 | 0 | 0,00 |
| PR- - <i>Proteus</i> sp. | 2 | 0 | 0,00 |
| KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 1 | 0 | 0,00 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| MMO - <i>Morganella morganii</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| PAN - <i>Pantoea</i> sp | 1 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 60 | 6 | 10,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región CENTRO | Áreas no críticas | 37 instituciones | 148 unidades

| Microorganismo | BLEE | | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|------------------------------------|-----------|--------------|----------|---------------------|----------|-------------|--------------|
| | N | N | % | N | % | N | % |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 26 | 23,08 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 23,08 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 14 | 57,14 | 4 | 28,57 | 0 | 0,00 | 57,14 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 7 | 85,71 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 85,71 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 2 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0,00 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 2 | 50,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 50,00 |
| CI- - <i>Citrobacter sp.</i> | 2 | 50,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 50,00 |
| PR- - <i>Proteus sp.</i> | 2 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0,00 |
| KL- - <i>Klebsiella sp.</i> | 1 | 100,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 100,00 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 100,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 100,00 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0,00 |
| MMO - <i>Morganella morganii</i> | 1 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0,00 |
| PAN - <i>Pantoea sp</i> | 1 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0,00 |
| TOTAL | 60 | 40,00 | 4 | 6,67 | 0 | 0,00 | 40,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región CENTRO | Áreas no críticas | 37 instituciones | 148 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|----------|--------------|
| | N | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 6 | 0 | 0,00 |
| PS- - <i>Pseudomonas sp.</i> | 3 | 0 | 0,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter sp.</i> | 3 | 3 | 100,00 |
| TOTAL | 12 | 3 | 25,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región CENTRO | Áreas no críticas | 37 instituciones | 148 unidades

| Microorganismo | BLEE | | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|-----------|----------|-------------|---------------------|-------------|----------|-------------|
| | N | N | % | N | % | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 6 | 0 | 0 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| PS- - <i>Pseudomonas</i> sp. | 3 | 1 | 33,33 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 3 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 12 | 1 | 8,33 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Consolidado Regional
NORTE GRANDE
Áreas No Críticas
(27 instituciones – 106 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**
Región NORTE GRANDE | Áreas no críticas | 27 instituciones | 106 unidades

| Microorganismo | N | % |
|---|-----------|---------------|
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 11 | 18,03 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 10 | 16,39 |
| PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 9 | 14,75 |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 6 | 9,84 |
| SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 3 | 4,92 |
| AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 2 | 3,28 |
| BCA - <i>Moraxella catarrhalis</i> | 2 | 3,28 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 2 | 3,28 |
| KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 2 | 3,28 |
| AEH - <i>Aeromonas hydrophila</i> | 1 | 1,64 |
| AXY - <i>Achromobacter xylosoxidans</i> ss. <i>xylosoxidans</i> | 1 | 1,64 |
| CAL - <i>Candida albicans</i> | 1 | 1,64 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 1 | 1,64 |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 1,64 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 1,64 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 1,64 |
| PR- - <i>Proteus</i> sp. | 1 | 1,64 |
| PRV - <i>Providencia</i> sp. | 1 | 1,64 |
| PS- - <i>Pseudomonas</i> sp. | 1 | 1,64 |
| SAL - <i>Salmonella</i> sp. | 1 | 1,64 |
| SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 1 | 1,64 |
| SE- - <i>Serratia</i> sp. | 1 | 1,64 |
| SPN - <i>Streptococcus pneumoniae</i> | 1 | 1,64 |
| TOTAL | 61 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. (2) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (0)
- **SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo** = SCN – *Staphylococcus* coagulasa negativo (1) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (0) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (0) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0) + SLU - *Staphylococcus lugdunensis* (0)
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. (0) + CPA - *Candida parapsilosis* (0) + CTR - *Candida tropicalis* (0) + CGL - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región NORTE GRANDE | Áreas no críticas | 27 instituciones | 106 unidades

| Sitio primario | Microorganismo | N | % |
|---|--|----|--------|
| IGI - Infección Gastrointestinal | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 33,33 |
| | CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 1 | 33,33 |
| | ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 1 | 33,33 |
| IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 2 | 25,00 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 2 | 25,00 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 12,50 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 12,50 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 1 | 12,50 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 12,50 |
| IPS - Infección Primaria de la Sangre | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 2 | 40,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 20,00 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 20,00 |
| | PS- - <i>Pseudomonas</i> sp. | 1 | 20,00 |
| | SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 1 | 100,00 |
| ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 5 | 41,67 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 3 | 25,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 16,67 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 8,33 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 2 | 9,89 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 8,33 |
| ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 50,00 |
| | PS- - <i>Pseudomonas</i> sp. | 1 | 50,00 |
| ITU - Infección del Tracto Urinario | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 11 | 57,89 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 4 | 21,05 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 5,26 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 5,26 |
| | ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 1 | 5,26 |
| | KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 1 | 5,26 |
| IOST - Infección Osteoarticular | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 3 | 42,86 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 14,29 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 1 | 14,29 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 14,29 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 14,29 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*
- **CAN - *Candida sp.*** = CAN - *Candida sp.* + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región NORTE GRANDE | Áreas no críticas | 27 instituciones | 106 unidades

| Microorganismo | Meticilino resistente | | | Meticilino sensible | |
|--|-----------------------|---|-------|---------------------|--------|
| | N | N | % | N | % |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 6 | 5 | 83,33 | 1 | 16,67 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 1 | 0 | 0,00 | 1 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus sp***

Región NORTE GRANDE | Áreas no críticas | 27 instituciones | 106 unidades

| Microorganismo | Resistente a vancomicina | | | Sensible a vancomicina | |
|------------------------------------|--------------------------|---|--------|------------------------|------|
| | N | N | % | N | % |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 0 | 0 | - | 0 | - |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 1 | 1 | 100,00 | 0 | 0,00 |
| EFM – <i>Enterococcus faecium</i> | 2 | 3 | | | |
| EFM – <i>Enterococcus faecium</i> | 1 | 2 | 6,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**
Región NORTE GRANDE | Áreas no críticas | 27 instituciones | 106 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|----------|--------------|
| | N | N | % |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 11 | 3 | 27,27 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 10 | 0 | 0,00 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 2 | 0 | 0,00 |
| KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 2 | 2 | 100,00 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 1 | 100,00 |
| PR- - <i>Proteus</i> sp. | 1 | 0 | 0,00 |
| PRV - <i>Providencia</i> sp. | 1 | 0 | 0,00 |
| SAL - <i>Salmonella</i> sp. | 1 | 0 | 0,00 |
| SE- - <i>Serratia</i> sp. | 1 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 32 | 6 | 18,75 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región NORTE GRANDE | Áreas no críticas | 27 instituciones | 106 unidades

| Microorganismo | BLEE | | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|-----------|-----------|--------------|---------------------|--------------|----------|-------------|
| | N | N | % | N | % | N | % |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 11 | 6 | 54,55 | 2 | 18,18 | 1 | 9,09 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 10 | 6 | 60,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 2 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| KL- - <i>Klebsiella sp.</i> | 2 | 2 | 100,00 | 2 | 100,00 | 0 | 0,00 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 1 | 100,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 1 | 100,00 | 1 | 100,00 | 0 | 0,00 |
| PR- - <i>Proteus sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| PRV - <i>Providencia sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| SAL - <i>Salmonella sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| SE- - <i>Serratia sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 32 | 16 | 50,00 | 5 | 15,63 | 1 | 3,13 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región NORTE GRANDE | Áreas no críticas | 27 instituciones | 106 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|----------|--------------|
| | N | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 9 | 4 | 44,44 |
| PS- - <i>Pseudomonas sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter sp.</i> | 2 | 2 | 100,00 |
| TOTAL | 12 | 6 | 50,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región NORTE GRANDE | Áreas no críticas | 27 instituciones | 106 unidades

| Microorganismo | BLEE | | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|-----------|----------|-------------|------------------------|--------------|----------|-------------|
| | N | N | % | N | % | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 9 | 1 | 11,11 | 1 | 11,11 | 0 | 0,00 |
| PS- - <i>Pseudomonas</i> sp | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 2 | 0 | 0,00 | 1 | 50,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 12 | 1 | 8,33 | 2 | 16,67 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Consolidado Regional
NUEVO CUYO
Áreas No Críticas
(11 instituciones – 57 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Región NUEVO CUYO | Áreas no críticas | 11 instituciones | 57 unidades

| Microorganismo | N | % |
|--|-----------|------------|
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 11 | 28,21 |
| AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 5 | 12,82 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 5 | 12,82 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa</i> negativo | 4 | 10,26 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 2 | 5,13 |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 2 | 5,13 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 2 | 5,13 |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 2 | 5,13 |
| CAN - <i>Candida</i> sp. | 1 | 2,56 |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 1 | 2,56 |
| ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 1 | 2,56 |
| PRV - <i>Providencia</i> sp. | 1 | 2,56 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 2,56 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 2,56 |
| TOTAL | 39 | 100 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. (0) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (5)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa* negativo** = SCN - *Staphylococcus coagulasa* negativo (0) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (4) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (0) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0) + SLU - *Staphylococcus lugdunensis* (0)
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. (0) + CPA - *Candida parapsilosis* (1) + CTR - *Candida tropicalis* (0) + CGL - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región NUEVO CUYO | Áreas no críticas | 11 instituciones | 57 unidades

| Sitio primario | Microorganismo | N | % |
|---|--|---|--------|
| IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 50,00 |
| | SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 1 | 50,00 |
| IPS - Infección Primaria de la Sangre | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 20,00 |
| | SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 1 | 20,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 20,00 |
| | CAL - <i>Candida albicans</i> | 1 | 20,00 |
| | MMO - <i>Morganella morganii</i> | 1 | 20,00 |
| ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 3 | 30,00 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 2 | 20,00 |
| | SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 2 | 20,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 10,00 |
| | SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 10,00 |
| | CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 1 | 10,00 |
| ISIS - Infección Sistémica | CAN - <i>Candida</i> sp. | 1 | 100,00 |
| ITU - Infección del Tracto Urinario | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 2 | 66,67 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 33,33 |
| NEU - Neumonía | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 4 | 57,14 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 14,29 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 14,29 |
| | ASP - <i>Aspergillus</i> sp. | 1 | 14,29 |
| IOST - Infección Osteoarticular | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 25,00 |
| | SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 1 | 25,00 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 25,00 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 25,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC-** - *Acinetobacter* sp. = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*
- **SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo** = SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región NUEVO CUYO | Áreas no críticas | 11 instituciones | 57 unidades

| Microorganismo | Meticilino resistente | | | Meticilino sensible | |
|--|-----------------------|---|--------|---------------------|-------|
| | N | N | % | N | % |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 2 | 1 | 50,00 | 1 | 50,00 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 4 | 4 | 100,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus sp***

Región NUEVO CUYO | Áreas no críticas | 11 instituciones | 57 unidades

| Microorganismo | Resistente a vancomicina | | | Sensible a vancomicina | |
|------------------------------------|--------------------------|---|--------|------------------------|-------|
| | N | N | % | N | % |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 2 | 1 | 50,00 | 1 | 50,00 |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 1 | 1 | 100,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**

Región NUEVO CUYO | Áreas no críticas | 11 instituciones | 57 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|------------------------------------|--------------------|----------|--------------|
| | N | N | % |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 11 | 1 | 9,09 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 5 | 3 | 60,00 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 2 | 0 | 0,00 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 2 | 0 | 0,00 |
| PRV - <i>Providencia sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 23 | 4 | 17,39 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región NUEVO CUYO | Áreas no críticas | 11 instituciones | 57 unidades

| Microorganismo | BLEE | | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|------------------------------------|-----------|----------|--------------|---------------------|-------------|----------|-------------|
| | N | N | % | N | % | N | % |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 11 | 2 | 18,18 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 5 | 1 | 20,00 | 2 | 40,00 | 0 | 0,00 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 2 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 2 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| PRV - <i>Providencia sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 23 | 3 | 13,04 | 2 | 8,70 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región NUEVO CUYO | Áreas no críticas | 11 instituciones | 57 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|----------|---------------|
| | N | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 0 | 0 | - |
| AC- – <i>Acinetobacter sp.</i> | 5 | 5 | 100,00 |
| TOTAL | 5 | 5 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC-** - *Acinetobacter sp.* = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región NUEVO CUYO | Áreas no críticas | 11 instituciones | 57 unidades

| Microorganismo | BLEE | | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|----------|----------|-------------|---------------------|-------------|----------|-------------|
| | N | N | % | N | % | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 0 | 0 | - | 0 | - | 0 | - |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 5 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 5 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Consolidado Regional
BUENOS AIRES
Áreas No Críticas
(26 instituciones – 85 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**
Región BUENOS AIRES | Áreas no críticas | 26 instituciones | 85 unidades

| Microorganismo | N | % |
|--|-----------|------------|
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 12 | 18,75 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 10 | 15,63 |
| PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 9 | 14,06 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 6 | 9,38 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 5 | 7,81 |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 3 | 4,69 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 2 | 3,13 |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 2 | 3,13 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 2 | 3,13 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 2 | 3,13 |
| AC- - <i>Acinetobacter sp.</i> | 1 | 1,56 |
| CAL - <i>Candida albicans</i> | 1 | 1,56 |
| CAN - <i>Candida sp.</i> | 1 | 1,56 |
| CDF - <i>Clostridium difficile</i> | 1 | 1,56 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 1 | 1,56 |
| CI- - <i>Citrobacter sp.</i> | 1 | 1,56 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 1 | 1,56 |
| ENT - <i>Enterococcus sp.</i> | 1 | 1,56 |
| KIN - <i>Kingella sp.</i> | 1 | 1,56 |
| KL- - <i>Klebsiella sp.</i> | 1 | 1,56 |
| PRV - <i>Providencia sp.</i> | 1 | 1,56 |
| TOTAL | 64 | 100 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* (0) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (1)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* (1) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (1) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (0) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0) + SLU - *Staphylococcus lugdunensis* (0)
- **CAN - *Candida sp.*** = CAN - *Candida sp.* (1) + CPA - *Candida parapsilosis* (0) + CTR - *Candida tropicalis* (0) + CGL - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región BUENOS AIRES | Áreas no críticas | 26 instituciones | 85 unidades

| Sitio primario | Microorganismo | N | % |
|---|--|---|--------|
| IGI - Infección Gastrointestinal | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 50,00 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 1 | 50,00 |
| IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas | MOR - <i>Morganella</i> sp. | 1 | 100,00 |
| IPS - Infección Primaria de la Sangre | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 2 | 50,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 25,00 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 25,00 |
| ISCV - Infección del Sistema Cardiovascular | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 2 | 66,67 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 1 | 33,33 |
| ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 6 | 42,86 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 3 | 21,43 |
| | SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 1 | 1,14 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 1,14 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 1 | 1,14 |
| | AC- - <i>Acinetobacter</i> sp. | 1 | 1,14 |
| | SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 1 | 1,14 |
| ISIS - Infección Sistémica | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 100,00 |
| ITU - Infección del Tracto Urinario | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 5 | 38,46 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 15,38 |
| | PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 2 | 15,38 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 7,69 |
| | CAN - <i>Candida</i> sp. | 1 | 7,69 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 7,69 |
| | EN- - <i>Enterobacter</i> sp. | 1 | 7,69 |
| NEU - Neumonía | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 100,00 |
| IREPR - Infección del Aparato Reproductor | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 100,00 |
| IOST - Infección Osteoarticular | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 3 | 50,00 |
| | SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo | 1 | 16,67 |
| | KL- - <i>Klebsiella</i> sp. | 1 | 16,67 |
| | ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 1 | 16,67 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*
- **SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo** = SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región BUENOS AIRES | Áreas no críticas | 26 instituciones | 85 unidades

| Microorganismo | Meticilino resistente | | | Meticilino sensible | |
|--|-----------------------|---|-------|---------------------|-------|
| | N | N | % | N | % |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 12 | 8 | 66,67 | 4 | 33,33 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 2 | 1 | 50,00 | 1 | 50,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus sp***

Región BUENOS AIRES | Áreas no críticas | 26 instituciones | 85 unidades

| Microorganismo | Resistente a vancomicina | | | Sensible a vancomicina | |
|------------------------------------|--------------------------|---|-------|------------------------|--------|
| | N | N | % | N | % |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 3 | 0 | 0 | 3 | 100,00 |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 2 | 1 | 50,00 | 1 | 50,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**
Región BUENOS AIRES | Áreas no críticas | 26 instituciones | 85 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|----------|--------------|
| | N | N | % |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 10 | 4 | 40,00 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 6 | 0 | 0,00 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 5 | 0 | 0,00 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 2 | 0 | 0,00 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 2 | 0 | 0,00 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| CI- - <i>Citrobacter sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| KL- - <i>Klebsiella sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| PRV - <i>Providencia sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 30 | 4 | 13,33 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**
Región BUENOS AIRES | Áreas no críticas | 26 instituciones | 85 unidades

| Microorganismo | N | BLEE | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|-----------|-----------|--------------|---------------------|-------------|----------|-------------|
| | | N | % | N | % | N | % |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 10 | 4 | 40,00 | 2 | 20,00 | 0 | 0,00 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 6 | 1 | 16,67 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 5 | 2 | 40,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| ECL - <i>Enterobacter cloacae</i> | 2 | 1 | 50,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| SMA - <i>Serratia marcescens</i> | 2 | 1 | 50,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| CI- - <i>Citrobacter sp.</i> | 1 | 1 | 100,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i> | 1 | 1 | 100,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| KL- - <i>Klebsiella sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| PRV - <i>Providencia sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 30 | 11 | 36,67 | 2 | 6,67 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región BUENOS AIRES | Áreas no críticas | 26 instituciones | 85 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|----------|--------------|
| | N | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 9 | 2 | 22,22 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 1 | 1 | 100,00 |
| TOTAL | 10 | 3 | 30,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región BUENOS AIRES | Áreas no críticas | 26 instituciones | 85 unidades

| Microorganismo | BLEE | | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|-----------|----------|--------------|---------------------|-------------|----------|-------------|
| | N | N | % | N | % | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 9 | 2 | 22,22 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 10 | 2 | 20,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Consolidado Regional
Áreas No Críticas
PATAGONIA
(15 instituciones – 43 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Región PATAGONIA | Áreas no críticas | 15 instituciones | 43 unidades

| Microorganismo | N | % |
|--|-----------|---------------|
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 6 | 26,09 |
| PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 3 | 13,04 |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 3 | 13,04 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 8,70 |
| CAN - <i>Candida</i> sp. | 1 | 4,35 |
| PVU - <i>Proteus vulgaris</i> | 1 | 4,35 |
| MOR - <i>Morganella</i> sp. | 1 | 4,35 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 4,35 |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 1 | 4,35 |
| ENT - <i>Enterococcus</i> sp. | 1 | 4,35 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 4,35 |
| PRV - <i>Providencia</i> sp. | 1 | 4,35 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa</i> negativo | 1 | 4,35 |
| TOTAL | 23 | 100,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC-** - *Acinetobacter* sp. = AC- - *Acinetobacter* sp. (0) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (0)
- **SCN** - *Staphylococcus coagulasa* negativo = SCN - *Staphylococcus coagulasa* negativo (1) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (0) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (0) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0) + SLU - *Staphylococcus lugdunensis* (0)
- **CAN** - *Candida* sp. = CAN - *Candida* sp. (0) + CPA - *Candida parapsilosis* (0) + CTR - *Candida tropicalis* (0) + CGL - *Candida glabrata* (1)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región PATAGONIA | Áreas no críticas | 15 instituciones | 43 unidades

| Sitio primario | Microorganismo | N | % |
|---|--|---|--------|
| IGI - Infección Gastrointestinal | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 50,00 |
| | CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 1 | 50,00 |
| IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 100,00 |
| IPS - Infección Primaria de la Sangre | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 3 | 37,50 |
| | PCE - Complejo <i>Burkholderia cepacia</i> | 3 | 37,50 |
| | SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 1 | 12,50 |
| | KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 12,50 |
| ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 25,00 |
| | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 1 | 25,00 |
| | SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i> | 1 | 25,00 |
| | EN- - <i>Enterobacter sp.</i> | 1 | 25,00 |
| ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 100,00 |
| ITU - Infección del Tracto Urinario | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 8 | 50,00 |
| | ECO - <i>Escherichia coli</i> | 4 | 25,00 |
| | AC- - <i>Acinetobacter sp.</i> | 1 | 6,25 |
| | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 6,25 |
| | KL- - <i>Klebsiella sp.</i> | 1 | 6,25 |
| | PRV - <i>Providencia sp.</i> | 1 | 6,25 |
| NEU - Neumonía | KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 50,00 |
| | PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 1 | 25,00 |
| | SPN - <i>Streptococcus pneumoniae</i> | 1 | 25,00 |
| IOST - Infección Osteoarticular | SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 1 | 50,00 |
| | EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 1 | 50,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC-** - *Acinetobacter sp.* = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii*
- **SCN** - *Staphylococcus coagulasa negativo* = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*
- **CAN** - *Candida sp.* = CAN - *Candida sp.* + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región PATAGONIA | Áreas no críticas | 15 instituciones | 43 unidades

| Microorganismo | Meticilino resistente | | | Meticilino sensible | |
|--|-----------------------|---|--------|---------------------|-------|
| | N | N | % | N | % |
| SAU - <i>Staphylococcus aureus</i> | 6 | 2 | 33,33 | 4 | 66,67 |
| SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i> | 1 | 1 | 100,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus sp***

Región PATAGONIA | Áreas no críticas | 15 instituciones | 43 unidades

| Microorganismo | Resistente a vancomicina | | | Sensible a vancomicina | |
|------------------------------------|--------------------------|---|--------|------------------------|------|
| | N | N | % | N | % |
| EFA - <i>Enterococcus faecalis</i> | 0 | 0 | - | 0 | - |
| EFM - <i>Enterococcus faecium</i> | 1 | 1 | 100,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**

Región PATAGONIA | Áreas no críticas | 15 instituciones | 43 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|------------------------------------|--------------------|----------|-------------|
| | N | N | % |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 12 | 0 | 0,00 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 5 | 0 | 0,00 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| CFR - <i>Citrobacter freundii</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| KL- - <i>Klebsiella sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| EN- - <i>Enterobacter sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| PRV - <i>Providencia sp.</i> | 1 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 22 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región PATAGONIA | Áreas no críticas | 15 instituciones | 43 unidades

| Microorganismo | N | BLEE | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|------------------------------------|-----------|----------|--------------|---------------------|--------------|----------|-------------|
| | | N | % | N | % | N | % |
| PMI - <i>Proteus mirabilis</i> | 3 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i> | 2 | 1 | 50,00 | 1 | 50,00 | 0 | 0,00 |
| PVU - <i>Proteus vulgaris</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| MOR - <i>Morganella</i> sp. | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| ECO - <i>Escherichia coli</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i> | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| PRV - <i>Providencia</i> sp. | 1 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| TOTAL | 10 | 1 | 10,00 | 1 | 10,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región PATAGONIA | Áreas no críticas | 15 instituciones | 43 unidades

| Microorganismo | No sensibles (R+I) | | |
|-------------------------------------|--------------------|----------|-------------|
| | N | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 3 | 0 | 0,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 0 | 0 | - |
| TOTAL | 3 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región PATAGONIA | Áreas no críticas | 15 instituciones | 43 unidades

| Microorganismo | BLEE | | | SERIN CARBAPENEMASA | | MBL | |
|-------------------------------------|----------|----------|--------------|---------------------|-------------|----------|-------------|
| | N | N | % | N | % | N | % |
| PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i> | 3 | 1 | 33,33 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |
| AC- – <i>Acinetobacter</i> sp. | 0 | 0 | - | 0 | - | 0 | - |
| TOTAL | 3 | 1 | 33,33 | 0 | 0,00 | 0 | 0,00 |

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*