

Estudio Nacional de Diagnóstico Institucional y Prevalencia de Infecciones Asociadas al Cuidado de la Salud de Hospitales de Argentina

Edición 2016

Informe de Resultados

(Consolidado – 157 instituciones)

Este informe presenta los resultados del 18° Estudio Nacional de Prevalencia de IACS y Consumo de Antimicrobianos en Hospitales de Argentina, en el marco del Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA).

Mar del Plata, 27 de Diciembre de 2016

CONTENIDOS

✓	Autoridades.....	4
✓	Comisión ejecutiva del Programa VIHDA.....	5
✓	Instituciones participantes	7
	○ Distribución de instituciones por región geográfica.....	12
✓	Universo de Trabajo	14
✓	Resultados.....	15
	○ Áreas críticas.....	16
	▪ Unidades de cuidados intensivos de adultos.....	17
	▪ Unidades de cuidados intensivos pediátricas.....	22
	▪ Unidades de cuidados intensivos neonatales.....	26
	▪ Datos microbiológicos.....	30
	○ Consolidado nacional.....	31
	○ Consolidado regional AMBA.....	41
	○ Consolidado regional CENTRO.....	48
	○ Consolidado regional NORTE GRANDE.....	54
	○ Consolidado regional NUEVO CUYO.....	61
	○ Consolidado regional BUENOS AIRES.....	67
	○ Consolidado regional PATAGONIA.....	73
	○ Áreas no críticas.....	78
	▪ Pacientes adultos.....	79
	▪ Pacientes pediátricos.....	84
	▪ Datos microbiológicos.....	89
	○ Consolidado nacional.....	90
	○ Consolidado regional AMBA.....	103
	○ Consolidado regional CENTRO.....	111

○ Consolidado regional NORTE GRANDE.....	119
○ Consolidado regional NUEVO CUYO.....	126
○ Consolidado regional BUENOS AIRES.....	132
○ Consolidado regional PATAGONIA.....	138
○ Intervenciones quirúrgicas.....	144
▪ Pacientes adultos.....	145
▪ Pacientes pediátricos.....	150

AUTORIDADES

PRESIDENTE DE LA NACIÓN

Ing. Mauricio MACRI

MINISTRO DE SALUD

Dr. Jorge Daniel LEMUS

SECRETARIO DE POLITICAS, REGULACION E INSTITUTOS

Dr. Raúl Alejandro Luis RAMOS

DIRECTOR A CARGO DE LA ADMINISTRACION NACIONAL DE LABORATORIOS E INSTITUTOS DE SALUD "DR. CARLOS G. MALBRÁN"

Dr. Carlos Alberto UBEIRA

DIRECTOR DEL INSTITUTO NACIONAL DE EPIDEMIOLOGIA "DR. JUAN H. JARA"

Dra. Leticia MILLER

DIRECTOR DEL PROGRAMA NACIONAL DE PREVENCION Y CONTROL DE INFECCIONES HOSPITALARIAS

Lic. Norma PERALTA

DIRECTOR DEL PROGRAMA NACIONAL DE VIGILANCIA DE INFECCIONES HOSPITALARIAS DE ARGENTINA (VIHDA)

Lic. Norma PERALTA

COMISIÓN EJECUTIVA DEL PROGRAMA VIHDA

Lic. Norma Peralta (Directora)

Ing. Roberto Giordano Lerena

Dr. Gonzalo Corral

PU. Diego Arcidiácono

Dra. Leonor Guerriero

Ing. Laura Fernández

Lic. María de los Ángeles Cabral

Ing. Carolina Díaz

Tec. Fernando Hinojal

Estudio Nacional de Prevalencia de IACS y Consumo de Antimicrobianos en Hospitales de Argentina

Edición 2016

En el marco Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) se realizó el 18° Estudio Nacional de Prevalencia de IACS y Consumo de Antimicrobianos en Hospitales de Argentina.

Este estudio consiste en un relevamiento de la situación en lo que hace a infecciones asociadas al cuidado de la salud en las áreas críticas (unidades de cuidados intensivos) y no críticas de las instituciones participantes. Participaron instituciones públicas y privadas de nuestro país, sin necesariamente formar parte del Programa Nacional como institución adherida. En esta edición, en el marco del estudio de prevalencia, se desarrolló la 1era Encuesta Nacional de Consumo de Antimicrobianos.

En el estudio, participaron instituciones del extranjero pero a efectos de describir la situación de la Argentina exclusivamente, no forman parte de este informe.

Participaron **157 hospitales** correspondientes a **22 provincias** del país. Estos centros, que adhirieron voluntariamente al estudio, realizaron el relevamiento en las unidades en el mes de septiembre del corriente año, afectando a más de **1350 profesionales** en este proceso.

En este estudio se contemplaron datos de **831 unidades de internación**, con un total de **15554 camas relevadas** y **7941 pacientes** encuestados en el Estudio de Prevalencia, los cuales fueron cargados en SisWEP, software desarrollado ad-hoc para la gestión y análisis de la información recolectada.

INSTITUCIONES PARTICIPANTES

Institución	Localidad	Provincia
CLÍNICA INDEPENDENCIA SA	9 DE JULIO	BUENOS AIRES
HOSPITAL ZONAL GENERAL DE AGUDOS "JULIO DE VEDIA"	9 DE JULIO	BUENOS AIRES
HOSPITAL PEDRO FIORITO	AVELLANEDA	BUENOS AIRES
HIGA PRESIDENTE PERÓN	AVELLANEDA	BUENOS AIRES
HOSPITAL MUNICIPAL DR. PEDRO SOLANET	AYACUCHO	BUENOS AIRES
HOSPITAL EVITA PUEBLO DE BERAZATEGUI	BERAZATEGUI	BUENOS AIRES
HOSPITAL MUNICIPAL SAN LUIS	BRAGADO	BUENOS AIRES
HOSPITAL JULIO F. RAMOS	CARLOS CASARES	BUENOS AIRES
SANATORIO MODELO DE CASEROS	CASEROS	BUENOS AIRES
HOSPITAL SAN VICENTE DE PAUL	CHASCOMÚS	BUENOS AIRES
HOSPITAL MUNICIPAL DE CHIVILCOY	CHIVILCOY	BUENOS AIRES
HOSPITAL MUNICIPAL DE CORONEL SUÁREZ DR. CACCAVO	CORONEL SUÁREZ	BUENOS AIRES
HOSPITAL MUNICIPAL DE NIÑOS FEDERICO FALCÓN	DEL VISO-PILAR	BUENOS AIRES
HOSPITAL NACIONAL PROFESOR ALEJANDRO POSADAS	EL PALOMAR	BUENOS AIRES
HOSPITAL EL CRUCE NÉSTOR CARLOS KIRCHNER	FLORENCIO VARELA	BUENOS AIRES
HIGA VICENTE LÓPEZ Y PLANES	GRAL RODRIGUEZ	BUENOS AIRES
HIGA GUEMES	HAEDO	BUENOS AIRES
HTAL MERCANTE	JOSE C. PAZ	BUENOS AIRES
HOSPITAL DR. RICARDO GUTIERREZ	LA PLATA	BUENOS AIRES
HOSPITAL IEA Y CASA SAN JUAN DE DIOS	LA PLATA	BUENOS AIRES
HOSPITAL DR. RODOLFO ROSSI	LA PLATA	BUENOS AIRES
HOSPITAL SAN ROQUE	LA PLATA	BUENOS AIRES
HOSPITAL ITALIANO	LA PLATA	BUENOS AIRES
HOSPITAL ESPAÑOL DE LA PLATA	LA PLATA	BUENOS AIRES
HOSPITAL GANDULFO	LA PLATA	BUENOS AIRES
HOSPITAL INTERZONAL DE AGUDOS EVITA	LANÚS	BUENOS AIRES
HOSPITAL MUNICIPAL NUESTRA SEÑORA DE LUJAN	LUJÁN	BUENOS AIRES
CLÍNICA GUEMES	LUJÁN	BUENOS AIRES
HOSPITAL DE TRAUMATOLOGIA Y EMERGENCIA DR. ABETE	MALVINAS	BUENOS AIRES
HOSPITAL CENTRAL DE PEDIATRÍA DR. CLAUDIO ZIN	MALVINAS	BUENOS AIRES
HOSPITAL FRANCISCO MACÍA	MAR DE AJO	BUENOS AIRES
HIGA ALENDE	MAR DEL PLATA	BUENOS AIRES
CLINICA PRIVADA PUEYRREDON	MAR DEL PLATA	BUENOS AIRES
CLINICA DEL NIÑO Y LA MADRE	MAR DEL PLATA	BUENOS AIRES
CLÍNICA COLÓN	MAR DEL PLATA	BUENOS AIRES
CLÍNICA 25 DE MAYO	MAR DEL PLATA	BUENOS AIRES
HOSPITAL ZONAL GENERAL HÉROES DE MALVINAS	MERLO	BUENOS AIRES

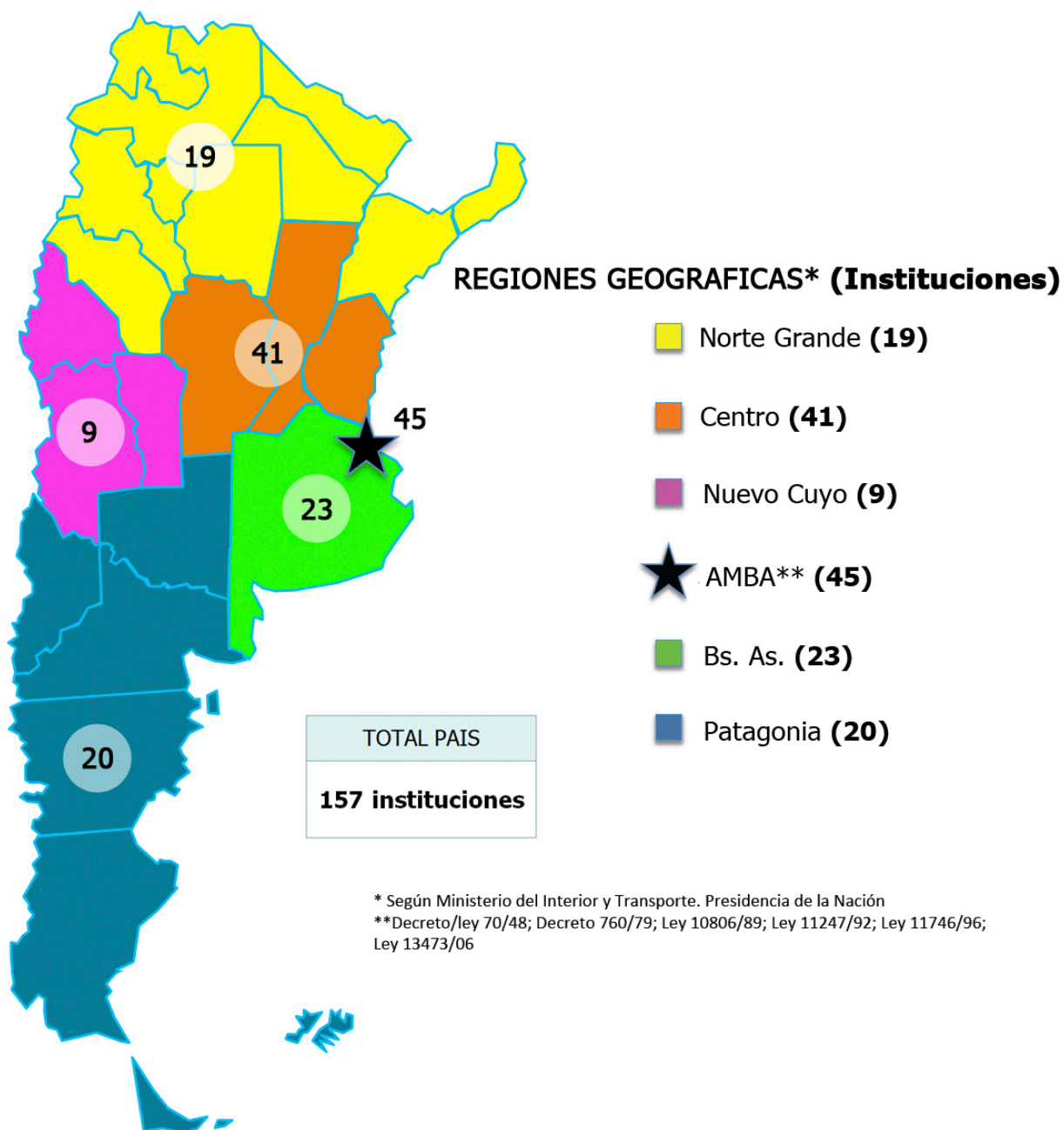
Institución	Localidad	Provincia
CLÍNICA PRIVADA PROVINCIAL S. A.	MERLO	BUENOS AIRES
CLÍNICA CONSTITUYENTES	MORÓN	BUENOS AIRES
HOSPITAL MUNICIPAL HÉCTOR CURA	OLAVARRÍA	BUENOS AIRES
HTAL MATERNO-INFANTIL EVA DUARTE DE PERON	PABLO NOGUES	BUENOS AIRES
CLÍNICA PERGAMINO SA	PERGAMINO	BUENOS AIRES
SANATORIO SAN LUCAS	SAN ISIDRO	BUENOS AIRES
HIGA EVA PERÓN	SAN MARTÍN	BUENOS AIRES
HOSPITAL MUNICIPAL DE TIGRE	TIGRE	BUENOS AIRES
HOSPITAL PEDRO T. ORELLANA	TRENQUE LAUQUEN	BUENOS AIRES
HOSPITAL MUNICIPAL DE VICENTE LÒPEZ DR. HOUSSAY	VICENTE LÓPEZ	BUENOS AIRES
HOSPITAL SAN JUAN BAUTISTA DE CATAMARCA	CATAMARCA	CATAMARCA
HOSPITAL INTERZONAL DE NIÑOS "EVA PERÓN"	CATAMARCA	CATAMARCA
HOSPITAL PERRANDO	RESISTENCIA	CHACO
HOSPITAL PEDIÁTRICO DR. A. L. CASTELÁN	RESISTENCIA	CHACO
HOSPITAL ZONAL PRESIDENTE ALVEAR	COMODORO RIVADAVIA	CHUBUT
HOSPITAL ZONAL ESQUEL	ESQUEL	CHUBUT
HOSPITAL ANDRÉS ISOLA	PUERTO MADRYN	CHUBUT
HOSPITAL ZONAL DE TRELLEW	TRELLEW	CHUBUT
CLÍNICA ZABALA	CABA	CABA
CLÍNICA ADVENTISTA BELGRANO	CABA	CABA
HOSPITAL GENERAL DE AGUDOS CARLOS G. DURAND	CABA	CABA
CEMIC	CABA	CABA
SANATORIO LAS LOMAS	CABA	CABA
SANATORIO DE LA TRINIDAD PALERMO	CABA	CABA
SANATORIO GÜEMES	CABA	CABA
HOSPITAL DR. TEODORO ALVÁREZ	CABA	CABA
SANATORIO FINOCHIETTO	CABA	CABA
INSTITUTO CARDIOVASCULAR DE BUENOS AIRES ICBA	CABA	CABA
AMEBPBA	CABA	CABA
HOSPITAL AERONAUTICO CENTRAL	CABA	CABA
HOSPITAL GENERAL DE AGUDOS "DR. PENNA"	CABA	CABA
HOSPITAL ALEMÁN	CABA	CABA
HOSPITAL GENERAL 601 - HOSPITAL MILITAR CENTRAL	CABA	CABA
SANATORIO SAGRADO CORAZÓN (OSECAC)	CABA	CABA
HOSPITAL DE QUEMADOS DE CABA DR. ARTURO ILIA	CABA	CABA
HOSPITAL DE ONCOLOGÍA MARÍA CURIE	CABA	CABA
HOSPITAL GENERAL DE AGUDOS DR. PIROVANO	CABA	CABA
SANATORIO DE LA PROVIDENCIA	CABA	CABA
UNIDAD ASISTENCIAL "POR MÁS SALUD" DR. MILSTEIN	CABA	CABA

Institución	Localidad	Provincia
HOSPITAL ARTURO U. ILLIA	ALTA GRACIA	CÓRDOBA
HOSPITAL ITALIANO	CÓRDOBA	CÓRDOBA
HOSPITAL RAWSON	CÓRDOBA	CÓRDOBA
HOSPITAL NUESTRA SEÑORA DE LA MISERICORDIA	CÓRDOBA	CÓRDOBA
HOSPITAL MUNICIPAL DE URGENCIAS	CÓRDOBA	CÓRDOBA
HOSPITAL CÓRDOBA	CÓRDOBA	CÓRDOBA
SANATORIO ALLENDE DEL CERRO DE LAS ROSAS	CÓRDOBA	CÓRDOBA
HOSPITAL MATERNO NEONATAL DR. RAMÓN CARRILLO	CÓRDOBA	CÓRDOBA
CLÍNICA REINA FABIOLA	CÓRDOBA	CÓRDOBA
NUEVO HOSPITAL SAN ROQUE	CÓRDOBA	CÓRDOBA
SANATORIO ALLENDE NVA. CBA.	CÓRDOBA	CÓRDOBA
HOSPITAL DE NIÑOS SANTÍSIMA TRINIDAD	CÓRDOBA	CÓRDOBA
HOSPITAL AERONÁUTICO DE CÓRDOBA	CÓRDOBA	CÓRDOBA
HOSPITAL NACIONAL DE CLINICAS	CÓRDOBA	CÓRDOBA
HOSPITAL PEDIÁTRICO DEL NIÑO JESÚS DE CÓRDOBA	CÓRDOBA	CÓRDOBA
INSTITUTO MODELO DE CARDIOLOGÍA PRIVADO	CÓRDOBA	CÓRDOBA
SANATORIO DEL SALVADOR	CÓRDOBA	CÓRDOBA
HOSPITAL MUNICIPAL PRÍNCIPE DE ASTURIAS	CÓRDOBA	CÓRDOBA
HOSPITAL INFANTIL MUNICIPAL	CÓRDOBA	CÓRDOBA
SANATORIO PARQUE DE CÓRDOBA	CÓRDOBA	CÓRDOBA
CLÍNICA SANAGEC- OSECAC	CÓRDOBA	CÓRDOBA
CLÍNICA REGIONAL DEL SUD	RÍO CUATRO	CÓRDOBA
HOSPITAL J.B. ITURRASPE	SAN FRANCISCO	CÓRDOBA
HOSPITAL DOMINGO FUNES	VILLA CAEIRO	CÓRDOBA
HOSPITAL REGIONAL PASTEUR	VILLA MARÍA	CÓRDOBA
HOSPITAL ANGELA IGLESIAS DE LLANO	CORRIENTES	CORRIENTES
HOSPITAL PEDIÁTRICO "JUAN PABLO II"	CORRIENTES	CORRIENTES
HOSPITAL ESCUELA JOSÉ FRANCISCO DE SAN MARTÍN	CORRIENTES	CORRIENTES
HOSPITAL SAN JUAN BAUTISTA DE CORRIENTES	SANTO TOMÉ	CORRIENTES
HOSPITAL JUSTO JOSÉ DE URQUIZA	CONCEP. DEL URUGUAY	ENTRE RÍOS
HOSPITAL DELICIA CONCEPCIÓN MASVERNAT	CONCORDIA	ENTRE RÍOS
SANATORIO ADVENTISTA DEL PLATA	LIBERTADOR SAN MARTÍN	ENTRE RÍOS
CLINICA MODELO	PARANÁ	ENTRE RÍOS
HOSPITAL MATERNO INFANTIL SAN ROQUE	PARANÁ	ENTRE RÍOS
NUEVO HOSPITAL SAN ANTONIO DE PADUA	RIO CUARTO	ENTRE RÍOS
HOSPITAL HECTOR QUINTANA	SAN SALVADOR DE JUJUY	JUJUY
HOSPITAL PABLO SORIA	SAN SALVADOR DE JUJUY	JUJUY
SANATORIO NUESTRA SEÑORA DEL ROSARIO	SAN SALVADOR DE JUJUY	JUJUY
ESTABLECIMIENTO ASISTENCIAL DR. LUCIO MOLAS	SANTA ROSA	LA PAMPA

Institución	Localidad	Provincia
HOSPITAL DR. ENRIQUE VERA BARROS	LA RIOJA	LA RIOJA
HOSPITAL ENFERMEROS ARGENTINOS	GENERAL ALVEAR	MENDOZA
HOSPITAL ALFREDO ITALO PERRUPATO	GENERAL SAN MARTÍN	MENDOZA
HOSPITAL NOTTI	GUAYMALLEN	MENDOZA
HOSPITAL LUIS LAGOMAGGIORE	MENDOZA	MENDOZA
CLÍNICA DE CUYO	MENDOZA	MENDOZA
HOSPITAL REGIONAL SCHESTAKOW	SAN RAFAEL	MENDOZA
HOSPITAL MATERNO NEONATAL	POSADAS	MISIONES
HOSPITAL ESCUELA DE AGUDOS DR. MADARIAGA	POSADAS	MISIONES
HOSPITAL JUNÍN DE LOS ANDES	JUNÍN DE LOS ANDES	NEUQUÉN
COOPERATIVA DE TRABAJO DE SALUD ADOS	NEUQUEN	NEUQUÉN
HOSPITAL EDUARDO CASTRO RENDÓN	NEUQUEN	NEUQUÉN
CLINICA PASTEUR	NEUQUEN	NEUQUÉN
HOSPITAL HELLER	NEUQUEN	NEUQUÉN
HOSPITAL ZONAL BARILOCHE DR. CARRILLO	BARILOCHE	RÍO NEGRO
CLÍNICA Y MATERNIDAD DE CATRIEL-JUAN PERÓN	CATRIEL	RÍO NEGRO
CLÍNICA RADIOLOGICA DEL SUR	CIPOLLETTI	RÍO NEGRO
CLÍNICA ROCA	GENERAL ROCA	RÍO NEGRO
HOSPITAL FRANCISCO LÓPEZ LIMA	GENERAL ROCA	RÍO NEGRO
HOSPITAL DR ROGELIO CORTIZO	INGENIERO JACOBACCI	RÍO NEGRO
HOSPITAL ARISTIDES ZATTI	VIEDMA	RÍO NEGRO
HOSPITAL PÚBLICO DESCENTRALIZADO DR. RAWSON	SAN JUAN	SAN JUAN
CENTRO INTEGRAL DE LA MUJER Y EL NIÑO CIMYN	SAN JUAN	SAN JUAN
MATERNIDAD TERESITA BAIGORRIA	SAN LUIS	SAN LUIS
POLÍCLINICO REGIONAL PRESIDENTE PERÓN	VILLA MERCEDES	SAN LUIS
HOSPITAL ZONAL PEDRO TARDIVO	CALETA OLIVIA	SANTA CRUZ
HOSPITAL REGIONAL RÍO GALLEGOS	RÍO GALLEGOS	SANTA CRUZ
MATERNIDAD MARTIN	ROSARIO	SANTA FE
INSSJP POLICLÍNICO PAMI II	ROSARIO	SANTA FE
HOSPITAL JUAN B. ALBERDI	ROSARIO	SANTA FE
SANATORIO PARQUE DE ROSARIO	ROSARIO	SANTA FE
HOSPITAL CENTRAL RECONQUISTA	SANTA FE	SANTA FE
SANATORIO MAYO	SANTA FE	SANTA FE
HOSPITAL DE NIÑOS DR. ORLANDO ALASSIA	SANTA FE	SANTA FE
SANATORIO MÉDICO QUIRÚRGICO SANTA FE S. A.	SANTA FE	SANTA FE
SANATORIO ABEL BEROIZ	VENADO TUERTO	SANTA FE
CENTRO DE SALUD INFANTIL (CEPSI) EVA PERON	SANTIAGO DEL ESTERO	SANTIAGO DEL ESTERO
HOSPITAL REGIONAL DE USHUAIA	USHUAIA	TIERRA DEL FUEGO

Institución	Localidad	Provincia
SANATORIO PARQUE SA	SAN MIGUEL DE TUCUMÁN	TUCUMÁN
SANATORIO 9 DE JULIO	SAN MIGUEL DE TUCUMÁN	TUCUMÁN
HOSPITAL NÉSTOR KIRCHNER	SAN MIGUEL DE TUCUMÁN	TUCUMÁN
HOSPITAL ANGEL PADILLA	SAN MIGUEL DE TUCUMÁN	TUCUMÁN

Distribución de instituciones por región geográfica



REGIONES GEOGRÁFICAS

A fin de simplificar el análisis de los datos poblacionales y microbiológicos del estudio, hemos optado por utilizar el criterio propuesto por el Ministerio del Interior y Transporte, que agrupa al país en 6 regiones.

A continuación se detalla la composición de cada una:

- NORTE GRANDE: Catamarca, Chaco, Corrientes, Formosa, Jujuy, La Rioja, Misiones, Salta , Santiago del Estero, Tucumán
- CENTRO: Córdoba, Entre Ríos, Santa Fe
- NUEVO CUYO: Mendoza, San Juan, San Luis
- AMBA: Ciudad Autónoma de Buenos Aires y Gran Buenos Aires *Decreto/Ley 70/48; Decreto 760/79; Ley 10806/89; Ley 11247/92; Ley 11749/96; Ley 12473/06.
- BUENOS AIRES: Buenos Aires
- PATAGONIA: Chubut, La Pampa, Neuquén, Río Negro, Santa Cruz, Tierra del Fuego

Universo de trabajo

Consolidado Argentina | Áreas críticas y no críticas

Unidad	N	Camas	Camas promedio	Pacientes	Promedio de edad
UCI Adultos	123	1243	10	744	57
UCI Pediátrica	27	268	10	74	4
UCI Neonatal	66	1169	18	688	35 días
Sala de Internación Polivalente	140	3107	22	1812	58
Clínica Medica	127	3069	24	1811	55
Clínica Quirúrgica	75	1852	25	797	46
Pediatría	51	1058	21	389	3
Obstetricia	40	1165	29	368	25
Unidad Coronaria	39	366	9	211	68
Ortopedia y Traumatología	29	556	19	270	48
Cuidados Intermedios	28	385	14	223	42
Ginecología	22	436	20	90	38
Oncología	8	80	10	40	10
Cuidados Mínimos	8	284	36	153	27
Cuidados Moderados	7	163	23	65	29
Cirugía Cardíaca	7	86	12	46	40
Neurocirugía	7	112	16	56	44
Quemados	7	62	9	29	30
Infectología	3	41	14	25	31
Emergencia	2	25	13	13	51
Otorrinaringología	1	15	15	2	29
Urología	1	12	12	6	63
Otras Salas	13	-	-	29	49
TOTAL	831	15554	19	7941	37

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

RESULTADOS

Áreas Críticas

(122 instituciones – 216 unidades)

Unidades de Cuidados Intensivos de Adultos *(123 unidades)*

Tabla 1: **Tasa de prevalencia de IACS**
Consolidado Argentina | Áreas críticas | 123 UCIA

N de pacientes	N de pacientes con IACS	Tasa de IACS
744	237	31,9

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

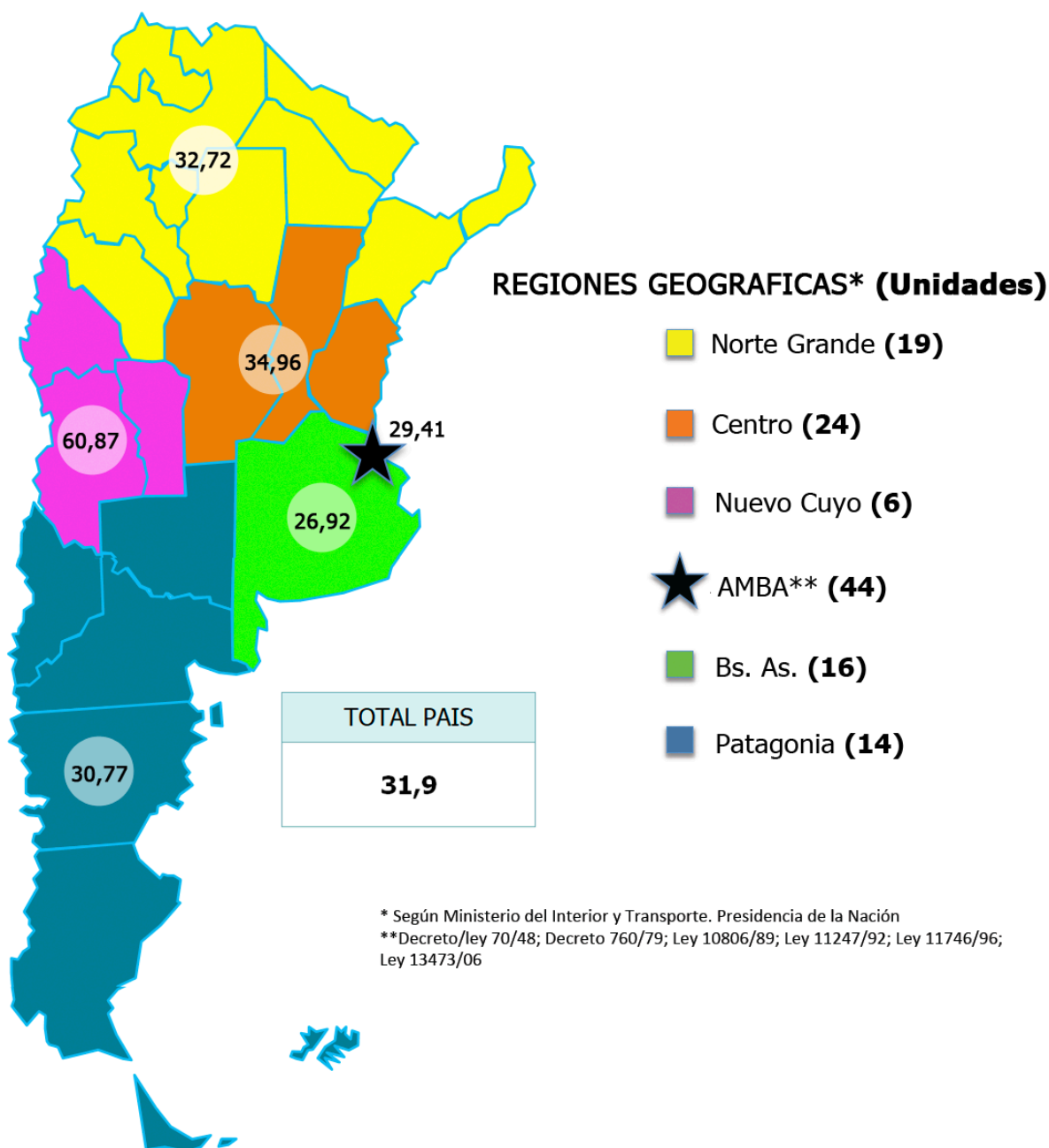


Tabla 2: **Distribución de episodios de IACS según sitio primario**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 123 UCIA

Sitio primario	N	%
Neumonía	114	48,10
Infección Primaria de la Sangre	31	13,08
Infección del Tracto Urinario	29	12,24
Infección del Sitio Quirúrgico	22	9,28
Infección de Piel y Partes Blandas	10	4,22
Infección Gastrointestinal	10	4,22
Infección del Tracto Respiratorio Inferior	8	3,38
Infección Sistémica	7	2,95
Sistema Nervioso Central	5	2,11
Infección del Sistema Cardiovascular	1	0,42
TOTAL	237	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 3: **Número de pacientes y tasa de prevalencia de IACS asociada a factor de riesgo exógeno**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 123 UCIA

Factor de riesgo exógeno	N de Pacientes	%	N de pacientes con IACS	Tasa de IACS
Catéter Urinario	595	79,97	25	4,20
Catéter Venoso Central	526	70,70	32	6,08
Asistencia Respiratoria Mecánica	390	52,42	97	24,87
Exposición a fármacos	284	38,17	2	0,70
Catéter Venoso Periférico	251	33,74	0	0,00
Catéter de PIC	23	3,09	0	0,00
Derivación Ventricular	11	1,48	1	9,09

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 4: **Distribución de los pacientes según factor de riesgo endógeno**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 123 UCIA

Factor de riesgo endógeno	N de pacientes	%
Tabaquismo	197	26,48
Diabetes	157	21,10
Obesidad	127	17,07
Insuficiencia renal	116	15,59
Neoplasia	105	14,11
EPOC	105	14,11
Coma	93	12,50
ACV	91	12,23
Inmunodeficiencia	86	11,56
Úlcera por decúbito	80	10,75
Colonización por MMR	75	10,08
Alcoholismo	71	9,54
Desnutrición	59	7,93
Insuficiencia hepática	31	4,17

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Unidades de Cuidados Intensivos Pediátricas *(27 unidades)*

Tabla 1: **Tasa de prevalencia de IACS**
Consolidado Argentina | Áreas críticas | 27 UCIP

N de pacientes	N de pacientes con IACS	Tasa de IACS
74	18	24,3

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

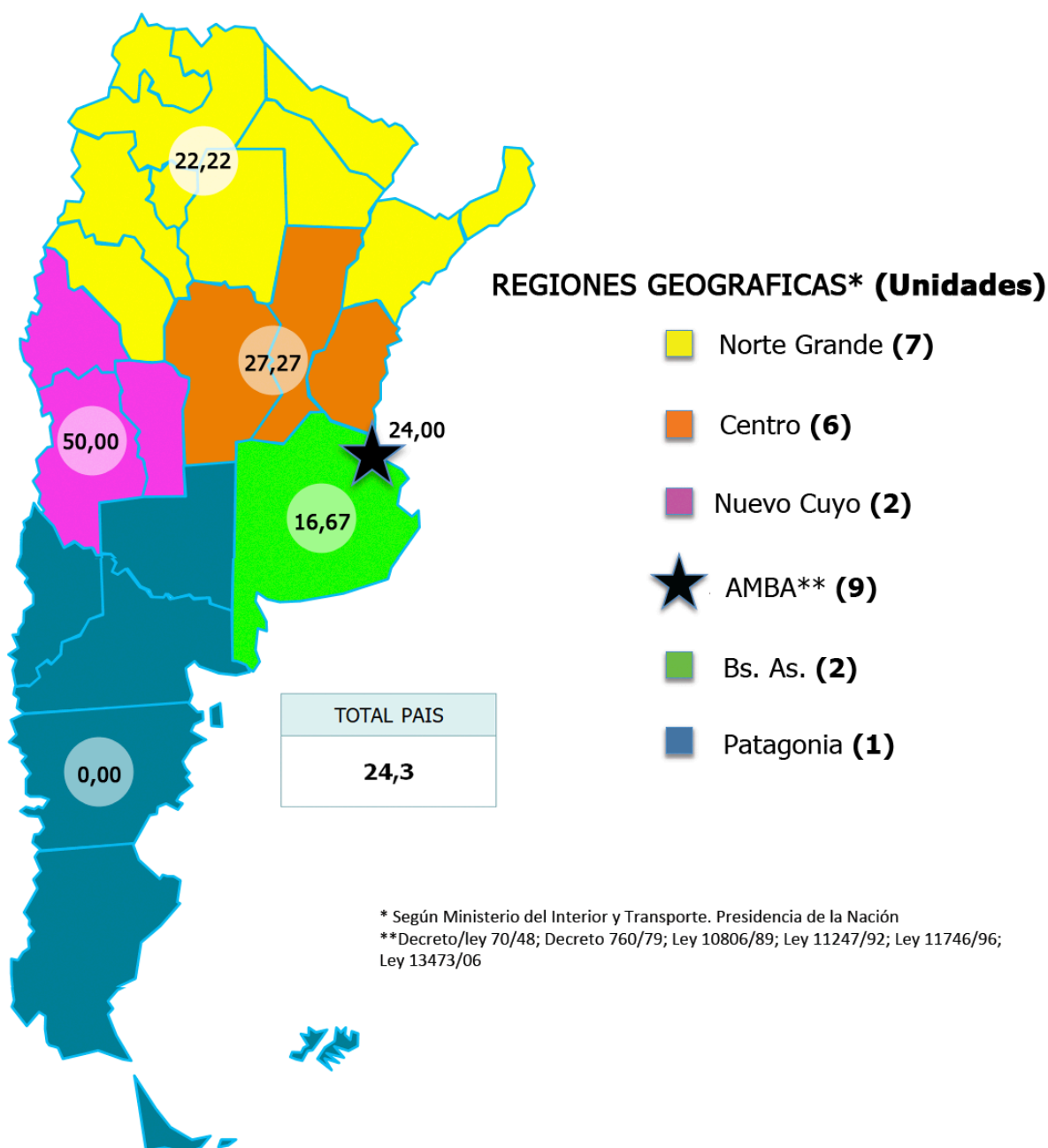


Tabla 2: **Distribución de episodios de IACS según sitio primario**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 27 UCIP

Sitio primario	N	%
Infección Primaria de la Sangre	5	27,78
Neumonía	4	22,22
Infección Sistémica	3	16,67
Infección de Piel y Partes Blandas	2	11,11
Infección del Sitio Quirúrgico	1	5,56
Infección del Tracto Respiratorio Inferior	1	5,56
Infección del Tracto Urinario	1	5,56
Infección Gastrointestinal	1	5,56
TOTAL	18	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 3: **Número de procedimientos y tasa de prevalencia de IACS asociada a factor de riesgo exógeno**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 27 UCIP

Factor de riesgo exógeno	N de Pacientes	%	N de pacientes con IACS	Tasa de IACS
Asistencia Respiratoria Mecánica	34	21,94	2	5,88
Catéter Venoso Central	34	21,94	3	8,82
Catéter Venoso Periférico	34	21,94	2	5,88
Catéter Urinario	31	20,00	0	0,00
Exposición a fármacos	20	12,90	0	0,00
Derivación Ventricular	2	1,29	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 4: **Distribución de los pacientes según factor de riesgo endógeno**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 27 UCIP

Factor de riesgo endógeno	N de pacientes	%
Desnutrición	8	10,81
Prematurez	8	10,81
Colonización por MMR	7	9,46
Coma	7	9,46
Inmunodeficiencia	4	5,41
Úlcera por decúbito	4	5,41
ACV	3	4,05
EPOC	3	4,05
Insuficiencia renal	2	2,70
Neoplasia	2	2,70
Obesidad	2	2,70
Insuficiencia hepática	1	1,35

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Unidades de Cuidados Intensivos Neonatales *(66 unidades)*

Tabla 1: **Tasa de Prevalencia de IACS**
Consolidado Argentina | Áreas críticas | 66 UCN

N de pacientes	N de pacientes con IACS	Tasa de IACS
688	84	12,20

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

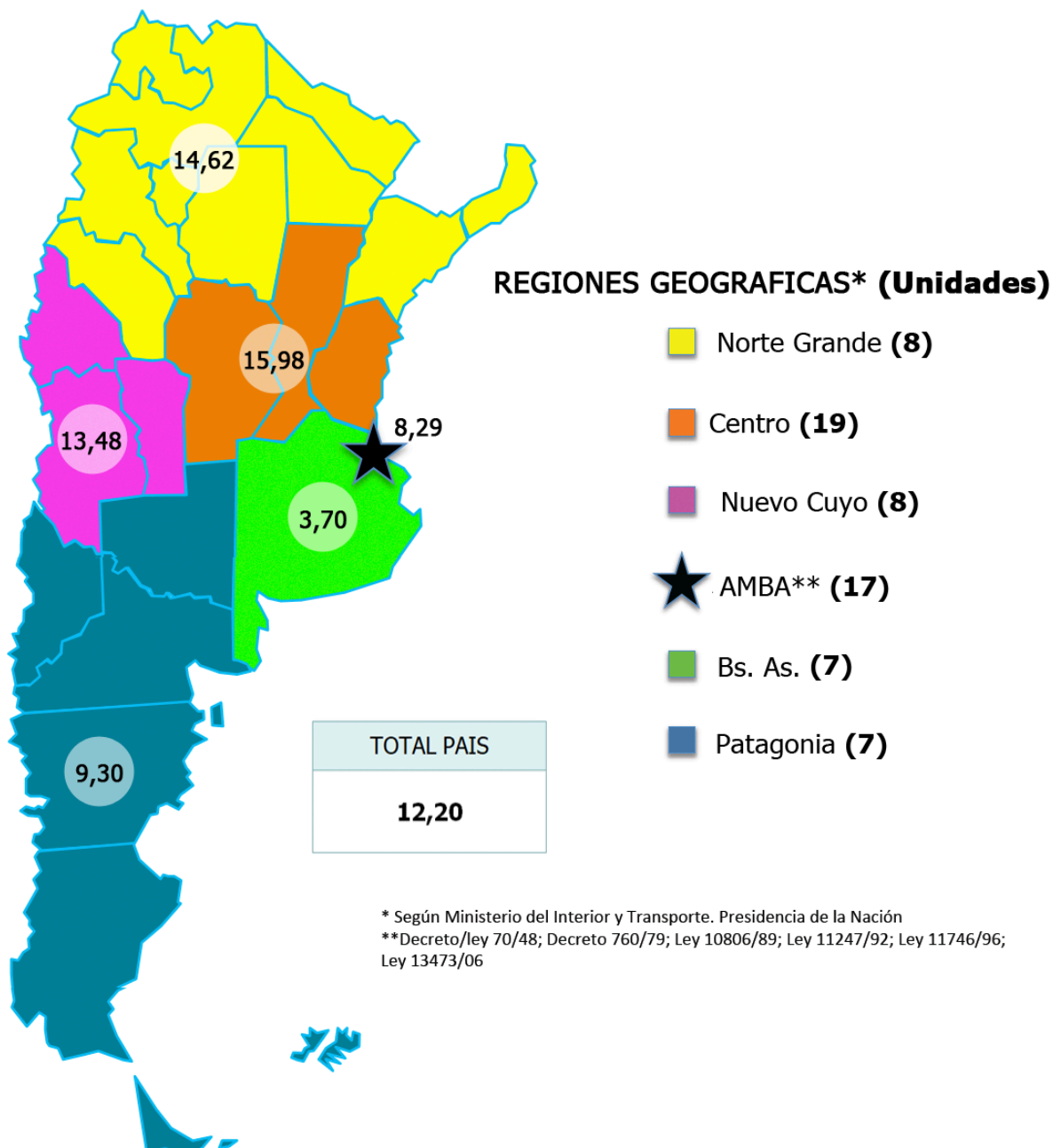




Tabla 2: **Distribución de episodios de IACS según sitio primario**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 66 UCN

Sitio primario	N	%
Infección Primaria de la Sangre	29	34,52
Infección Sistémica	25	29,76
Infección del Tracto Urinario	10	11,90
Neumonía	8	9,52
Infección de Piel y Partes Blandas	5	5,95
Infección del Tracto Respiratorio Inferior	3	3,57
Infección del Sistema Cardiovascular	1	1,19
Infección del Sitio Quirúrgico	1	1,19
Infección Gastrointestinal	1	1,19
Infección Ocular, Garganta, Naríz, Oído y Boca	1	1,19
TOTAL	84	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP



Tabla 3: **Número de Procedimientos y Tasa de Prevalencia de IACS asociada a Factor de Riesgo Exógeno**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 66 UCN

Factor de riesgo exógeno	N de Pacientes	%	N de pacientes con IACS	Tasa de IACS
Catéter Venoso Periférico	256	37,21	9	3,52
Catéter Venoso Central	160	23,26	14	8,75
Asistencia Respiratoria Mecánica	127	18,46	5	3,94
Exposición a fármacos	85	12,35	0	0,00
Catéter Urinario	60	8,72	3	5,00
Catéter Umbilical	41	5,96	7	17,07
Catéter de PIC	30	4,36	0	0,00
Derivación Ventricular	3	0,44	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 4: **Distribución de los pacientes según factor de riesgo endógeno**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 66 UCN

Factor de riesgo endógeno	N de pacientes	%
Prematurez	404	58,72
Bajo peso / edad Gestacional	153	22,24
Desnutrición	21	3,05
Colonización por MMR	15	2,18
Inmunodeficiencia	6	0,87
Insuficiencia hepática	5	0,73
Insuficiencia renal	5	0,73
Coma	5	0,73
Diabetes	5	0,73
Úlcera por decúbito	3	0,44

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Datos Microbiológicos

Áreas Críticas

Consolidado Nacional

Áreas Críticas

(122 instituciones – 216 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**
Consolidado Argentina | Áreas críticas | 122 instituciones | 216 unidades

Microorganismo	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	41	15,47
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	37	13,96
AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	31	11,70
PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	30	11,32
SCN – <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	26	9,81
ECO - <i>Escherichia coli</i>	24	9,06
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	9	3,40
CAN - <i>Candida</i> sp.	7	2,64
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	7	2,64
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	7	2,64
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	6	2,26
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	6	2,26
CAL - <i>Candida albicans</i>	4	1,51
ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	3	1,13
KL- - <i>Klebsiella</i> sp.	3	1,13
PRV - <i>Providencia</i> sp.	3	1,13
PS- - <i>Pseudomonas</i> sp.	3	1,13
EN- - <i>Enterobacter</i> sp.	3	1,13
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	2	0,75
PCE - Complejo <i>Burkholderia cepacia</i>	2	0,75
SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	2	0,75
BCA - <i>Moraxella catarrhalis</i>	1	0,38
CI- - <i>Citrobacter</i> sp.	1	0,38
EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i>	1	0,38
HXT - <i>Haemophilus influenzae</i> no tipable	1	0,38
MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	0,38
PR- - <i>Proteus</i> sp.	1	0,38
PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	1	0,38
RHD - <i>Rhodococcus</i> sp.	1	0,38
SGC - <i>Streptococcus agalactiae</i>	1	0,38
TOTAL	265	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - Acinetobacter sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. (6) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (24) + AJU - *Acinetobacter junii* (1)
- **SCN - Staphylococcus coagulasa negativo** = SCN - *Staphylococcus coagulasa* negativo (11) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (8) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (6) + SHO - *Staphylococcus hominis* (1)
- **CAN - Candida sp.** = CAN - *Candida* sp. (2) + CPA - *Candida parapsilosis* (2) + CTR - *Candida tropicalis* (1) + CGL - *Candida glabrata* (2)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 122 instituciones | 216 unidades

Sitio primario	Microorganismo	N	%
IGI - Infección Gastrointestinal	ECO - <i>Escherichia coli</i>	2	40,00
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	20,00
	EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	1	20,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	20,00
IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	2	33,33
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	16,67
	CAN - <i>Candida</i> sp.	1	16,67
	SCN - <i>Staphylococcus coagulasa</i> negativo	1	16,67
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	16,67
IPS - Infección Primaria de la Sangre	SCN - <i>Staphylococcus coagulasa</i> negativo	18	27,27
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	15	22,73
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	8	12,12
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	5	7,58
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	4	6,06
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	3	4,55
	CAN - <i>Candida</i> sp.	2	3,03
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	1,52
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	1,52
	EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	1	1,52
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	1,52
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	1,52
	CAL - <i>Candida albicans</i>	1	1,52
	EN- - <i>Enterobacter</i> sp.	1	1,52
	BCA - <i>Moraxella catarrhalis</i>	1	1,52
	PRV - <i>Providencia</i> sp.	1	1,52
RHD - <i>Rhodococcus</i> sp.	1	1,52	
SGC - <i>Streptococcus agalactiae</i>	1	1,52	
ISCV - Infección del Sistema Cardiovascular	SCN - <i>Staphylococcus coagulasa</i> negativo	1	100,00
ISNC - Sistema Nervioso Central	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	2	50,00
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	25,00

	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	25,00
ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico	SCN - <i>Staphylococcus coagulasa</i> negativo	2	9,52
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	2	9,52
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	2	9,52
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	2	9,52
	ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	2	9,52
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	2	9,52
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	4,76
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	4,76
	PS- - <i>Pseudomonas</i> sp.	1	4,76
	PCE - Complejo <i>Burkholderia cepacia</i>	1	4,76
	EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i>	1	4,76
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	4,76
	MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	4,76
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	4,76
	SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	1	4,76
ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	3	25,00
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	2	16,67
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	2	16,67
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	2	16,67
	KL- - <i>Klebsiella</i> sp.	1	8,33
	PS- - <i>Pseudomonas</i> sp.	1	8,33
	BCA - <i>Moraxella catarrhalis</i>	1	8,33
ISIS - Infección Sistémica	SCN - <i>Staphylococcus coagulasa</i> negativo	3	30,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	2	20,00
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	10,00
	CAL - <i>Candida albicans</i>	1	10,00
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	10,00
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	10,00
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	10,00
ITU - Infección del Tracto Urinario	ECO - <i>Escherichia coli</i>	9	21,43
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	8	19,05
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	8	19,05
	CAN - <i>Candida</i> sp.	3	7,14
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	3	7,14
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	2	4,76
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	2	4,76
	CAL - <i>Candida albicans</i>	2	4,76
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	2,38
	ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	1	2,38
	KL- - <i>Klebsiella</i> sp.	1	2,38
	PRV - <i>Providencia</i> sp.	1	2,38

	PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	1	2,38
NEU - Neumonía	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	20	20,41
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	18	18,37
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	16	16,33
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	16	16,33
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	5	5,10
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	5	5,10
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	3	3,06
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	3	3,06
	EN- - <i>Enterobacter</i> sp.	2	2,04
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	2	2,04
	CAN - <i>Candida</i> sp.	1	1,02
	CI- - <i>Citrobacter</i> sp.	1	1,02
	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	1	1,02
	HXT - <i>Haemophilus influenzae</i> no tipable	1	1,02
	KL- - <i>Klebsiella</i> sp.	1	1,02
	PRV - <i>Providencia</i> sp.	1	1,02
PR- - <i>Proteus</i> sp.	1	1,02	
PS- - <i>Pseudomonas</i> sp.	1	1,02	

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*
- **SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo** = SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus* coagulasa negativo**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 122 instituciones | 216 unidades

Microorganismo	Meticilino resistente			Meticilino sensible	
	N	N	%	N	%
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	37	23	62,16	14	37,84
SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	26	21	80,77	5	19,23

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo** = SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus* sp**
Consolidado Argentina | Áreas críticas | 122 instituciones | 216 unidades

Microorganismo	Resistente a vancomicina			Sensible a vancomicina	
	N	N	%	N	%
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	7	1	14,29	6	85,71
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	2	1	50,00	1	50,00
ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	3	1	33,33	2	66,67

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**
Consolidado Argentina | Áreas críticas | 122 instituciones | 216 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	41	6	14,63
ECO - <i>Escherichia coli</i>	24	0	0,00
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	9	2	22,22
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	7	0	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	6	1	16,67
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	6	0	0,00
KL- - <i>Klebsiella</i> sp.	3	1	33,33
PRV - <i>Providencia</i> sp.	3	1	33,33
EN- - <i>Enterobacter</i> sp.	3	1	33,33
EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i>	1	0	0,00
PR- - <i>Proteus</i> sp.	1	0	0,00
MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	0	0,00
PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	1	0	0,00
CI- - <i>Citrobacter</i> sp.	1	0	0,00
TOTAL	107	12	11,21

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 122 instituciones | 216 unidades

Microorganismo	BLEE			SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
	N	N	%	N	%	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	41	24	58,54	5	8,54	0	0
ECO - <i>Escherichia coli</i>	24	7	29,17	0	0	0	0
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	9	3	33,33	1	3	1	33,33
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	7	3	42,86	0	0	0	0
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	6	3	50	1	2	0	0
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	6	0	0	0	0	0	0
KL- - <i>Klebsiella sp.</i>	3	1	33,33	1	3	0	0
PRV - <i>Providencia sp.</i>	3	2	66,67	0	0	1	0
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	3	1	33,33	1	3	0	0
EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i>	1	0	0	0	0	0	0
PR- - <i>Proteus sp.</i>	1	0	0	0	0	0	0
MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	0	0	0	0	0	0
PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	1	0	0	0	0	0	0
CI- - <i>Citrobacter sp.</i>	1	0	0	0	0	0	0
TOTAL	107	44	41,12	9	8,41	2	1,87

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 122 instituciones | 216 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	30	8	26,67
PS- – <i>Pseudomonas sp.</i>	3	2	66,67
AC- – <i>Acinetobacter sp.</i>	31	28	90,32
TOTAL	64	38	59,38

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 122 instituciones | 216 unidades

Microorganismo	BLEE			SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
	N	N	%	N	%	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	30	5	14,29	4	13,33	0	0,00
PS- – <i>Pseudomonas sp.</i>	3	1	33,33	1	33,33	0	0,00
AC- – <i>Acinetobacter sp.</i>	31	4	12,90	1	3,23	0	0,00
TOTAL	64	10	15,63	6	9,38	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*

Tabla 9: **Antimicrobianos más utilizados en tratamientos empíricos**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 122 instituciones | 216 unidades

Antibiótico	N	%
Vancomicina	101	25,00
Piperacilina/Tazobactam	60	14,85
Meropenem	59	14,60
Ampicilina	19	4,70
Colistín	19	4,70
Gentamicina	19	4,70
Amicacina	18	4,46
Imipenem	18	4,46
Ceftazidima	10	2,48
Metronidazol	10	2,48
Ampicilina/Sulbactam	8	1,98
Ceftriaxona	8	1,98
Claritromicina	7	1,73
Fluconazol	7	1,73
Anfotericina Desoxicolato	5	1,24
Ciprofloxacina	5	1,24
Cefotaxima	4	0,99
Trimetoprima/Sulfametoxazol	4	0,99
Clindamicina	3	0,74
Linezolid	3	0,74
Amoxicilina/Sulbactam	2	0,50
Anfotericina liposomal	2	0,50
Cefepime	2	0,50
Levofloxacina	2	0,50
Penicilina G	2	0,50
Acido fusídico	1	0,25
Etambutol	1	0,25
Isoniazid	1	0,25
Oseltamivir	1	0,25
Pirazinamida	1	0,25
Rifampicina	1	0,25
Tigeciclina	1	0,25
TOTAL	404	100,00

Tabla 10: **Antimicrobianos más utilizados en tratamientos dirigidos**

Consolidado Argentina | Áreas críticas | 122 instituciones | 216 unidades

Antibiótico	N	%
Vancomicina	79	18,46
Meropenem	62	14,49
Colistín	55	12,85
Piperacilina/Tazobactam	40	9,35
Imipenem	32	7,48
Amicacina	24	5,61
Ciprofloxacina	15	3,50
Fluconazol	15	3,50
Ampicilina/Sulbactam	10	2,34
Anfotericina Desoxicolato	9	2,10
Tigeciclina	8	1,87
Trimetoprima/Sulfametoxazol	7	1,64
Amoxicilina/Sulbactam	6	1,40
Clindamicina	6	1,40
Metronidazol	6	1,40
Rifampicina	6	1,40
Ceftazidima	5	1,17
Linezolid	5	1,17
Ampicilina	4	0,93
Anfotericina liposomal	4	0,93
Levofloxacina	4	0,93
Cefalotina	3	0,70
Ceftriaxona	3	0,70
Claritromicina	3	0,70
Cefepime	2	0,47
Fosfomicina	2	0,47
Teicoplanina	2	0,47
Voriconazol	2	0,47
Anfotericina formulación lipídica	1	0,23
Anidulafungina	1	0,23
Cefalexina	1	0,23
Cefazolina	1	0,23
Cefotaxima	1	0,23
Gentamicina	1	0,23
Mupirocina	1	0,23
Penicilina G	1	0,23
Tobramicina	1	0,23
TOTAL	428	100,00

Consolidado Regional

AMBA

Áreas Críticas

(37 instituciones – 70 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Región AMBA | Áreas críticas | 37 instituciones | 70 unidades

Microorganismo	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	14	14,74
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	12	12,63
PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	12	12,63
AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	10	10,53
ECO - <i>Escherichia coli</i>	10	10,53
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	8	8,42
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	4	4,21
CAN - <i>Candida</i> sp.	4	4,21
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	3	3,16
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	3	3,16
PRV - <i>Providencia</i> sp.	3	3,16
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	2	2,11
ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	2	2,11
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	2	2,11
CAL - <i>Candida albicans</i>	1	1,05
EN- - <i>Enterobacter</i> sp.	1	1,05
SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	1	1,05
MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	1,05
PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	1	1,05
RHD - <i>Rhodococcus</i> sp.	1	1,05
TOTAL	95	100

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. (2) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (8) - + AJU - *Acinetobacter junii* (0)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* (3) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (2) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (3) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0)
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. (0) + CPA - *Candida parapsilosis* (1) + CTR - *Candida tropicalis* (1) + CGL - *Candida glabrata* (2)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región AMBA | Áreas críticas | 37 instituciones | 70 unidades

Sitio primario	Microorganismo	N	%
IGI - Infección Gastrointestinal	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	33,33
	EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	1	33,33
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	33,33
IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	2	50,00
	CAN - <i>Candida</i> sp.	1	25,00
	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	1	25,00
IPS - Infección Primaria de la Sangre	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	6	24,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	6	24,00
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	4	16,00
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	2	8,00
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	4,00
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	4,00
	EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	1	4,00
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	4,00
	CAL - <i>Candida albicans</i>	1	4,00
	EN- - <i>Enterobacter</i> sp.	1	4,00
	PRV - <i>Providencia</i> sp.	1	4,00
	RHD - <i>Rhodococcus</i> sp.	1	4,00
ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	16,67
	ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	1	16,67
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	16,67
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	16,67
	MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	16,67
	SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	1	16,67
ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	3	42,86
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	2	28,57
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	14,29
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	14,29
ISIS - Infección Sistémica	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	1	100,00
ITU - Infección del Tracto Urinario	ECO - <i>Escherichia coli</i>	7	31,81
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	4	18,18
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	3	13,64
	CAN - <i>Candida</i> sp.	2	9,09
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	4,55
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	4,55
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	4,55
	ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	1	4,55
PRV - <i>Providencia</i> sp.	1	4,55	

	PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	1	4,55
NEU - Neumonía	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	6	22,22
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	6	22,22
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	4	14,81
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	4	14,81
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	2	7,40
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	2	7,40
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	3,70
	CAN - <i>Candida</i> sp.	1	3,70
	PRV - <i>Providencia</i> sp.	1	3,70

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del Comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*
- **SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región AMBA | Áreas críticas | 37 instituciones | 70 unidades

Microorganismo	Meticilino resistente			Meticilino sensible	
	N	N	%	N	%
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	12	10	83,33	2	16,67
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	8	6	75,00	2	25,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus* sp**

Región AMBA | Áreas críticas | 37 instituciones | 70 unidades

Microorganismo	Resistente a vancomicina			Sensible a vancomicina	
	N	N	%	N	%
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	3	0	0,00	3	100,00
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	2	1	50,00	1	50,00
ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	2	1	50,00	1	50,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**

Región AMBA | Áreas críticas | 37 instituciones | 70 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	14	5	35,71
ECO - <i>Escherichia coli</i>	10	0	0,00
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	4	1	25,00
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	3	0	0,00
PRV - <i>Providencia</i> sp.	3	1	33,33
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	2	0	0,00
EN- - <i>Enterobacter</i> sp.	1	0	0,00
MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	0	0,00
PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	1	0	0,00
TOTAL	39	7	17,95

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región AMBA | Áreas críticas | 37 instituciones | 70 unidades

Microorganismo	N	BLEE		SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
		N	%	N	%	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	14	11	78,57	4	28,57	0	0,00
ECO - <i>Escherichia coli</i>	10	3	30,00	0	0,00	0	0,00
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	4	0	0,00	0	0,00	1	25,00
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	3	1	33,33	0	0,00	0	0,00
PRV - <i>Providencia sp.</i>	3	2	66,67	0	0,00	1	33,33
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	2	0	0,00	0	0,00	0	0,00
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	1	100,00	0	0,00	0	0,00
MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	39	18	46,15	4	10,26	2	5,13

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región AMBA | Áreas críticas | 37 instituciones | 70 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	12	3	25,00
AC- – <i>Acinetobacter sp.</i>	10	8	80,00
TOTAL	22	11	50,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región AMBA | Áreas críticas | 37 instituciones | 70 unidades

Microorganismo	BLEE		SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
	N	%	N	%	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	12	8,33	2	16,67	0	0,00
AC- – <i>Acinetobacter</i> sp.	10	20,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	22	13,64	2	9,09	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*

Consolidado Regional

CENTRO

Áreas Críticas

(28 instituciones – 49 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Región CENTRO | Áreas críticas | 28 instituciones | 49 unidades

Microorganismo	N	%
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	10	21,74
PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	8	17,39
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	6	13,04
ECO - <i>Escherichia coli</i>	6	13,04
AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	3	6,52
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	3	6,52
SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	2	4,35
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	2	4,35
CAL - <i>Candida albicans</i>	2	4,35
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	2,17
CAN - <i>Candida</i> sp.	1	2,17
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	2,17
EN- - <i>Enterobacter</i> sp.	1	2,17
TOTAL	46	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. (1) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (1) + AJU - *Acinetobacter junii* (0)
- **SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo** = SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo (0) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (2) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (0) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0)
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. (1) + CPA - *Candida parapsilosis* (0) + CTR - *Candida tropicalis* (0) + CGL - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región CENTRO | Áreas críticas | 28 instituciones | 49 unidades

Sitio primario	Microorganismo	N	%
IGI - Infección Gastrointestinal	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	50,00
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	50,00
IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	100,00
IPS - Infección Primaria de la Sangre	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	6	42,86
	SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	2	14,29
	AC- - <i>Acinetobacter sp.</i>	2	14,29
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	7,14
	CAN - <i>Candida sp.</i>	1	7,14
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	7,14
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	7,14
ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	50,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	50,00
ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	100,00
ISIS - Infección Sistémica	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	25,00
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	25,00
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	25,00
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	25,00
ITU - Infección del Tracto Urinario	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	3	30,00
	CAL - <i>Candida albicans</i>	2	20,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	2	20,00
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	10,00
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	10,00
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	10,00
NEU - Neumonía	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	4	33,33
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	3	25,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	2	16,67
	AC- - <i>Acinetobacter sp.</i>	1	8,33
	EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	8,33
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	8,33

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*
- **SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis*
- **CAN - *Candida sp.*** = CAN - *Candida sp.* + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región CENTRO | Áreas críticas | 28 instituciones | 49 unidades

Microorganismo	Meticilino resistente			Meticilino sensible	
	N	N	%	N	%
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	10	4	40,00	6	60,00
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	2	0	0,00	2	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus sp.***

Región CENTRO | Áreas críticas | 28 instituciones | 49 unidades

Microorganismo	Resistente a vancomicina			Sensible a vancomicina	
	N	N	%	N	%
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	2	0	0,00	2	100,00
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	0	-	-	-	-

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**

Región CENTRO | Áreas críticas | 28 instituciones | 49 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	6	1	16,67
ECO - <i>Escherichia coli</i>	6	0	0,00
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	3	0	0,00
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	0	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	0	0,00
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	0	0,00
TOTAL	18	1	5,56

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región CENTRO | Áreas críticas | 28 instituciones | 49 unidades

Microorganismo	N	BLEE		SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
		N	%	N	%	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	6	3	50,00	1	16,67	0	0,00
ECO - <i>Escherichia coli</i>	6	2	33,33	0	0,00	0	0,00
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	3	0	0,00	0	0,00	0	0,00
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	18	5	27,78	1	5,56	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región CENTRO | Áreas críticas | 28 instituciones | 49 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	8	0	0,00
AC- – <i>Acinetobacter</i> sp.	3	2	66,67
TOTAL	11	2	18,18

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región CENTRO | Áreas críticas | 28 instituciones | 49 unidades

Microorganismo	N	BLEE		SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
		N	%	N	%	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	8	1	12,50	0	0,00	0	0,00
AC- – <i>Acinetobacter</i> sp.	3	1	33,33	0	0,00	0	0,00
TOTAL	11	2	18,18	0	0,00	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*

Consolidado Regional
NORTE GRANDE
Áreas Críticas
(17 instituciones – 34 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**
Región NORTE GRANDE | Áreas críticas | 17 instituciones | 34 unidades

Microorganismo	N	%
AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	11	16,42
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	9	13,43
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	8	11,94
SCN – <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	8	11,94
PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	5	7,46
ECO - <i>Escherichia coli</i>	4	5,97
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	3	4,48
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	3	4,48
KL- - <i>Klebsiella</i> sp.	3	4,48
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	2	2,99
CAN - <i>Candida</i> sp.	2	2,99
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	1,49
PS- - <i>Pseudomonas</i> sp.	1	1,49
EN- - <i>Enterobacter</i> sp.	1	1,49
BCA - <i>Moraxella catarrhalis</i>	1	1,49
CI- - <i>Citrobacter</i> sp.	1	1,49
EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i>	1	1,49
HXT - <i>Haemophilus influenzae</i> no tipable	1	1,49
PR- - <i>Proteus</i> sp.	1	1,49
SGC - <i>Streptococcus agalactiae</i>	1	1,49
TOTAL	67	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. (4) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (7) + AJU - *Acinetobacter junii* (0)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus* coagulasa negativo (3) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (2) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (2) + SHO - *Staphylococcus hominis* (1)
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. (1) + CPA - *Candida parapsilosis* (1) + CTR - *Candida tropicalis* (0) + CGL - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región NORTE GRANDE | Áreas críticas | 17 instituciones | 34 unidades

Sitio primario	Microorganismo	N	%
IPS - Infección Primaria de la Sangre	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	6	42,86
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	3	21,43
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	2	14,29
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	7,14
	CAN - <i>Candida</i> sp.	1	7,14
	SGC - <i>Streptococcus agalactiae</i>	1	7,14
ISCV - Infección del Sistema Cardiovascular	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	1	100,00
ISNC - Sistema Nervioso Central	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	100,00
ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	20,00
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	1	20,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	20,00
	EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i>	1	20,00
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	20,00
ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior	KL- - <i>Klebsiella</i> sp.	1	33,33
	PS- - <i>Pseudomonas</i> sp.	1	33,33
	BCA - <i>Moraxella catarrhalis</i>	1	33,33
ISIS - Infección Sistémica	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	1	100,00
ITU - Infección del Tracto Urinario	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	2	40,00
	CAN - <i>Candida</i> sp.	1	20,00
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	20,00
	KL- - <i>Klebsiella</i> sp.	1	20,00
NEU - Neumonía	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	10	27,03
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	5	13,51
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	5	13,51
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	4	10,81
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	3	8,11
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	2	5,41
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	2	5,41
	CI- - <i>Citrobacter</i> sp.	1	2,70
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	2,70
	ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	1	2,70
	HXT - <i>Haemophilus influenzae</i> no tipable	1	2,70
	KL- - <i>Klebsiella</i> sp.	1	2,70
	PR- - <i>Proteus</i> sp.	1	2,70

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región NORTE GRANDE | Áreas críticas | 17 instituciones | 34 unidades

Microorganismo	Meticilino resistente			Meticilino sensible	
	N	N	%	N	%
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	8	4	50,00	4	50,00
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	8	7	87,50	1	12,50

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus* sp.**

Región NORTE GRANDE | Áreas críticas | 17 instituciones | 34 unidades

Microorganismo	Resistente a vancomicina			Sensible a vancomicina	
	N	N	%	N	%
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	0	-	-	-	-
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	0	-	-	-	-

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**
Región NORTE GRANDE | Áreas críticas | 17 instituciones | 34 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	9	0	0,00
ECO - <i>Escherichia coli</i>	4	0	0,00
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	3	0	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	3	1	33,33
KL- - <i>Klebsiella sp.</i>	3	1	0,00
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	2	1	50,00
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	0	33,33
PRV - <i>Providencia sp.</i>	1	0	0,00
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	1	100
EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i>	1	0	0,00
CI- - <i>Citrobacter sp.</i>	1	0	0,00
TOTAL	29	4	13,79

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región NORTE GRANDE | Áreas críticas | 17 instituciones | 34 unidades

Microorganismo	BLEE			SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
	N	N	%	N	%	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	9	5	55,56	0	0,00	0	0,00
ECO - <i>Escherichia coli</i>	4	1	25,00	0	0,00	0	0,00
KL- - <i>Klebsiella sp.</i>	3	1	33,33	1	33,33	0	0,00
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	3	1	33,33	0	0,00	0	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	3	3	100,00	1	33,33	0	0,00
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	2	1	50,00	1	50,00	0	0,00
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
PRV - <i>Providencia sp.</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	0	0,00	1	100,00	0	0,00
EAE - <i>Enterobacter aerogenes</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
CI- - <i>Citrobacter sp.</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	29	12	41,38	4	13,79	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región NORTE GRANDE | Áreas críticas | 17 instituciones | 34 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)	
	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	5	80,00
AC- – <i>Acinetobacter</i> sp.	11	100,00
TOTAL	16	93,75

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región NORTE GRANDE | Áreas críticas | 17 instituciones | 34 unidades

Microorganismo	N	BLEE		SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
		N	%	N	%	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	5	2	40,00	2	40,00	0	0,00
AC- – <i>Acinetobacter</i> sp.	11	0	0,00	1	9,10	0	0,00
TOTAL	16	2	12,50	3	18,75	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*

Consolidado Regional
NUEVO CUYO
Áreas Críticas
(8 instituciones – 16 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Región NUEVO CUYO | Áreas críticas | 8 instituciones | 16 unidades

Microorganismo	N	%
SCN – <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	7	26,92
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	4	15,38
AC- - <i>Acinetobacter sp.</i>	4	15,38
PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	4	15,38
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	2	7,69
ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	3,85
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	3,85
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	3,85
CAL - <i>Candida albicans</i>	1	3,85
PCE - Complejo <i>Burkholderia cepacia</i>	1	3,85
TOTAL	26	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* (0) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (4) + AJU - *Acinetobacter junii* (0)
- **SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* (3) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (4) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (0) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0)
- **CAN - *Candida sp.*** = CAN - *Candida sp.* (0) + CPA - *Candida parapsilosis* (0) + CTR - *Candida tropicalis* (0) + CGL - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región NUEVO CUYO | Áreas críticas | 8 instituciones | 16 unidades

Sitio primario	Microorganismo	N	%
IPS - Infección Primaria de la Sangre	SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	4	57,14
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	14,29
	AC- - <i>Acinetobacter sp.</i>	1	14,29
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	14,29
ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico	SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	2	50,00
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	25,00
	PCE - Complejo <i>Burkholderia cepacia</i>	1	25,00
ISIS - Infección Sistémica	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	33,33
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	33,33
	CAL - <i>Candida albicans</i>	1	33,33
NEU - Neumonía	AC- - <i>Acinetobacter sp.</i>	3	25,00
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	3	25,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	2	16,67
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	8,33
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	8,33
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	8,33
	SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	1	8,33

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis*
- **CAN - *Candida sp.*** = CAN - *Candida sp.* + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región NUEVO CUYO | Áreas críticas | 8 instituciones | 16 unidades

Microorganismo	Meticilino resistente			Meticilino sensible	
	N	N	%	N	%
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	2	2	100,00	0	0,00
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	7	7	100,00	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus sp.***

Región NUEVO CUYO | Áreas críticas | 8 instituciones | 16 unidades

Microorganismo	Resistente a vancomicina			Sensible a vancomicina	
	N	N	%	N	%
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	0	-	0,00	-	0,00
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	0	-	0,00	-	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**

Región NUEVO CUYO | Áreas críticas | 8 instituciones | 16 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	4	0	0,00
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	0	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	0	0,00
ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	0	0,00
TOTAL	7	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región NUEVO CUYO | Áreas críticas | 8 instituciones | 16 unidades

Microorganismo	BLEE			SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
	N	N	%	N	%	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	4	1	25,00	0	0,00	0	0,00
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	1	100,00	0	0,00	0	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	7	2	28,57	0,00	0,00	0,00	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región NUEVO CUYO | Áreas críticas | 8 instituciones | 16 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	4	1	25,00
AC- – <i>Acinetobacter</i> sp.	4	4	100,00
TOTAL	8	5	62,50

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región NUEVO CUYO | Áreas críticas | 8 instituciones | 16 unidades

Microorganismo	BLEE			SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
	N	N	%	N	%	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	4	1	25,00	0	0,00	0	0,00
AC- – <i>Acinetobacter</i> sp.	4	1	25,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	8	2	25,00	0	0,00	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*

Consolidado Regional
BUENOS AIRES
Áreas Críticas
(17 instituciones – 25 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Región BUENOS AIRES | Áreas críticas | 17 instituciones | 25 unidades

Microorganismo	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	4	25
AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	3	18,75
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	2	12,5
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	2	12,5
ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	6,25
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	6,25
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	6,25
ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	1	6,25
PS- - <i>Pseudomonas</i> sp.	1	6,25
TOTAL	16	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* (0) sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* (2) + AJU - *Acinetobacter junii* (1)
- **SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* (0) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (0) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (0) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0)
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. (0) + CPA - *Candida parapsilosis* (0) + CTR - *Candida tropicalis* (0) + CGL - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región BUENOS AIRES | Áreas críticas | 17 instituciones | 25 unidades

Sitio primario	Microorganismo	N	%
IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	100,00
IPS - Infección Primaria de la Sangre	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	15	93,75
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	6,25
ISNC - Sistema Nervioso Central	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	50,00
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	50,00
ISQ – Infección del Sitio Quirúrgico	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	1	33,33
	ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	1	33,33
	PS- - <i>Pseudomonas</i> sp.	1	33,33
ITU - Infección del Tracto Urinario	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	100,00
NEU - Neumonía	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	2	28,57
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	2	28,57
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	2	28,57
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	14,29

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región BUENOS AIRES | Áreas críticas | 17 instituciones | 25 unidades

Microorganismo	Meticilino resistente			Meticilino sensible	
	N	N	%	N	%
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	2	1	50,00	1	50,00
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	0	-	-	0	-

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus* sp.**

Región BUENOS AIRES | Áreas críticas | 17 instituciones | 25 unidades

Microorganismo	Resistente a vancomicina			Sensible a vancomicina	
	N	N	%	N	%
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	1	100,00	0	0,00
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	0	-	-	0	-
ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	1	0	0,00	1	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**
Región BUENOS AIRES | Áreas críticas | 17 instituciones | 25 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)	
	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	4	0,00
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	2	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	0,00
ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	0,00
TOTAL	8	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**
Región BUENOS AIRES | Áreas críticas | 17 instituciones | 25 unidades

Microorganismo	N	BLEE		SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
		N	%	N	%	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	4	1	25,00	0	0,00	0	0,00
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	2	2	100,00	0	0,00	0	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	1	100,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	8	4	50,00	0	0,00	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región BUENOS AIRES | Áreas críticas | 17 instituciones | 25 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	0	0	0,00
AC- – <i>Acinetobacter</i> sp.	3	3	100,00
PS- – <i>Pseudomonas</i> sp.	1	1	100,00
TOTAL	4	4	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región BUENOS AIRES | Áreas críticas | 17 instituciones | 25 unidades

Microorganismo	N	BLEE		SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
		N	%	N	%	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	0	0	0,00	0	0,00	0	0,00
AC- – <i>Acinetobacter</i> sp.	3	0	0,00	0	0,00	0	0,00
PS- – <i>Pseudomonas</i> sp.	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	4	0	0,00	0	0,00	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*

Consolidado Regional PATAGONIA *Áreas Críticas* *(15 instituciones – 22 unidades)*

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Región PATAGONIA | Áreas críticas | 15 instituciones | 22 unidades

Microorganismo	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	4	26,67
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	3	20,00
ECO - <i>Escherichia coli</i>	2	13,33
PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	6,67
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	1	6,67
AC- - <i>Acinetobacter sp.</i>	1	6,67
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	6,67
PS- - <i>Pseudomonas sp.</i>	1	6,67
PCE - Complejo <i>Burkholderia cepacia</i>	1	6,67
TOTAL	15	100,00

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* (1) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (0) + AJU - *Acinetobacter junii* (0)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* (0) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (0) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (0) + SHO - *Staphylococcus hominis* (1)
- **CAN - *Candida sp.*** = CAN - *Candida sp.* (0) + CPA - *Candida parapsilosis* (0) + CTR - *Candida tropicalis* (0) + CGL - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región PATAGONIA | Áreas críticas | 15 instituciones | 22 unidades

Sitio primario	Microorganismo	N	%
IPS - Infección Primaria de la Sangre	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	25,00
	PCE - Complejo <i>Burkholderia cepacia</i>	1	25,00
	AC- - <i>Acinetobacter sp.</i>	1	25,00
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	25,00
ISNC - Sistema Nervioso Central	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	100,00
ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	100,00
ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	100,00
ISIS - Infección Sistémica	SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	1	100,00
ITU - Infección del Tracto Urinario	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	2	50,00
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	25,00
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	25,00
NEU - Neumonía	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	2	66,67
	PS- - <i>Pseudomonas sp.</i>	1	33,33

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - Acinetobacter sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*
- **SCN - Staphylococcus coagulasa negativo** = SCN - *Staphylococcus coagulasa* negativo + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis*
- **CAN - Candida sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región PATAGONIA | Áreas críticas | 15 instituciones | 22 unidades

Microorganismo	Meticilino resistente			Meticilino sensible	
	N	N	%	N	%
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	3	2	66,67	1	33,33
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa</i> negativo	1	1	100,00	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - Staphylococcus coagulasa negativo** = SCN - *Staphylococcus coagulasa* negativo + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus* sp.**

Región PATAGONIA | Áreas críticas | 15 instituciones | 22 unidades

Microorganismo	Resistente a vancomicina			Sensible a vancomicina	
	N	N	%	N	%
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	0	0,00	1	100,00
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	0	0	-	0	-

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**

Región PATAGONIA | Áreas críticas | 15 instituciones | 22 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)	
	N	%
ECO - <i>Escherichia coli</i>	4	0,00
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	2	0,00
TOTAL	6	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región PATAGONIA | Áreas críticas | 15 instituciones | 22 unidades

Microorganismo	N	BLEE		SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
		N	%	N	%	N	%
ECO - <i>Escherichia coli</i>	4	3	75,00	0	0,00	0	0,00
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	2	0	0,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	6	3	50,00	0	0,00	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región PATAGONIA | Áreas críticas | 15 instituciones | 22 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)	
	N	%
AC- – <i>Acinetobacter sp.</i>	1	100,00
PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	0,00
PS- - <i>Pseudomonas sp.</i>	1	100,00
TOTAL	3	66,67

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región PATAGONIA | Áreas críticas | 15 instituciones | 22 unidades

Microorganismo	BLEE			SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
	N	N	%	N	%	N	%
AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
PS- - <i>Pseudomonas</i> sp.	1	1	100,00	1	100,00	0	0,00
TOTAL	3	1	33,33	1	33,33	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii* + AJU - *Acinetobacter junii*

Áreas No Críticas

(153 instituciones – 615 unidades)

Pacientes Adultos

Áreas No Críticas

Tabla 1: **Tasa de prevalencia de IACS**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 516 unidades | Pacientes adultos

N de pacientes	N de pacientes con IACS	Tasa de IACS
5490	593	10,80

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

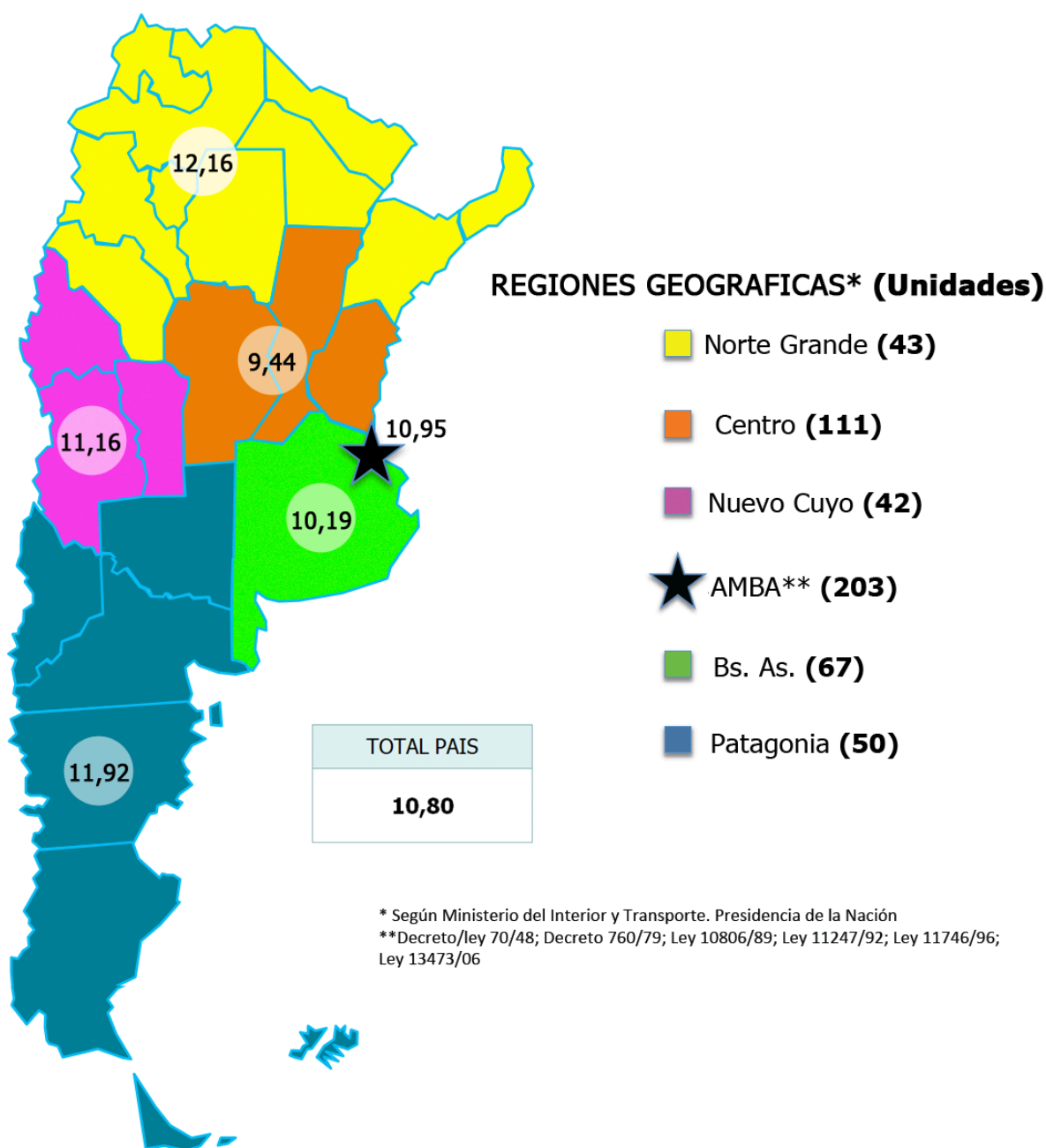


Tabla 2: **Distribución de episodios de IACS según sitio primario**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 516 unidades | Pacientes adultos

Sitio primario	N	%
Infección del Tracto Urinario	136	22,93
Infección del Sitio Quirúrgico	106	17,88
Neumonía	98	16,53
Infección de Piel y Partes Blandas	59	9,95
Infección Primaria de la Sangre	57	9,61
Infección Osteoarticular	42	7,08
Infección Gastrointestinal	35	5,90
Infección Sistémica	22	3,71
Infección del Tracto Respiratorio Inferior	20	3,37
Infección del Sistema Cardiovascular	10	1,69
Infección Ocular, Garganta, Naríz, Oído y Boca	3	0,51
Sistema Nervioso Central	3	0,51
Infección del Aparato Reproductor	2	0,34
TOTAL	593	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 3: **Número de procedimientos y tasa de prevalencia de IACS asociada a factor de riesgo exógeno**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 516 unidades | Pacientes adultos

Factor de riesgo exógeno	N de Pacientes	%	N de pacientes con IACS	Tasa de IACS
Catéter Venoso Periférico	3797	69,16	6	0,16
Exposición a fármacos	1353	24,64	8	0,59
Catéter Urinario	1231	22,42	101	8,20
Catéter Venoso Central	638	11,62	45	7,05
Asistencia Respiratoria Mecánica	124	2,26	26	20,97
Derivación Ventricular	26	0,47	0	0,00
Catéter de PIC	14	0,26	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 4: **Distribución de los pacientes según factor de riesgo endógeno**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 516 unidades | Pacientes adultos

Factor de riesgo endógeno	N de pacientes	%
Tabaquismo	1307	23,81
Diabetes	995	18,12
Neoplasia	705	12,84
Obesidad	502	9,14
Alcoholismo	479	8,72
Insuficiencia renal	471	8,58
ACV	427	7,78
EPOC	392	7,14
Inmunodeficiencia	329	5,99
Desnutrición	325	5,92
Úlcera por decúbito	281	5,12
Colonización por MMR	204	3,72
Insuficiencia hepática	181	3,30
Coma	55	1,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Pacientes Pediátricos

Áreas No Críticas

Tabla 1: **Tasa de prevalencia de IACS**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 149 unidades | Pacientes pediátricos

N de pacientes	N de pacientes con IACS	Tasa de IACS
975	70	7,18

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

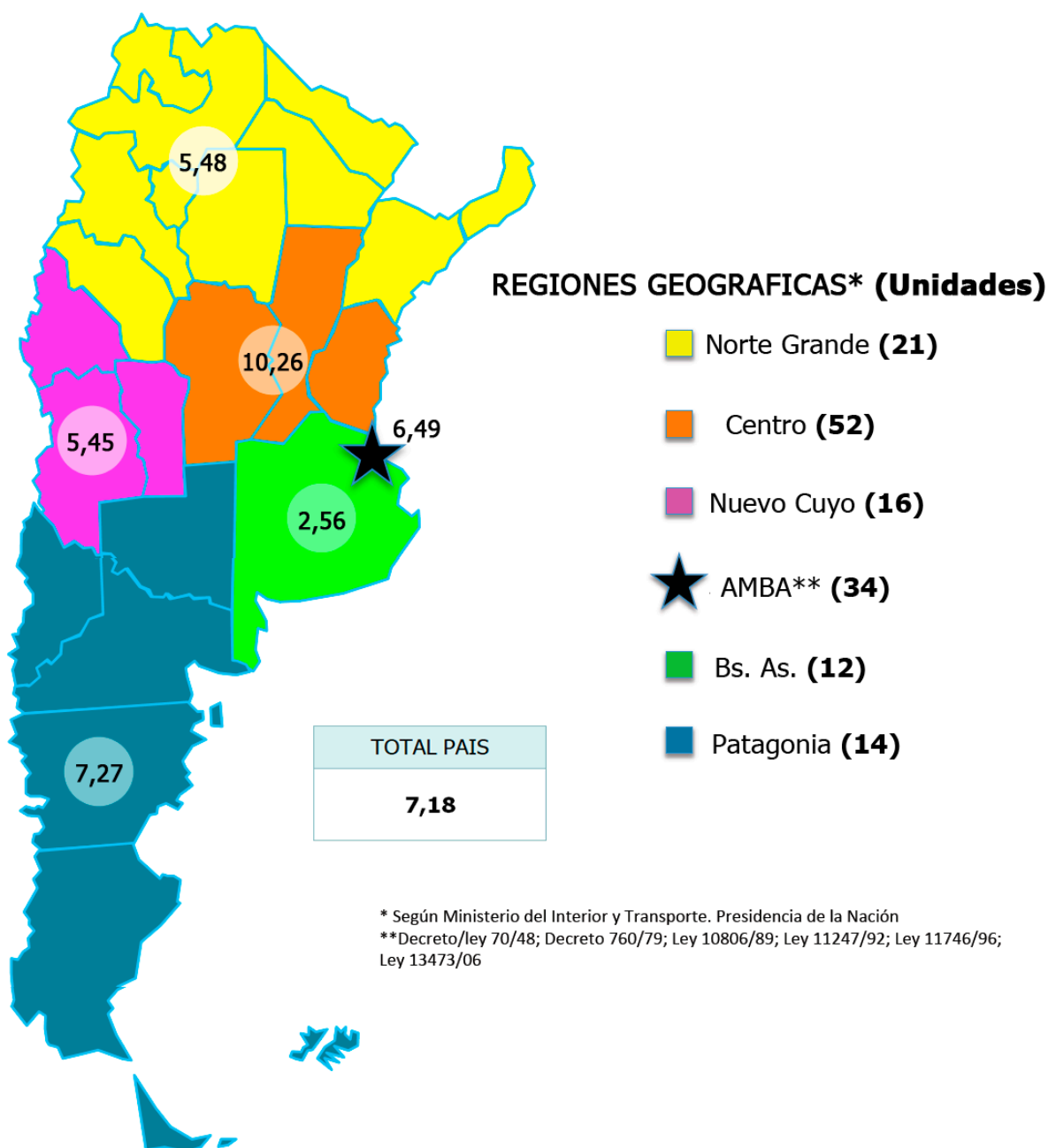


Tabla 2: **Distribución de episodios de IACS según sitio primario**
Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 149 unidades | Pacientes pediátricos

Sitio primario	N	%
Neumonía	26	37,14
Infección Primaria de la Sangre	9	12,86
Infección Gastrointestinal	7	10,00
Infección del Tracto Respiratorio Inferior	7	10,00
Infección de Piel y Partes Blandas	6	8,57
Infección del Tracto Urinario	5	7,14
Infección Osteoarticular	4	5,71
Infección del Sitio Quirúrgico	2	2,86
Sistema Nervioso Central	2	2,86
Neutropenia Febril	1	1,43
Infección Ocular, Garganta, Naríz, Oído y Boca	1	1,43
TOTAL	70	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 3: **Número de procedimientos y tasa de prevalencia de IACS asociada a factor de riesgo exógeno**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 149 unidades | Pacientes pediátricos

Factor de riesgo exógeno	N de Pacientes	%	N de pacientes con IACS	Tasa de IACS
Catéter Venoso Periférico	190	19,49	1	0,52
Exposición a fármacos	74	7,59	1	1,35
Catéter Venoso Central	23	2,36	4	17,39
Asistencia Respiratoria Mecánica	12	1,23	0	0,00
Catéter Urinario	10	1,03	0	0,00
Derivación Ventricular	6	0,62	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 4: **Distribución de los pacientes según factor de riesgo endógeno**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 149 unidades | Pacientes pediátricos

Factor de riesgo endógeno	N de pacientes	%
Prematurez	44	4,51
Desnutrición	33	3,38
Inmunodeficiencia	20	2,05
Bajo peso / edad Gestacional	18	1,85
Colonización por MMR	13	1,33
Neoplasia	3	0,31
Coma	2	0,21
Diabetes	2	0,21
EPOC	2	0,21
Obesidad	1	0,10
Insuficiencia renal	1	0,10
Úlcera por decúbito	1	0,10

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Datos Microbiológicos

Áreas No Críticas

Consolidado Nacional

Áreas No Críticas

(153 instituciones – 615 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 153 instituciones | 615 unidades

Microorganismo	N	%
ECO - <i>Escherichia coli</i>	82	17,23
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	81	17,02
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	73	15,34
PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	45	9,45
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	26	5,46
AC- - <i>Acinetobacter sp.</i>	23	4,83
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	22	4,62
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	15	3,15
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	15	3,15
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	11	2,31
CAN - <i>Candida sp.</i>	10	2,10
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	8	1,68
CAL - <i>Candida albicans</i>	7	1,47
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	6	1,26
SVI - <i>Streptococcus Grupo viridans</i>	6	1,26
ENT - <i>Enterococcus sp.</i>	5	1,05
CDF - <i>Clostridium difficile</i>	5	1,05
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	5	1,05
KL- - <i>Klebsiella sp.</i>	4	0,84
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	4	0,84
PS- - <i>Pseudomonas sp.</i>	3	0,63
PCE - Complejo <i>Burkholderia cepacia</i>	3	0,63
PRV - <i>Providencia sp.</i>	2	0,42
MMO - <i>Morganella morganii</i>	2	0,42
SGC - <i>Streptococcus agalactiae</i>	2	0,42
PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	2	0,42
SPN - <i>Streptococcus pneumoniae</i>	2	0,42
MOR - <i>Morganella sp.</i>	2	0,42
BCA - <i>Moraxella catarrhalis</i>	1	0,21
CI- - <i>Citrobacter sp.</i>	1	0,21
HXT - <i>Haemophilus influenzae</i> no tipable	1	0,21
ASP - <i>Aspergillus sp.</i>	1	0,21
PMA - <i>Stenotrophomonas maltophilia</i>	1	0,21
TOTAL	476	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - Acinetobacter sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. (5) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (18)
- **SCN - Staphylococcus coagulasa negativo** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* (10) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (10) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (2) + SHO - *Staphylococcus hominis* (3) + SLU - *Staphylococcus lugdunensis* (1)
- **CAN - Candida sp.** = CAN - *Candida* sp. (2) + CPA - *Candida parapsilosis* (5) + CTR - *Candida tropicalis* (2) + CGL - *Candida glabrata* (1)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 153 instituciones | 615 unidades

Sitio primario	Microorganismo	N	%
IGI - Infección Gastrointestinal	ECO - <i>Escherichia coli</i>	7	26,92
	CDF - <i>Clostridium difficile</i>	5	19,23
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	4	15,38
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	2	7,69
	CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	2	7,69
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	3,85
	EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	1	3,85
	ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	1	3,85
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	3,85
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	3,85
	PMA - <i>Stenotrophomonas maltophilia</i>	1	3,85
IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	7	24,14
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	4	13,79
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	2	6,90
	EFM- <i>Enterococcus faecium</i>	2	6,90
	EN- - <i>Enterobacter</i> sp.	2	6,90
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	2	6,90
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	2	6,90
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	1	3,45
	CAL - <i>Candida albicans</i>	1	3,45
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	3,45
	MOR - <i>Morganella</i> sp.	1	3,45
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	3,45
	PRV - <i>Providencia</i> sp.	1	3,45
	SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	1	3,45
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	3,45	
IPS - Infección Primaria de la Sangre	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	23	33,33
	SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	10	14,49
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	9	13,04
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	4	5,80
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	3	4,35

	PCE - Complejo <i>Burkholderia cepacia</i>	3	4,35
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	2	2,90
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	2	2,90
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	2	2,90
	CAL - <i>Candida albicans</i>	2	2,90
	SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	2	2,90
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	1	1,45
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	1,45
	CAN - <i>Candida</i> sp.	1	1,45
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	1,45
	ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	1	1,45
	MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	1,45
	PS- - <i>Pseudomonas</i> sp.	1	1,45
ISNC - Sistema Nervioso Central	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	50,00
	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	1	50,00
ISCV - Infección del Sistema Cardiovascular	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	5	62,50
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	12,50
	CAN - <i>Candida</i> sp.	1	12,50
	SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	1	12,50
ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	17	18,09
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	13	13,83
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	12	12,77
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	11	11,70
	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	6	6,38
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	5	5,32
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	5	5,32
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	5	5,32
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	4	4,26
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	3	3,19
	SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	3	3,19
	EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	3	3,19
	CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	2	2,13
	CAN - <i>Candida</i> sp.	1	1,06
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	1,06
	KL- - <i>Klebsiella</i> sp.	1	1,06
	MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	1,06
	EN- - <i>Enterobacter</i> sp.	1	1,06
ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	4	50,00
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	12,50
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	12,50
	PS- - <i>Pseudomonas</i> sp.	1	12,50
	BCA - <i>Moraxella catarrhalis</i>	1	12,50
ISIS - Infección Sistémica	ECO - <i>Escherichia coli</i>	3	42,86

	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	2	28,57
	CAN - <i>Candida</i> sp.	1	13,29
	SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	1	13,29
ITU - Infección del Tracto Urinario	ECO - <i>Escherichia coli</i>	54	37,24
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	34	23,45
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	11	7,59
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	9	6,21
	CAN - <i>Candida</i> sp.	6	4,14
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	4	2,76
	CAL - <i>Candida albicans</i>	3	2,07
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	3	2,07
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	2	1,38
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	2	1,38
	EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	2	1,38
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	2	1,38
	ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	2	1,38
	KL- - <i>Klebsiella</i> sp.	2	1,38
	PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	2	1,38
	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	1	0,69
	MOR - <i>Morganella</i> sp.	1	0,69
	CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	0,69
	EN- - <i>Enterobacter</i> sp.	1	0,69
	PRV - <i>Providencia</i> sp.	1	0,69
PS- - <i>Pseudomonas</i> sp.	1	0,69	
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	0,69	
NEU - Neumonía	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	9	26,47
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	9	26,47
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	7	20,59
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	3	8,82
	SPN - <i>Streptococcus pneumoniae</i>	2	5,88
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	2,94
	ASP - <i>Aspergillus</i> sp.	1	2,94
	HXT - <i>Haemophilus influenzae</i> no tipable	1	2,94
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	2,94
IORL - Infección Ocular, Garganta, Naríz, Oído y Boca	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	50,00
	CI- - <i>Citrobacter</i> sp.	1	50,00
IREPR - Infección del Aparato Reproductor	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	100,00
IOST - Infección Osteoarticular	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	19	38,00
	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	8	16,00
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	5	10,00

EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	4	8,00
KL- - <i>Klebsiella</i> sp.	4	8,00
AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	2	4,00
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	2	4,00
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	2	4,00
CAL - <i>Candida albicans</i>	1	2,00
ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	2,00
ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	1	2,00
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	2,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 153 instituciones | 615 unidades

Microorganismo	Meticilino resistente			Meticilino sensible	
	N	N	%	N	%
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	81	42	51,85	39	48,15
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	26	18	69,23	8	30,77

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus* sp**
Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 153 instituciones | 615 unidades

Microorganismo	Resistente a vancomicina			Sensible a vancomicina	
	N	N	%	N	%
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	15	1	6,67	14	93,33
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	8	8	100,00	0	0,00
ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	4	0	0,00	4	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**
Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 153 instituciones | 615 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
ECO - <i>Escherichia coli</i>	82	0	0,00
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	73	19	26,03
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	22	0	0,00
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	15	2	13,33
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	11	1	9,09
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	6	1	16,67
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	5	1	20,00
KL- - <i>Klebsiella</i> sp.	4	0	0,00
EN- - <i>Enterobacter</i> sp.	4	0	0,00
MMO - <i>Morganella morganii</i>	2	0	0,00
MOR - <i>Morganella</i> sp.	2	0	0,00
PRV - <i>Providencia</i> sp.	2	1	50,00
PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	2	0	0,00
CI- - <i>Citrobacter</i> sp.	1	0	0,00
TOTAL	231	25	10,82

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 153 instituciones | 615 unidades

Microorganismo	BLEE			SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
	N	N	%	N	%	N	%
ECO - <i>Escherichia coli</i>	82	30	36,59	0	0,00	0	0,00
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	73	45	61,64	15	20,55	3	4,11
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	22	6	27,27	0	0,00	0	0,00
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	15	9	60,00	0	0,00	0	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	11	5	45,45	1	9,09	0	0,00
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	6	2	33,33	1	16,67	0	0,00
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	5	3	60,00	0	0,00	1	20,00
KL- - <i>Klebsiella sp.</i>	4	1	25,00	0	0,00	0	0,00
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	4	3	75,00	0	0,00	0	0,00
MMO - <i>Morganella morganii</i>	2	0	0,00	0	0,00	0	0,00
MOR - <i>Morganella sp.</i>	2	1	50,00	0	0,00	0	0,00
PRV - <i>Providencia sp.</i>	2	2	100,00	0	0,00	1	50,00
PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	2	0	0,00	0	0,00	0	0,00
CI- - <i>Citrobacter sp.</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	231	107	46,32	17	7,36	5	2,16

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 153 instituciones | 615 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	45	15	33,33
PS- – <i>Pseudomonas sp.</i>	2	0	0,00
AC- – <i>Acinetobacter sp.</i>	23	20	86,96
TOTAL	70	35	50,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 153 instituciones | 615 unidades

Microorganismo	N	BLEE		SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
		N	%	N	%	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	45	2	4,44	1	2,22	4	8,89
PS- – <i>Pseudomonas sp.</i>	2	0	0,00	0	0,00	0	0,00
AC- – <i>Acinetobacter sp.</i>	23	0	0,00	1	4,34	1	4,34
TOTAL	70	2	2,86	2	2,86	5	7,14

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Tabla 9: **Antimicrobianos más utilizados en tratamientos empíricos**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 153 instituciones | 615 unidades

Antibiótico	N	%
Piperacilina/Tazobactam	195	24,44
Vancomicina	133	16,67
Ampicilina/Sulbactam	41	5,14
Ciprofloxacina	41	5,14
Meropenem	41	5,14
Ceftriaxona	38	4,76
Clindamicina	35	4,39
Metronidazol	33	4,14
Imipenem	32	4,01
Amicacina	22	2,76
Ceftazidima	18	2,26
Claritromicina	17	2,13
Fluconazol	16	2,01
Trimetoprima/Sulfametoxazol	16	2,01
Amoxicilina/Sulbactam	12	1,50
Cefalotina	9	1,13
Colistín	9	1,13
Levofloxacina	9	1,13
Cefepime	7	0,88
Amoxicilina/Ácido clavulánico	6	0,75
Gentamicina	6	0,75
Ampicilina	5	0,63
Anfotericina Desoxicolato	5	0,63
Anfotericina liposomal	5	0,63
Cefuroxima sódica	5	0,63
Linezolid	5	0,63
Cefalexina	4	0,50
Pirazinamida	4	0,50
Cefazolina	3	0,38
Isoniazid	3	0,38
Oseltamivir	3	0,38
Rifampicina	3	0,38
Amoxicilina	2	0,25
Tigeciclina	2	0,25
Voriconazol	2	0,25
Acyclovir	1	0,13
Anfotericina formulación lipídica	1	0,13
Azitromicina	1	0,13

Cefotaxima	1	0,13
Daptomicina	1	0,13
Doxiciclina	1	0,13
Ertapenem	1	0,13
Nitrofurantoina	1	0,13
Penicilina G	1	0,13
Posaconazol	1	0,13
Teicoplanina	1	0,13
TOTAL	798	100,00

Tabla 10: **Antimicrobianos más utilizados en tratamientos dirigidos**
Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 153 instituciones | 615 unidades

Antibiótico	N	%
Vancomicina	96	12,58
Imipenem	87	11,40
Piperacilina/Tazobactam	68	8,91
Colistín	50	6,55
Meropenem	48	6,29
Ciprofloxacina	38	4,98
Trimetoprima/Sulfametoxazol	37	4,85
Rifampicina	30	3,93
Amicacina	26	3,41
Ceftazidima	24	3,15
Ampicilina/Sulbactam	23	3,01
Fluconazol	18	2,36
Clindamicina	17	2,23
Metronidazol	17	2,23
Cefalotina	15	1,97
Ampicilina	14	1,83
Tigeciclina	14	1,83
Minociclina	13	1,70
Cefazolina	12	1,57
Ceftriaxona	12	1,57
Gentamicina	12	1,57
Linezolid	10	1,31
Amoxicilina/Ácido clavulánico	9	1,18
Cefepime	8	1,05
Fosfomicina	8	1,05
Amoxicilina/Sulbactam	6	0,79
Claritromicina	6	0,79
Levofloxacina	6	0,79
Cefalexina	4	0,52
Daptomicina	4	0,52
Nitrofurantoina	4	0,52
Amoxicilina	3	0,39
Ertapenem	3	0,39
Teicoplanina	3	0,39
Anfotericina Desoxicolato	2	0,26
Anfotericina liposomal	2	0,26
Anidulafungina	2	0,26
Caspofungina	2	0,26

Isoniazid	2	0,26
Cefixima	1	0,13
Cefotaxima	1	0,13
Doxiciclina	1	0,13
Eritromicina	1	0,13
Nistatina	1	0,13
Pirazinamida	1	0,13
Posaconazol	1	0,13
Tobramicina	1	0,13
TOTAL	763	100,00

Consolidado Regional
AMBA
Áreas No Críticas
(44 instituciones – 223 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Región AMBA | Áreas no críticas | 44 instituciones | 223 unidades

Microorganismo	N	%
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	35	17,95
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	31	15,90
ECO - <i>Escherichia coli</i>	30	15,38
PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	16	8,21
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	12	6,15
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	11	5,64
AC- - <i>Acinetobacter sp.</i>	7	3,59
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	6	3,08
CAN - <i>Candida sp.</i>	6	3,08
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	5	2,56
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	5	2,56
SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	5	2,56
CDF - <i>Clostridium difficile</i>	5	2,56
CAL - <i>Candida albicans</i>	4	2,05
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	3	1,54
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	3	1,54
ENT - <i>Enterococcus sp.</i>	2	1,03
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	0,51
KL- - <i>Klebsiella sp.</i>	1	0,51
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	0,51
PS- - <i>Pseudomonas sp.</i>	1	0,51
PRV - <i>Providencia sp.</i>	1	0,51
PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	1	0,51
SPN - <i>Streptococcus pneumoniae</i>	1	0,51
HXT - <i>Haemophilus influenzae</i> no tipable	1	0,51
MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	0,51
TOTAL	195	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* (1) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (6)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* (4) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (4) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (0) + SHO - *Staphylococcus hominis* (2) + SLU - *Staphylococcus lugdunensis* (1)
- **CAN - *Candida sp.*** = CAN - *Candida sp.* (0) + CPA - *Candida parapsilosis* (3) + CTR - *Candida tropicalis* (2) + CGL - *Candida glabrata* (1)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región AMBA | Áreas no críticas | 44 instituciones | 223 unidades

Sitio primario	Microorganismo	N	%
IGI - Infección Gastrointestinal	CDF - <i>Clostridium difficile</i>	5	55,56
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	11,10
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	1	11,10
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	11,10
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	11,10
IPS - Infección Primaria de la Sangre	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	11	29,73
	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	6	16,21
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	6	16,21
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	2	5,40
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	2	5,40
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	2	5,40
	SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	2	5,40
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	2,70
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	2,70
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	1	2,70
	CAN - <i>Candida</i> sp.	1	2,70
	ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	1	2,70
	PS- - <i>Pseudomonas</i> sp.	1	2,70
ISCV - Infección del Sistema Cardiovascular	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	3	75,00
	SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	1	25,00
ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	7	18,42
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	5	13,16
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	4	10,53
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	4	10,53
	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	3	7,89
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	3	7,89
	EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	3	7,89
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	2,63
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	2,63
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	1	2,63
	CAN - <i>Candida</i> sp.	1	2,63
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	2,63
	KL- - <i>Klebsiella</i> sp.	1	2,63
	MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	2,63
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	2,63
SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	1	2,63	
ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	50,00
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	50,00

ISIS - Infección Sistémica	ECO - <i>Escherichia coli</i>	2	40,00
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	2	40,00
	SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	1	20,00
ITU - Infección del Tracto Urinario	ECO - <i>Escherichia coli</i>	22	35,48
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	13	20,97
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	6	9,68
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	4	6,45
	CAN - <i>Candida</i> sp.	4	6,45
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	3	4,84
	CAL - <i>Candida albicans</i>	2	3,23
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	1,61
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	1,61
	EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	1	1,61
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	1,61
	ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	1	1,61
	PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	1	1,61
	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	1	1,61
	CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	1,61
NEU - Neumonía	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	4	40,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	2	20,00
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	1	10,00
	SPN - <i>Streptococcus pneumoniae</i>	1	10,00
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	10,00
	HXT - <i>Haemophilus influenzae</i> no tipable	1	10,00
IOST - Infección Osteoarticular	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	7	43,75
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	3	18,75
	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	1	6,25
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	6,25
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	6,25
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	1	6,25
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	6,25
CAL - <i>Candida albicans</i>	1	6,25	

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC-** - *Acinetobacter* sp. = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*
- **SCN** - *Staphylococcus coagulasa negativo* = SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*
- **CAN** - *Candida* sp. = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región AMBA | Áreas no críticas | 44 instituciones | 223 unidades

Microorganismo	Meticilino resistente			Meticilino sensible	
	N	N	%	N	%
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	35	21	60,00	14	40,00
SCN – <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	11	8	72,73	3	27,27

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus sp***

Región AMBA | Áreas no críticas | 44 instituciones | 223 unidades

Microorganismo	Resistente a vancomicina			Sensible a vancomicina	
	N	N	%	N	%
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	5	0	0,00	5	100,00
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	5	5	100,00	0	0,00
ENT – <i>Enterococcus sp.</i>	2	0	0,00	2	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**

Región AMBA | Áreas no críticas | 44 instituciones | 223 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	31	16	51,61
ECO - <i>Escherichia coli</i>	30	0	0,00
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	12	0	0,00
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	6	0	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	3	0	0,00
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	3	1	33,33
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	0	0,00
KL- - <i>Klebsiella sp.</i>	1	0	0,00
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	0	0,00
MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	0	0,00
PRV - <i>Providencia sp.</i>	1	1	100,00
PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	1	0	0,00
TOTAL	91	18	19,78

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región AMBA | Áreas no críticas | 44 instituciones | 223 unidades

Microorganismo	BLEE		SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
	N	%	N	%	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	31	61,29	12	38,71	3	9,68
ECO - <i>Escherichia coli</i>	30	33,33	0	0,00	0	0,00
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	12	50,00	0	0,00	0	0,00
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	6	66,67	0	0,00	0	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	3	0,00	0	0,00	0	0,00
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	3	33,33	1	33,33	0	0,00
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	100,00	0	0,00	0	0,00
KL- - <i>Klebsiella sp.</i>	1	100,00	0	0,00	0	0,00
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	100,00	0	0,00	0	0,00
MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	0,00	0	0,00	0	0,00
PRV - <i>Providencia sp.</i>	1	0,00	0	0,00	1	100,00
PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	1	0,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	91	47,25	13	14,29	4	4,40

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región AMBA | Áreas no críticas | 44 instituciones | 223 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)	
	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	4	25,00
PS- – <i>Pseudomonas sp.</i>	1	100,00
AC- – <i>Acinetobacter sp.</i>	5	71,43
TOTAL	10	41,67

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región AMBA | Áreas no críticas | 44 instituciones | 223 unidades

Microorganismo	BLEE			SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
	N	N	%	N	%	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	16	1	6,25	1	6,25	2	12,50
PS- – <i>Pseudomonas sp.</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
AC- – <i>Acinetobacter sp.</i>	7	0	0,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	24	1	4,17	1	4,17	2	8,33

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Consolidado Regional
CENTRO
Áreas No Críticas
(40 instituciones – 151 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Región CENTRO | Áreas no críticas | 40 instituciones | 151 unidades

Microorganismo	N	%
ECO - <i>Escherichia coli</i>	20	18,69
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	14	13,08
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	14	13,08
PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	12	11,21
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	7	6,54
AC- - <i>Acinetobacter sp.</i>	7	6,54
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	6	5,61
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	0,93
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	7	6,54
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	3	2,80
CAN - <i>Candida sp.</i>	1	0,93
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	3	2,80
CAL - <i>Candida albicans</i>	2	1,87
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	0,93
ENT - <i>Enterococcus sp.</i>	1	0,93
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	0,93
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	0,93
PS- - <i>Pseudomonas sp.</i>	1	0,93
PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	1	0,93
MOR - <i>Morganella sp.</i>	1	0,93
BCA - <i>Moraxella catarrhalis</i>	1	0,93
CI- - <i>Citrobacter sp.</i>	1	0,93
PMA - <i>Stenotrophomonas maltophilia</i>	1	0,93
TOTAL	107	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* (3) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (4)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* (3) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (3) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (0) + SHO - *Staphylococcus hominis* (1) + SLU - *Staphylococcus lugdunensis* (0)
- **CAN - *Candida sp.*** = CAN - *Candida sp.* (1) + CPA - *Candida parapsilosis* (0) + CTR - *Candida tropicalis* (0) + CGL - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región CENTRO | Áreas no críticas | 40 instituciones | 151 unidades

Sitio primario	Microorganismo	N	%
IGI - Infección Gastrointestinal	ECO - <i>Escherichia coli</i>	4	40,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	3	30,00
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	10,00
	EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	1	10,00
	PMA - <i>Stenotrophomonas maltophilia</i>	1	10,00
IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	20,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	20,00
	EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	1	20,00
	EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	20,00
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	20,00
IPS - Infección Primaria de la Sangre	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	4	36,36
	SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	2	18,18
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	2	18,18
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	9,10
	CAL - <i>Candida albicans</i>	1	9,10
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	9,10
ISNC - Sistema Nervioso Central	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	100,00
ISCV - Infección del Sistema Cardiovascular	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	100,00
ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico	ECO - <i>Escherichia coli</i>	4	25,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	3	18,75
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	3	18,75
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	2	12,50
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	2	12,50
	AC- - <i>Acinetobacter sp.</i>	1	6,25
	CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	6,25
ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	33,33
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	33,33
	BCA - <i>Moraxella catarrhalis</i>	1	33,33
ITU - Infección del Tracto Urinario	ECO - <i>Escherichia coli</i>	10	31,25
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	6	18,75
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	5	15,63
	AC- - <i>Acinetobacter sp.</i>	2	6,25
	CAN - <i>Candida sp.</i>	1	3,13
	CAL - <i>Candida albicans</i>	1	3,13
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	3,13
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	3,13

	EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	1	3,13
	PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	1	3,13
	MOR - <i>Morganella</i> sp.	1	3,13
	PS- - <i>Pseudomonas</i> sp.	1	3,13
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	3,13
NEU - Neumonía	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	4	36,36
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	2	18,18
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	2	18,18
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	9,09
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	9,09
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	9,09
IORL - Infección Ocular, Garganta, Naríz, Oído y Boca	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	50,00
	CI- - <i>Citrobacter</i> sp.	1	50,00
IOST - Infección Osteoarticular	SCN – <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	5	33,33
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	4	26,67
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	2	13,33
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	2	13,33
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	6,67
	ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	1	6,67

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*
- **SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo** = SCN – *Staphylococcus* coagulasa negativo + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región CENTRO | Áreas no críticas | 40 instituciones | 151 unidades

Microorganismo	Meticilino resistente			Meticilino sensible	
	N	N	%	N	%
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	14	6	42,86	8	57,14
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	7	5	71,43	2	28,77

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus sp***

Región CENTRO | Áreas no críticas | 40 instituciones | 151 unidades

Microorganismo	Resistente a vancomicina			Sensible a vancomicina	
	N	N	%	N	%
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	7	0	0,00	7	100,00
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	3	3	100,00	0	0,00
ENT – <i>Enterococcus sp.</i>	1	0	0,00	1	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**
Región CENTRO | Áreas no críticas | 40 instituciones | 151 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
ECO - <i>Escherichia coli</i>	20	0	0,00
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	14	1	7,14
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	6	0	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	3	1	33,33
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	0	0,00
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	0	0,00
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	0	0,00
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	0	0,00
MOR - <i>Morganella sp.</i>	1	0	0,00
PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	1	1	100,00
CI- - <i>Citrobacter sp.</i>	1	0	0,00
TOTAL	50	3	6,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región CENTRO | Áreas no críticas | 40 instituciones | 151 unidades

Microorganismo	BLEE		SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
	N	%	N	%	N	%
ECO - <i>Escherichia coli</i>	20	35,00	0	0,00	0	0,00
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	14	78,57	1	7,17	0	0,00
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	6	0,00	0	0,00	0	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	3	33,33	0	0,00	1	33,33
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	100,00	0	0,00	0	0,00
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	0,00	0	0,00	0	0,00
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	0,00	0	0,00	0	0,00
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	0,00	0	0,00	0	0,00
MOR - <i>Morganella sp.</i>	1	0,00	0	0,00	0	0,00
PVU - <i>Proteus vulgaris</i>	1	0,00	0	0,00	0	0,00
CI- - <i>Citrobacter sp.</i>	1	0,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	50	40,00	1	2,00	1	2,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 153 instituciones | 615 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)	
	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	12	25,00
AC- – <i>Acinetobacter sp.</i>	7	100,00
TOTAL	19	52,63

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región CENTRO | Áreas no críticas | 40 instituciones | 151 unidades

Microorganismo	BLEE			SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
	N	N	%	N	%	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	12	1	8,33	0	0,00	0	0,00
AC- – <i>Acinetobacter</i> sp.	7	0	0,00	0	0,00	1	14,29
TOTAL	19	1	5,26	0	0,00	1	5,26

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Consolidado Regional

NORTE GRANDE

Áreas No Críticas

(17 instituciones – 58 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**

Región NORTE GRANDE | Áreas no críticas | 17 instituciones | 58 unidades

Microorganismo	N	%
ECO - <i>Escherichia coli</i>	14	24,14
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	13	22,41
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	9	15,52
PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	5	8,62
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	4	6,90
AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	2	3,45
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	2	3,45
ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	2	3,45
SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	1	1,72
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	1,72
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	1,72
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	1,72
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	1,72
KL- - <i>Klebsiella</i> sp.	1	1,72
PS- - <i>Pseudomonas</i> sp.	1	1,72
TOTAL	58	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. (0) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (2)
- **SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo** = SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo (0) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (1) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (0) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0) + SLU - *Staphylococcus lugdunensis* (0)
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. (0) + CPA - *Candida parapsilosis* (0) + CTR - *Candida tropicalis* (0) + CGL - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región NORTE GRANDE | Áreas no críticas | 17 instituciones | 58 unidades

Sitio primario	Microorganismo	N	%
IGI - Infección Gastrointestinal	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	33,33
	CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	33,33
	ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	1	33,33
IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	2	25,00
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	2	25,00
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	12,50
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	12,50
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	1	12,50

	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	12,50
IPS - Infección Primaria de la Sangre	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	2	40,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	20,00
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	20,00
	PS- - <i>Pseudomonas</i> sp.	1	20,00
	SCN – <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	1	100,00
ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	5	41,67
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	3	25,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	2	16,67
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	8,33
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	8,33
ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	50,00
	PS- - <i>Pseudomonas</i> sp.	1	50,00
ITU - Infección del Tracto Urinario	ECO - <i>Escherichia coli</i>	11	57,89
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	4	21,05
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	5,26
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	5,26
	ENT - <i>Enterococcus</i> sp.	1	5,26
	KL- - <i>Klebsiella</i> sp.	1	5,26
IOST - Infección Osteoarticular	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	3	42,86
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	14,29
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	1	14,29
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	14,29
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	14,29

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus* coagulasa negativo + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región NORTE GRANDE | Áreas no críticas | 17 instituciones | 58 unidades

Microorganismo	Meticilino resistente			Meticilino sensible	
	N	N	%	N	%
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	13	4	30,77	9	69,23
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	1	1	100,00	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus sp***

Región NORTE GRANDE | Áreas no críticas | 17 instituciones | 58 unidades

Microorganismo	Resistente a vancomicina			Sensible a vancomicina	
	N	N	%	N	%
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	0	0,00	1	100,00
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	0	0	-	0	-
ENT – <i>Enterococcus sp.</i>	2	1	50,00	1	50,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**
Región NORTE GRANDE | Áreas no críticas | 17 instituciones | 58 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
ECO - <i>Escherichia coli</i>	14	0	0,00
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	9	0	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	4	0	0,00
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	2	0	0,00
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	0	0,00
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	0	0,00
KL- - <i>Klebsiella sp.</i>	1	0	0,00
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	0	0,00
TOTAL	33	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región NORTE GRANDE | Áreas no críticas | 17 instituciones | 58 unidades

Microorganismo	BLEE			SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
	N	N	%	N	%	N	%
ECO - <i>Escherichia coli</i>	14	8	57,14	0	0,00	0	0,00
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	9	5	55,56	0	0,00	0	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	4	4	100,00	0	0,00	0	0,00
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	2	1	50,00	0	0,00	0	0,00
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	1	100,00	0	0,00	0	0,00
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	1	100,00	0	0,00	0	0,00
KL- - <i>Klebsiella sp.</i>	1	1	100,00	0	0,00	0	0,00
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	33	20	60,61	0	0,00	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región NORTE GRANDE | Áreas no críticas | 17 instituciones | 58 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	5	4	80,00
AC- – <i>Acinetobacter sp.</i>	2	2	100,00
TOTAL	7	6	85,71

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región NORTE GRANDE | Áreas no críticas | 17 instituciones | 58 unidades

Microorganismo	BLEE			SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
	N	N	%	N	%	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	5	0	0,00	0	0,00	2	100,00
AC- – <i>Acinetobacter sp.</i>	2	0	0,00	1	50,00	0	0,00
TOTAL	7	0	0,00	1	14,29	2	28,57

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Consolidado Regional
NUEVO CUYO
Áreas No Críticas
(9 instituciones – 51 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**
Región NUEVO CUYO | Áreas no críticas | 9 instituciones | 51 unidades

Microorganismo	N	%
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	5	15,6
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	4	12,5
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	4	12,5
AC- - <i>Acinetobacter sp.</i>	4	12,5
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	4	12,5
ECO - <i>Escherichia coli</i>	2	6,25
PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	2	6,25
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	3,13
CAN - <i>Candida sp.</i>	1	3,13
CAL - <i>Candida albicans</i>	1	3,13
SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	1	3,13
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	3,13
MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	3,13
ASP - <i>Aspergillus sp.</i>	1	3,13
TOTAL	32	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* (0) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (4)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* (0) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (2) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (2) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0) + SLU - *Staphylococcus lugdunensis* (0)
- **CAN - *Candida sp.*** = CAN - *Candida sp.* (0) + CPA - *Candida parapsilosis* (1) + CTR - *Candida tropicalis* (0) + CGL - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región NUEVO CUYO | Áreas no críticas | 9 instituciones | 51 unidades

Sitio primario	Microorganismo	N	%
IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	50,00
	SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	1	50,00
IPS - Infección Primaria de la Sangre	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	20,00
	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	1	20,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	20,00
	CAL - <i>Candida albicans</i>	1	20,00
	MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	20,00
ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	3	30,00
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	2	20,00
	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	2	20,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	10,00
	SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	10,00
	CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	10,00
ISIS - Infección Sistémica	CAN - <i>Candida</i> sp.	1	100,00
ITU - Infección del Tracto Urinario	ECO - <i>Escherichia coli</i>	2	66,67
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	33,33
NEU - Neumonía	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	4	57,14
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	14,29
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	14,29
	ASP - <i>Aspergillus</i> sp.	1	14,29
IOST - Infección Osteoarticular	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	25,00
	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	1	25,00
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	25,00
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	25,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC-** - *Acinetobacter* sp. = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*
- **SCN - Staphylococcus coagulasa negativo** = SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*
- **CAN - Candida sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región NUEVO CUYO | Áreas no críticas | 9 instituciones | 51 unidades

Microorganismo	Meticilino resistente			Meticilino sensible	
	N	N	%	N	%
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	5	2	40,00	3	60,00
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	4	3	75,00	1	25,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus sp***

Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 153 instituciones | 615 unidades

Microorganismo	Resistente a vancomicina			Sensible a vancomicina	
	N	N	%	N	%
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	0	0	-	0	-
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	0	0	-	0	-
ENT – <i>Enterococcus sp.</i>	0	0	-	0	-

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**

Región NUEVO CUYO | Áreas no críticas | 9 instituciones | 51 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	4	0	0,00
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	4	2	50,00
ECO - <i>Escherichia coli</i>	2	0	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	0	0,00
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	0	0,00
MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	0	0,00
TOTAL	13	2	15,38

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región NUEVO CUYO | Áreas no críticas | 9 instituciones | 51 unidades

Microorganismo	BLEE			SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
	N	N	%	N	%	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	4	2	50,00	0	0,00	0	0,00
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	4	3	75,00	0	0,00	0	0,00
ECO - <i>Escherichia coli</i>	2	0	0,00	0	0,00	0	0,00
SMA - <i>Serratia marcescens</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	1	100,00	0	0,00	0	0,00
MMO - <i>Morganella morganii</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	13	6	46,15	0	0,00	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región NUEVO CUYO | Áreas no críticas | 9 instituciones | 51 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	2	0	0,00
AC- – <i>Acinetobacter</i> sp.	4	4	100,00
TOTAL	6	4	66,67

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región NUEVO CUYO | Áreas no críticas | 9 instituciones | 51 unidades

Microorganismo	BLEE			SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
	N	N	%	N	%	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	2	0	0,00	0	0,00	0	0,00
AC- – <i>Acinetobacter</i> sp.	4	0	0,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	6	0	0,00	0	0,00	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Consolidado Regional
BUENOS AIRES
Áreas No Críticas
(23 instituciones – 74 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**
Región BUENOS AIRES | Áreas no críticas | 23 instituciones | 74 unidades

Microorganismo	N	%
ECO - <i>Escherichia coli</i>	11	23,91
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	7	15,22
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	3	6,52
PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	9	19,57
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	2	4,35
AC- - <i>Acinetobacter sp.</i>	2	4,35
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	3	6,52
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	2	4,35
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	2,17
CAN - <i>Candida sp.</i>	2	4,35
SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	1	2,17
KL- - <i>Klebsiella sp.</i>	1	2,17
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	2,17
MOR - <i>Morganella sp.</i>	1	2,17
TOTAL	46	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* (0) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (2)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* (2) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (0) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (0) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0) + SLU - *Staphylococcus lugdunensis* (0)
- **CAN - *Candida sp.*** = CAN - *Candida sp.* (1) + CPA - *Candida parapsilosis* (1) + CTR - *Candida tropicalis* (0) + CGL - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región BUENOS AIRES | Áreas no críticas | 23 instituciones | 74 unidades

Sitio primario	Microorganismo	N	%
IGI - Infección Gastrointestinal	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	50,00
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	1	50,00
IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas	MOR - <i>Morganella</i> sp.	1	100,00
IPS - Infección Primaria de la Sangre	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	2	50,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	25,00
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	25,00
ISCV - Infección del Sistema Cardiovascular	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	2	66,67
	CAN - <i>Candida</i> sp.	1	33,33
ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	6	42,86
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	3	21,43
	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	1	1,14
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	1,14
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	1,14
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	1	1,14
	SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	1	1,14
ISIS - Infección Sistémica	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	100,00
ITU - Infección del Tracto Urinario	ECO - <i>Escherichia coli</i>	5	38,46
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	2	15,38
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	2	15,38
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	7,69
	CAN - <i>Candida</i> sp.	1	7,69
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	7,69
	EN- - <i>Enterobacter</i> sp.	1	7,69
NEU - Neumonía	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	100,00
IREPR - Infección del Aparato Reproductor	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	100,00
IOST - Infección Osteoarticular	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	3	50,00
	SCN - <i>Staphylococcus</i> coagulasa negativo	1	16,67
	KL- - <i>Klebsiella</i> sp.	1	16,67
	ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	1	16,67

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*
- **SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo** = SCN - *Staphylococcus* coagulasa negativo + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región BUENOS AIRES | Áreas no críticas | 23 instituciones | 74 unidades

Microorganismo	Meticilino resistente			Meticilino sensible	
	N	N	%	N	%
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	7	4	57,14	3	42,86
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	2	0	0,00	2	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN – *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus sp***

Región BUENOS AIRES | Áreas no críticas | 23 instituciones | 74 unidades

Microorganismo	Resistente a vancomicina			Sensible a vancomicina	
	N	N	%	N	%
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	1	100,00	0	0,00
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	0	0	-	0	-

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**
Consolidado Argentina | Áreas no críticas | 153 instituciones | 615 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
ECO - <i>Escherichia coli</i>	11	0	0,00
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	3	1	33,00
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	3	0	0,00
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	2	0	0,00
KL- - <i>Klebsiella sp.</i>	1	0	0,00
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	0	0,00
MOR - <i>Morganella sp.</i>	1	0	0,00
TOTAL	22	1	4,55

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**
Región BUENOS AIRES | Áreas no críticas | 23 instituciones | 74 unidades

Microorganismo	N	BLEE		SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
		N	%	N	%	N	%
ECO - <i>Escherichia coli</i>	11	5	45,45	0	0,00	0	0,00
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	3	0	0,00	1	33,33	0	0,00
PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	3	0	0,00	0	0,00	0	0,00
ECL - <i>Enterobacter cloacae</i>	2	0	0,00	0	0,00	0	0,00
KL- - <i>Klebsiella sp.</i>	1	1	100,00	0	0,00	0	0,00
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	1	50,00	0	0,00	0	0,00
MOR - <i>Morganella sp.</i>	1	1	100,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	22	8	36,36	1	4,55	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región BUENOS AIRES | Áreas no críticas | 23 instituciones | 74 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	9	3	33,33
AC- – <i>Acinetobacter</i> sp.	2	1	50,00
TOTAL	11	4	36,36

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región BUENOS AIRES | Áreas no críticas | 23 instituciones | 74 unidades

Microorganismo	N	BLEE		SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
		N	%	N	%	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	9	0	0,00	0	0,00	0	0,00
AC- – <i>Acinetobacter</i> sp.	2	0	0,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	11	0	0,00	0	0,00	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Consolidado Regional
Áreas No Críticas
PATAGONIA
(20 instituciones – 58 unidades)

Tabla 1: **Microorganismos más frecuentemente hallados**
Región PATAGONIA | Áreas no críticas | 20 instituciones | 58 unidades

Microorganismo	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	12	31,58
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	7	18,42
ECO - <i>Escherichia coli</i>	5	13,16
PCE - Complejo <i>Burkholderia cepacia</i>	3	7,89
PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	2,63
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	1	2,63
AC- - <i>Acinetobacter sp.</i>	1	2,63
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	1	2,63
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	2,63
SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	1	2,63
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	2,63
KL- - <i>Klebsiella sp.</i>	1	2,63
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	2,63
PRV - <i>Providencia sp.</i>	1	2,63
SPN - <i>Streptococcus pneumoniae</i>	1	2,63
TOTAL	38	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* (1) + ABA - *Acinetobacter baumannii* (0)
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* (1) + SEP - *Staphylococcus epidermidis* (0) + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* (0) + SHO - *Staphylococcus hominis* (0) + SLU - *Staphylococcus lugdunensis* (0)
- **CAN - *Candida sp.*** = CAN - *Candida sp.* (0) + CPA - *Candida parapsilosis* (0) + CTR - *Candida tropicalis* (0) + CGL - *Candida glabrata* (0)

Tabla 2: **Microorganismos más frecuentemente hallados según sitio primario**

Región PATAGONIA | Áreas no críticas | 20 instituciones | 58 unidades

Sitio primario	Microorganismo	N	%
IGI - Infección Gastrointestinal	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	50,00
	CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	50,00
IPPB - Infección de Piel y Partes Blandas	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	100,00
IPS - Infección Primaria de la Sangre	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	3	37,50
	PCE - Complejo <i>Burkholderia cepacia</i>	3	37,50
	SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	1	12,50
	KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	12,50
ISQ - Infección del Sitio Quirúrgico	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	25,00
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	25,00
	SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	1	25,00
	EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	25,00
ITRI - Infección del Tracto Respiratorio Inferior	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	100,00
ITU - Infección del Tracto Urinario	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	8	50,00
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	4	25,00
	AC- - <i>Acinetobacter sp.</i>	1	6,25
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	6,25
	KL- - <i>Klebsiella sp.</i>	1	6,25
	PRV - <i>Providencia sp.</i>	1	6,25
NEU - Neumonía	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	2	50,00
	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	25,00
	SPN - <i>Streptococcus pneumoniae</i>	1	25,00
IOST - Infección Osteoarticular	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	1	50,00
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	50,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC-** - *Acinetobacter sp.* = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii*
- **SCN** - *Staphylococcus coagulasa negativo* = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*
- **CAN** - *Candida sp.* = CAN - *Candida sp.* + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Tabla 3: **Meticilino resistencia en *Staphylococcus aureus* y *Staphylococcus coagulasa negativo***

Región PATAGONIA | Áreas no críticas | 20 instituciones | 58 unidades

Microorganismo	Meticilino resistente			Meticilino sensible	
	N	N	%	N	%
SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	7	5	71,43	2	28,57
SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	1	1	100,00	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*

Tabla 4: **Resistencia a vancomicina en *Enterococcus sp***

Región PATAGONIA | Áreas no críticas | 20 instituciones | 58 unidades

Microorganismo	Resistente a vancomicina			Sensible a vancomicina	
	N	N	%	N	%
EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	0	0	-	0	-
EFM - <i>Enterococcus faecium</i>	1	0	0,00	1	100,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Tabla 5: **Enterobacterias no sensibles a carbapenemes**

Región PATAGONIA | Áreas no críticas | 20 instituciones | 58 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	12	0	0,00
ECO - <i>Escherichia coli</i>	5	0	0,00
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	0	0,00
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	0	0,00
KL- - <i>Klebsiella sp.</i>	1	0	0,00
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	0	0,00
PRV - <i>Providencia sp.</i>	1	0	0,00
TOTAL	22	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: No Sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Tabla 6: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en Enterobacterias**

Región PATAGONIA | Áreas no críticas | 20 instituciones | 58 unidades

Microorganismo	N	BLEE		SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
		N	%	N	%	N	%
KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	12	8	66,67	0	0,00	0	0,00
ECO - <i>Escherichia coli</i>	5	0	0,00	0	0,00	0	0,00
KOX - <i>Klebsiella oxytoca</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
CFR - <i>Citrobacter freundii</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
KL- - <i>Klebsiella sp.</i>	1	1	100,00	0	0,00	0	0,00
EN- - <i>Enterobacter sp.</i>	1	1	100,00	0	0,00	0	0,00
PRV - <i>Providencia sp.</i>	1	1	100,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	22	11	50,00	0	0,00	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina VIHDA – Sistema SisWEP

Nota: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Tabla 7: **Bacilos gram negativos no fermentadores no sensibles a carbapenemes**

Región PATAGONIA | Áreas no críticas | 20 instituciones | 58 unidades

Microorganismo	No sensibles (R+I)		
	N	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	0	0,00
AC- – <i>Acinetobacter sp.</i>	1	1	100,00
TOTAL	2	1	50,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: No sensibles= Resistente (R) + Intermedio (I)

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter sp.*** = AC- - *Acinetobacter sp.* + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Tabla 8: **Mecanismos de resistencia inferidos por los laboratorios en bacilos gram negativos no fermentadores**

Región PATAGONIA | Áreas no críticas | 20 instituciones | 58 unidades

Microorganismo	BLEE			SERIN CARBAPENEMASA		MBL	
	N	N	%	N	%	N	%
PAE – <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
AC- – <i>Acinetobacter</i> sp.	1	0	0,00	0	0,00	0	0,00
TOTAL	2	0	0,00	0	0,00	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota 1: BLEE= Beta lactamasa de espectro extendido | MBL= Metalobetalactamasa

Nota 2: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*

Intervenciones Quirúrgicas

Pacientes Adultos

Tabla 1: **Tasa de prevalencia de ISQ**

Consolidado Argentina | 144 instituciones | Pacientes adultos

N de IQ	N de ISQ	Tasa
1321	128	9,68

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 2: **Tasa de prevalencia de ISQ según tipo de cirugía**

Consolidado Argentina | 144 instituciones | Pacientes adultos

Tipo de herida	N de IQ	N de ISQ	Tasa
Contaminada	166	17	10,24
Desconocida	20	1	5,00
Limpia	670	66	9,85
Limpia Contaminada	359	34	9,47
Sucia	106	10	9,43

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 3: **Tasa de Prevalencia de ISQ en pacientes sometidos a cirugía de colocación de prótesis de rodilla y cadera**

Consolidado Argentina | 144 instituciones | Pacientes adultos

Localización	N de IQ	N de ISQ	Tasa
Prótesis de Cadera	81	14	17,28
Prótesis de Rodilla	15	3	20,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 4: **Tasa de Prevalencia de ISQ según procedimientos quirúrgicos específicos**

Consolidado Argentina | 144 instituciones | Pacientes adultos

Procedimiento quirúrgico	N de IQ	N de ISQ	Tasa
Cesárea	131	8	6,11
Prótesis de Cadera	81	14	17,28
Reducción Quirúrgica de Fractura	80	13	16,25
Laparotomía	72	9	12,50
Colecistectomía	65	0	0,00
Craneotomía	53	3	5,66
Cirugía Musculoesquelética, sin especificar	53	3	5,66
Cirugía de Colon	50	5	10,00
Amputación	47	0	0,00
Cirugía de Pulmón, Pleural, Mediastino y Pared Torácica	43	1	2,33
Apendicectomía	42	4	9,52
Cirugía del Sistema Nervioso	41	5	12,20
Cirugía Gastrointestinal	41	5	12,20
Artrodesis de Columna posterior	32	11	34,38
Cirugía Pancreática, Vías Biliares e Hígado	32	3	9,38
Cirugía Cardíaca - Cambio de válvula	31	0	0,00
Cirugía Genital Femenina	27	0	0,00
Herniorrafia	22	2	9,09
Retiro de Prótesis	21	7	33,33
Cirugía Tegumentaria, sin especificar	17	1	5,88
Cirugía Gástrica	16	1	6,25
Prótesis de Unión, sin especificar	16	3	18,75
Prótesis de Rodilla	15	3	20,00
Bypass en la Arteria Coronaria, sin especificar	15	1	6,67
Bypass en la Arteria Coronaria - Puente Mamario	14	0	0,00
Cirugía de Intestino Delgado	14	1	7,14
Tratamiento quirúrgico de la Osteomielitis	11	1	9,09
Cirugía Genital Masculina	10	2	20,00
Inserción de Marcapasos	10	1	10,00
Laminectomía	9	1	11,11
Mastectomía	9	1	11,11
Nefrectomía	9	0	0,00
Derivación Ventricular (Shunt)	9	1	11,11
Cirugía Cardiovascular, sin especificar	9	0	0,00
Artrodesis de Columna anterior	9	3	33,33
Bypass Periférico Vascular	8	0	0,00
Cirugía Artroscópica de Rodilla	8	1	12,50

Procedimiento quirúrgico (continuación)	N de IQ	N de ISQ	Tasa
Cirugía Genitourinaria, sin especificar	8	1	12,50
Cirugía Torácica, sin especificar	8	0	0,00
Histerectomía Abdominal	8	2	25,00
Cirugía Renal	7	0	0,00
Cirugía de Bronquios y Tráquea	7	0	0,00
Prostatectomía	7	0	0,00
Cirugía de Ureter	6	0	0,00
Cirugía del Cuello, sin especificar	6	1	16,67
Cirugía Cardíaca, sin especificar	6	1	16,67
Corrección de Luxación	6	0	0,00
Cirugía Rectal	6	0	0,00
Cirugía Otorrinolaringológica, sin especificar	6	1	16,67
Cirugía Vasculare	5	0	0,00
Plástica	5	0	0,00
Bypass en la Arteria Coronaria - Puente Safena	4	0	0,00
Artrotomía	4	2	50,00
Aneurisma Aórtica	3	0	0,00
Cirugía Artroscópica, sin especificar	3	0	0,00
Cirugía de Vejiga	3	0	0,00
Cirugía de Laringe	3	0	0,00
Cirugía de Lengua	3	0	0,00
Procedimiento Obstétrico, sin especificar	3	0	0,00
Discectomía	3	0	0,00
Resección Transuretral de Próstata	3	0	0,00
Trasplante de Hígado	2	0	0,00
Trasplante de Riñón	2	0	0,00
Histerectomía Vaginal	2	0	0,00
Injerto de Piel	2	0	0,00
Esplenectomía	2	1	50,00
Cirugía del Oído	2	0	0,00
Cirugía del Sistema Linfático, sin especificar	2	0	0,00
Bypass en la Arteria Coronaria - Segunda Revascularización	2	0	0,00
Cirugía endocrinológica, sin especificar	1	0	0,00
Flebotomía	1	0	0,00
Fractura de Mandíbula	1	0	0,00
Osteotomía	1	0	0,00
Otros Sistemas Respiratorios	1	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Sólo se han incluidos en este listado determinados procedimientos seleccionados

Tabla 5: **Microorganismos más frecuentemente hallados según procedimientos quirúrgicos específicos**

Consolidado Argentina | 144 instituciones | Pacientes adultos

Procedimiento quirúrgico	Microorganismo	N	%
Cesárea	SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	2	33,33
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	2	33,33
	SVI - <i>Streptococcus</i> Grupo <i>viridans</i>	1	16,66
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	1	16,67
Prótesis de Cadera	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	4	28,57
	ECO - <i>Escherichia coli</i>	3	21,43
	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	2	14,29
	KPN - <i>Klebsiella pneumoniae</i>	1	7,14
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	1	7,14
	PMI - <i>Proteus mirabilis</i>	1	7,14
	CAN - <i>Candida</i> sp.	1	7,14
	EFA - <i>Enterococcus faecalis</i>	1	7,14
Craneotomía	PAE - <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	50,00
	AC- - <i>Acinetobacter</i> sp.	1	50,00
Prótesis de Rodilla	SAU - <i>Staphylococcus aureus</i>	2	66,67
	SCN - <i>Staphylococcus coagulasa negativo</i>	1	33,33

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Nota: Por recomendación del comité asesor, se han agrupado algunos microorganismos para una mejor interpretación, conforme la siguiente convención:

- **AC- - *Acinetobacter* sp.** = AC- - *Acinetobacter* sp. + ABA - *Acinetobacter baumannii*
- **SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo*** = SCN - *Staphylococcus coagulasa negativo* + SEP - *Staphylococcus epidermidis* + SHL - *Staphylococcus haemolyticus* + SHO - *Staphylococcus hominis* + SLU - *Staphylococcus lugdunensis*
- **CAN - *Candida* sp.** = CAN - *Candida* sp. + CPA - *Candida parapsilosis* + CTR - *Candida tropicalis* + CGL - *Candida glabrata*

Pacientes Pediátricos

Tabla 1: **Tasa de prevalencia de ISQ**

Consolidado Argentina | 144 instituciones | Pacientes pediátricos

N de IQ	N de ISQ	Tasa
137	4	2,92

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 2: **Tasa de prevalencia de ISQ según tipo de cirugía**

Consolidado Argentina | 144 instituciones | Pacientes pediátricos

Tipo de herida	N de IQ	N de ISQ	Tasa
Contaminada	24	2	8,33
Limpia	50	0	0,00
Limpia Contaminada	47	2	4,25
Desconocida	4	0	0,00
Sucia	12	0	0,00

Fuente: Programa Nacional de Vigilancia de Infecciones Hospitalarias de Argentina (VIHDA) – Sistema SisWEP

Tabla 3: **Tasa de Prevalencia de ISQ según procedimientos quirúrgicos específicos**

Consolidado Argentina | 144 instituciones | Pacientes pediátricos

Procedimiento quirúrgico	N de IQ	N de ISQ	Tasa
Apendicectomía	27	0	0,00
Cirugía Cardíaca - Congénita	13	0	0,00
Cirugía Gástrica	9	0	0,00
Cirugía Gastrointestinal	9	1	11,11
Cirugía de Colon	9	0	0,00
Tratamiento quirúrgico de la Osteomielitis	6	1	16,67
Derivación Ventricular (Shunt)	5	0	0,00
Laparotomía	5	0	0,00
Cirugía de Bronquios y Tráquea	4	0	0,00
Cirugía de Intestino Delgado	4	1	25,00
Cirugía de Pulmón, Pleural, Mediastino y Pared Torácica	3	0	0,00
Cesárea	3	0	0,00
Cirugía Musculoesquelética, sin especificar	3	0	0,00
Craneotomía	3	0	0,00
Plástica	3	0	0,00
Reducción Quirúrgica de Fractura	3	0	0,00
Osteotomía	2	0	0,00
Injerto de Piel	2	1	50,00
Cirugía Rectal	2	0	0,00
Cirugía Tegumentaria, sin especificar	2	0	0,00
Cirugía Vasculare	2	0	0,00
Colecistectomía	2	0	0,00
Cirugía Otorrinolaringológica, sin especificar	2	0	0,00
Cirugía Pancreática, Vías Biliares e Hígado	1	0	0,00
Cirugía Cardiovascular, sin especificar	1	0	0,00
Cirugía Genital Femenina	1	0	0,00
Cirugía Genitourinaria, sin especificar	1	0	0,00
Amputación	1	0	0,00
Artrotomía	1	0	0,00
Cirugía de Vejiga	1	0	0,00
Cirugía del Globo Ocular	1	0	0,00
Cirugía del Oído	1	0	0,00
Cirugía del Sistema Nervioso	1	0	0,00
Corrección de Luxación	1	0	0,00
Cirugía Renal	1	0	0,00
Meningocelelectomía	1	0	0,00
Nefrectomía	1	0	0,00